

Supplementary Materials Information

Supplementary Materials Table S1. The primer lists used in this study.

Supplementary Materials Table S2. The sequence information of all 84 *CrLEA* and 3 *CrASR* genes.

Supplementary Materials Table S3. The conserved motifs of the *CrLEA* proteins analyzed with MEME tool.

Supplementary Materials Table S4. The *cis*-regulatory elements identified in promoter regions of *CrLEAs* and *CrASRs*.

Supplementary Materials Table S5. The numbers of subfamilies of *LEA/ASR* genes in different legume species.

Supplementary Materials Figure S1. Predicted 3D models of *CrLEA* and *CrASR* proteins. Models were generated by using Phyre2 server at intensive mode. Models were visualized by rainbow color from N to C terminus and organized in order their subfamilies and names.

Supplementary Materials Figure S2. Predicted disorder profile plots of *CrLEA* and *CrASR* proteins by PrDOS (Protein DisOrder prediction System, <http://prdos.hgc.jp/cgi-bin/top.cgi>, accessed on 22 April 2021), with the false positive rate (FP) = 5%.

Supplementary Materials Figure S3. Phylogenetic tree of the plant *ASR* members. Three *CrASRs* were marked with symbol "▲". The amino acid sequences of plant *ASRs* used were as follows: *SbASR-1* from *Salicornia brachiata* (NCBI accession no.: ACI15208.1); *SulASR* from *Suaeda liaotungensis* (NCBI accession no.: AGZ20206.1); *CqASR* from *Chenopodium quinoa* (NCBI accession no.: XP021737749.1); *IpASR* from *Ipomoea pes-caprae* (NCBI accession no.: AWW16497.1); tomato *ASRs* (NCBI accession no.: AAY97998.1 for *SIASR1*, AAP37982.1 for *SIASR2*, AAY98003.1 for *SIASR3*, AAY98032.1 for *SIASR4*, and XP_004237807.1 for *SIASR5*); *OsASRs* from *Oryza sativa* (NCBI accession no.: BAG88534.1 for *OsASR1*, XP_015635329.1 for *OsASR2*, BAG89007.1 for *OsASR3*, XP_025880738.1 for *OsASR4*, BAG99580.1 for *OsASR5*, and BAG87564.1 for *OsASR6*); soybean *ASRs* (Phytozome locus name: Glyma.20G167500.1, Glyma.10G224300.1, and Glyma.16G166600.1), common bean *ASRs* (Phytozome locus name: Phvul.007G080400.1 and Phvul.004G094600.1); alfalfa *ASRs* (Phytozome locus name: Medtr6g037220.1, Medtr0583s0010.1, and Medtr1g098680.1), chickpea *ASRs* (Phytozome locus name: Ca_04381, Ca_25393, Ca_25396, and Ca_16211), and apple *ASRs* (Phytozome locus name: MDP0000253074, MDP0000136340, MDP0000435025, MDP0000564469, MDP0000128468, and MDP0000145407).

Table S1. The primer list used in this study.

Primer ID	Sequence (from 5' to 3')	Purpose
CrASR1F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCTGAAGAGAAACACCAC	Primer pair for construction of CrASR1-pYES2 for functional verification in yeast
CrASR1R	GATATCTGCAGAATTCTCAGCCAAACAGGTGGTGGTG	
CrASR2F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCTGAGGAGAAACACC	Primer pair for construction of CrASR2-pYES2 for functional verification in yeast
CrASR2R	GATATCTGCAGAATTCTCAACCAAAAAGATGGTGATG	
CrASR3F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCTGAGGAGAAGCACCAC	Primer pair for construction of CrASR3-pYES2 for functional verification in yeast
CrASR3R	GATATCTGCAGAATTCTCAGCCAAACAGATGATGGTG	
CrDHN1F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCAAATTATCAGAACCA	Primer pair for construction of CrDHN1-pYES2 for functional verification in yeast
CrDHN1R	GATATCTGCAGAATTCTACTTGTGTGATGATGTG	
CrDHN2F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCAGAGGAAAATCAGAAC	Primer pair for construction of CrDHN2-pYES2 for functional verification in yeast
CrDHN2R	GATATCTGCAGAATTCTCAGTCACCGGCACTCTCC	
CrDHN3F	TACCGAGCTCGGATCCATGTCTGAAGCCCAACTACG	Primer pair for construction of CrDHN3-pYES2 for functional verification in yeast
CrDHN3R	GATATCTGCAGAATTCTCAGTTGGTGTGATGGCCAG	
CrDHN4F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCAGAGGAGAAGCTGAAC	Primer pair for construction of CrDHN4-pYES2 for functional verification in yeast
CrDHN4R	GATATCTGCAGAATTCTCAATGAGTATCGGTCTCC	
CrDHN5F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCAAGTTATCAGAGTC	Primer pair for construction of CrDHN5-pYES2 for functional verification in yeast
CrDHN5R	GATATCTGCAGAATTCTACTTCTCGTTGTGTCTCTC	
CrLEA4-1F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCGTCGAGGCAAGAATTC	Primer pair for construction of CrLEA4-1-pYES2 for functional verification in yeast
CrLEA4-1R	GATATCTGCAGAATTCTCACATTTTCTCACGACCAC	
CrLEA4-2F	TACCGAGCTCGGATCCATGGCGTCAAGGCAACAACC	Primer pair for construction of CrLEA4-2-pYES2 for functional verification in yeast
CrLEA4-2R	GATATCTGCAGAATTCTTATTTGTACGTCGCTCCAC	
CrASR1RTF	CCACAACAAGGACGAGGATAAG	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrASR1</i> in <i>C. rosea</i>
CrASR1RTR	TAGCCAACGGAAGGTTTCATTAC	
CrASR2RTF	ACCATCATCACCACCATCAC	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrASR22</i> in <i>C. rosea</i>
CrASR2RTR	CATCCACATTTCCAGCAACATC	
CrASR3RTF	CTGCTGGTGCTTATGCTTTG	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrASR3</i> in <i>C. rosea</i>
CrASR3RTR	GCCGCAATCTCCTCTTCTATC	
CrDHN1RTF	GTGGCAGTACTAAAGTGGTAGG	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrDHN1</i> in <i>C. rosea</i>
CrDHN1RTR	CTTGTGTGATGATGTGTTCCAG	
CrDHN2RTF	ACAGCAGCTCAAGCTCTTC	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrDHN2</i> in <i>C. rosea</i>
CrDHN2RTR	CCTCGATCTTCTCCTTCAATCC	
CrDHN3RTF	GAGGAAGAAGAAAGGACTGAAGG	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrDHN3</i> in <i>C. rosea</i>
CrDHN3RTR	GATGTAGTGGTGGTGGTTGTAG	
CrDHN4RTF	ACGATACCACTCCACCAATAC	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrDHN4</i> in <i>C. rosea</i>
CrDHN4RTR	TGAGGCTTCTCTTCTTCTCTTC	
CrDHN5RTF	TGGTTATGGTGCCACTGATTAT	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrDHN5</i> in <i>C. rosea</i>
CrDHN5RTR	CGGTAGTTCCTGTTCCACTTC	
CrLEA4-1RTF	GGTGTGATAGGGTCCATGTTTAG	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrLEA4-1</i> in <i>C. rosea</i>
CrLEA4-1RTR	GGTCTTCTGGGTGGTGAATC	
CrLEA4-2RTF	GCTACTGATGCTGCTAAGAGAG	Primer pair for qRT-PCR of <i>CrLEA4-2</i> in <i>C. rosea</i>
CrLEA4-2RTR	GCAGTCTCCGACGTTCTATTT	

CrEF- α RTF	GACCTTCTTCGTTTCTCGCA	Primer pair for qRT-PCR of reference gene
CrEF- α RTR	CGAACCTCTCAATCACACGC	<i>CrEF-α</i> in <i>C. rosea</i>
CrASR1-BDF	CATGGAGGCCGAATTCATGGCTGAAGAGAAACACCAC	Primer pair for construction of CrASR1-pGBKT7
CrASR1-BDR	GGATCCCCGGGAATTTCTCAGCCAAACAGGTGGTGGTG	BD vector for transactivation activity assay
CrASR2-BDF	CATGGAGGCCGAATTCATGGCTGAGGAGAAACACC	Primer pair for construction of
CrASR2-BDR	GGATCCCCGGGAATTTCTCAACCAAAAAGATGGTGATG	CrASR2-pGBKT7 BD vector for transactivation activity assay
CrASR3-BDF	CATGGAGGCCGAATTCATGGCTGAGGAGAAGCACCAC	Primer pair for construction of CrASR3-pGBKT7
CrASR3-BDR	GGATCCCCGGGAATTTCTCAGCCAAACAGATGATGGTG	BD vector for transactivation activity assay

Table S2. The sequence information of all 84 *CrLEA* and 3 *CrASR* genes.

The sequence information of the CrLEA/CrASR superfamily	
Protein	
CrLEA1-1	MQGAKKAGESAKETVANL GASAKSGMEKTKATVQEKTERMRARDPLQKDLATQKKEEKINQAE LDKQAAREHN AAAKQSATAGHMGGQHHTTGTGTGTATYSTTGQHGQPMGAHQTSAMPGHGTGQPTGHVTEGVVGSHPIGTNRD PDGTATAHNTRAGGNPNNDYGYGTGGTYT
CrLEA1-2	MQAAKQAVENIKETAANIGASAKSGLEKTKASIQEKTEKMSAHDEIQKEIATRKKKEERINQAEIEKQQAREYN AAAKQSAMAGHMSQAHYNSGPGTETATDLTIGSRPETDATYSTTGPGPEIPTTYSTTGPGETAIFPATGSG PDTATHPIGEYAQPMGITPMGVVGSNPSGTNTGVDSTAPMSGHNF
CrLEA1-3	MQSSKEQLQNVAAAAKEHVDIYKAKIDEKAERATARTEEEKAI VHERAKAKEAKAKMELHEAKARHAAEKL SN KQSHYYGLHEHESFVVGAAQQQPLVGNQTYQQGHSLGAVPMSGTTYPSYPLGGNPPSSKHI MHAKT DSEVTS LDASSTTRSPRAVYVQSPSHDGEKTTSLHSTPVLSPMGSPPHSHSSSRFSGSRKMNH RNNKTWKDIDVIEEGLLQSEERDRTLRRFYFLAFVIAFFLLFSFLSLLWGASRPMKPKIVIKS IKFDHLR VQAGSDSTGVATDMI TMNSTLKFYRNTGTFVGVHVTSTPLDLSYSEIVIATGNMKNFYQSRKSQRLVSVAVM GNKIPLYGSGASLSSSTGMPTVPVPLKLSFVIRSRAYVLGRVLKPKYKRVDCSITLDPKKITLPLSLKKSCT YD
CrLEA2-1	MADGPPATAATKPRRPRPPSGRNLASCVVATIFLIFIIIVILIVYYTVFKPQDPKIAVSAVQLPFSFVNVG TNFTFQSQYASVRNPNRAAFSHYDSSLQLLYSGSQVGFMPFIPAGEIDAGRTQYMAATFVSQFPLSAPARLGP TLANGDGVFNGLRVEPTMEIESKLEMAGRVRLHFFSHHVHAKAGCRVAIAVTDGVS LGFHC
CrLEA2-2	MAQSPEQVKPLAPFISSNYLSRQEDQNI SERKIIRIRKFRVRCGCVTALVLI FVVIILVLGFTVYNVKEPEVR MNRVILLNRTL ANGAINDVTL LADISLKN SNAFTFRFGYTNTTVYYDGT EIGEGTSPPGKAKARTRIRFNVTM EIMAKKLLAVPSES DIRDQALNISSYTMVDGKVKIYNLFMKKVVVELNCTIQYNITGLTSSNGGNCIGLV DL
CrLEA2-3	MATNMPKFKRKLGMGADGRTNPIVWLI AICTIIAVAVVVAGIAVFIGYIVIHPRVPIISVTD AHLDFLRNDY AGRLQTI RIVVTAKNGNAKAHATFSKMTFNI SYQGQDI AVLVDADPFEVPKNSSKELHYVVQSSS IPLNPDQM EETNAWKQNEIEFDKGAARTQWRVGPLGSVKFLCHLDCDLKFRPLNGSYVPSHCTSKSK MMSGRENVVRVSEEGEATSRQQQLYAAATPPSSHSTCKGCCCLFLLFSFLGLLVLAALLLIVLVKPRNPH LDLSQVGFQYMAIRPNPNDPATASLYL IIRLVLSVVNPNRVRIRYGESRLSLMFRGVTLGRASVPAFFQRAHS VTEVVATVAVDGVNLSEADAADFTRDALNDRVELRVLGHVAAKIRLFLNLYSPLQVSVNVCVIVISPRKQSLT YKQCGLEGLNV
CrLEA2-4	MTEPSSKPNGAINGAATTTNGNPGPVKSQLYPNRQLYRPQSHYHRRQRSHRNLC CCCCFTWILTLLAVAI LAAIVGAALYVLYRPHRPEFSVTNLR IAKMNLTTSSDSPSHLTTLFNLTLISKPNNHVFFYDPFTVNVFSN SVPVGNGLTAFTSDKNNQTSIRTVL SSGSDLDTESLTSLSRSLGKKGFPVEIQMDTKVKMKMDWLKSKKVG I RVTCDGKIGTVPAGKTPAVASVINS DCKVDLRIKWKFSF
CrLEA2-5	MEERVSSQLSPPPVPVQSPQDPSIQNHSSKALQLSPNLDPGTYVVRV PKDQVYRVPPEAEIAELHRSTPQ KNTKRTRCWCVTCFIAVIIVILIIIGGILGGLFSVVLKPKDPRFSIQHFNVLKGT PKPKYNIITLQAHNPN SKV GIWYKEGGHVSLSRPK EIASGSYPSFHQTPHDS TPFVGT LKASKAGFPKEVEESI TNHKKHVHVAFLTIHV PARMKMGLLRSGTMQFDVTCQVTLDSLAKTPRVLSQQCQTKRH
CrLEA2-6	MSQITIKSPKHCATKQGLKIERNYKFLYVFSAFFTSI LLLIILLIHLHPSKPKQFSLKQVDIYQLNLSGPN I NSSIQLTLLSKNPNQKVGIIYDEFQVYATYKQQITGDTVPVPPFYQQEENLLTASLVGNGLPVAPSLGYEV GRDQTVGRVLVNLVNGKLRWKVATWVSGRYR FNVCVSI IAFGPSAPLTSKQGARCSTTI MKAGSGKRKVC LTVTGVIIVMLM VILALTVFKAKHPVTTVDSVMLQDFHMSLDIAKLV DNLVTLDVDVS VKNPNKVGFKYSDSTAHLN YRGQLIGEVPISAGEISSGETKGFNLTLT IMADRLISNAQLYSDFTSGTLP LNT FIRISGKVSILGFIKVHVVSSTSCDFAVNLNRTVGNQECQYKTKL
CrLEA2-7	MILSTRLRPLISGNREVTCDTYHHVSAWDETCGIRVWSRNL LLLKAKDFVSEKINNVAKPEASVTDVDFKRV S RDSIEYLAKVSVRNPYSTPIPICEIKYSFKSASREIASGRMPDPGSLKAKDTTMEVVPVKVPYSILMSLAKDI GADWDIDYQLDLGLVIDLPAIGNFTIPLSHNGEVKLP LTLSTMFA
CrLEA2-8	MAEREQVRPLAPSIDRPSDEDDTTLHRTSPARTKFIKWACPLAFL LLLAIIIVLIFTVFHVKDPDIRMNG VKITKLELVNTLTPKPGANMSLIADVSVKNPNVASFVRYNTTTSLFYHGMVGEARGPPGRAKAKRTIRMNVS IDVITDRIVSNPDFRDTDFVSGLLTMTSFSRVPQGVKILNLFKKHIVVMNCTTTFNISTQGIQE QSCRKQKT TCSTISPFGATNSLKVIISYGTQDLRVI
CrLEA2-9	MQIHDQEEPTQQHSQNQPHFRVVKVPPQQHYNMDKGI PPRFKPNAPKREHCICITVFL LLLGIIILILWLAYH PSKPRFTVASAAIYGVNNTSPPLMSITMQFNILIRNPNKRVS IYFDRLSAYVSYRNQPI TPRVMLPPLFLEKH SAVLSLPEIGGVVPVSEEVSNGLAMDES YGVAVKLMFLGRLRWTGDINSAHYGLYVKCDVLMGLRKG FVG QVPLLGA PVEVNT
CrLEA2-10	MTDRVHPSANGGKTATFPATKSQLYGATRPSYCPQPYHQRRSSSRGWCCSLC LCLILILLFLLLLIGGAGTVA YFLYHPQRPSFVSTSLKLSYLKLTSSSTLNSKFE LKLSATNPNNKIVFSYDPTSVSILSNEDI DIAHG TIPSF RHSQRNITILKVS IASSEESVESDAAMRLKGI MKNSSGLALVKVLETKVQANMGLVHTPSVPVTAFC DGVAVT LPDGDKPATASIANTECNVDVRFKIWKWTVG
CrLEA2-11	
CrLEA2-12	
CrLEA2-13	

CrLEA2-14	MYEKQPQLNGAYYGPSIPPPKSYHRPGRGGGDCCCGCIFSLIFKLLITVILVIGIAVFLFWLIVRPNVVKVH VTEATLTFEYNTGNTLYDLALNMTIRNPNKRLGIYYDRIEARAIFQDARLDSKFLPEPFYMGHKTTKLLNPAF KGHQVPLNTDQTAEKKNSTGIYEIDVKLYLRVRFKLGVFVKTKLTKPKVTCDLRVPFVTPNGPSPALGAFC TKCDWDR MADKQPQLNGAFYGPAPPPAQQPRYHRHRGRSCCCFLGIFWKILVALIVLAGLAGLIFYLVVQPRSFKFY VTEANLNQFEYHSNNNTLNMDVNLNFTARNPNKLSIYYDKVEALTFYEGARFSNYDVITHFNSFRQYKSSS PMSGVFKGNRVVLDNDQSELNRDQNERVYDIYVRLYFRIRFRGLDVISRDFKPKVKCHLKVPLASTTTTLE QPTKCDVDF
CrLEA2-15	MSVKECDHHKGGKHKIFRRIFWGIVIFVFIIVLVTILIIWAILKPTKPTFILQDVTVYAFNASIPNLLTSNFQV TLSSRNPNDKIGIYYDRLNTYVTYRNQQVYRTSIPPSYQGHKEEDVWSPFVYGTNVPVAPYVNFAGLSQDQSN GNVLVIVKIDGKVRWKVGAFIGSHYNYLRCPAFITFGPRSNGLAIGDNAVYKQLVQRCTVGV MEKDKISGSPKRAVCTCITIFLLLVAITLLVWLVRPHKPRFVVVGAAYGLNTPPLMSATMQLTVLIRN PNRRVSVYYDRFSAFVSYRNQAITPQVALPPLHQDKHSTVLSLSPVIGGTAVPVSVEVSNGLMVDEAYGVGLK LTFQGRVWKAGAIKTAHYGLYVNCNLLMGLKKGFGVGPVPLLGAQPCDIDL
CrLEA2-16	MDVSASNSDCFWWKEKELHPGFSFKKCCFLLIFLLITCMVVLGATFFVILIVRPHKPVFSVREVQINFYKIDDR SNLTLVSSVLSLTLNAENHNKFGIGFSPSRFLVYQEGHLIGTIRVWPFQPPHTENVTPSRVLLQCVNLSK IVANTSLQEMSKONTAPIKITGDARVHVWVHLHIKLFKIALDCGMNFNIREFAFTNEAFGAKISKSDLGSLV SDSKGISMKCASSVYI
CrLEA2-17	MSALAPKQEIIMTEAQNNEDQEQVVVISQKKLKRKVCVITTGVLVLLLVLIIVGLVVLNLLKPKDPRADLV SATLEGIAPRVTLPAIDIQINVTLDLKIQVENRNVVSKHQGGKSVLLYGGKEVGETQLYPGVIPSQKSTILE CRLTLQAEKLANFSGLVEDLMGGQISMGAVTRIPGRVTFGLGFIKKHIIAKSNCOFTVSVSDFKIIISQACKNK AKL
CrLEA2-18	MIEKYGHRKSNMCLVVTICIAVIAIILAVATILVSTMLKPRQPITKVEGIRLDDMMNMMNMFKMRMDINVTIKV DMSVENTNKFVYNDLSAQLNLYGGELIGEAPIPNGEILSEETKGMNLTITIMADRMFNSQAFKDVTTGSLF LNTIVKLSGQVILGLINFHVGSTLSCDFNLVNSNRTIDHKECHHDTKI MRVGLGVKVSGLVIGVSLILAAAFKMSLELDDAKANYVSEKVANMPKPEAAVADVDFKRVSRREGVEYLAKVSVSN PYPSPICEIKYSLKSAGREIASGTIPDPGSLKAKDTTMLDVPVKVPHSILLSLARDIGRDWDIDYQLDLVLI IIDLPVVGNFSIPLSQQGEIKLPTISDMFT
CrLEA2-19	MCKTVGRLLALLLVIIPVTVTVAFLFCLIVRPNVVKFHVTDATLAQFSYTNNTLYYDLTLIVEVRNPNTKIR IHNYMEEVVLYQNVKFCSLILGTIYQPHKNTAMLTVPVFKGQVMSLNKDHILETYNNEKRSGIYHIDFKLYL KVKFDLGVYKTNMKTSTVTCNLQPLQSYNGTSTAGRFQLTRCNFDYKHLIFIF MADYKQPQLNGAYYGPSIPPAEPPRQRHRGRCCCLFSFFWKFLLAIAVLIILGLAILFWLLVQPRAFKLHV TEASLTQFNYTSNTLQYNLVLNFTARNPNKLNIIYDKVEGHVYDVSFRFASTDVIWQNSFRQYTKSTNRMS GVFSGQRVIVLDHNRASDLEEDKRSFIHIDVRLYFTIRFRLGDFIWNSDIKPKAKCGLKIPFSNGTTVNEF RPTKCDVDF
CrLEA2-20	MSVKECDLHKGKRRKIFLRIFWGIVFVFIIVLVTILIIWAILRPSKPSFILQDVTVYAFNATVNPVLLTSNFQV TLSSRNPNDHIGVYDRDLDTYVYQSQQITRYTAIPPSYQGHKEIDVWSPFVYGTNVPVAPYVNFAGLSQDQSN GNILVTIKIDGVRWKVGAFIGSRYHLYVRCPAFINFGTRNNGISVGENGAIKYQLVQSCSVSV MADHQRQRIHPMEVGAAPPPTIPLVPPGSSRSEKGNPLHRPQLHARPAIYPSPKKGNCFCKICWTLCVFL LLIILAAATVIGILYLVFKPKLPNYSVETLRIISDLRLNFDLSLYAKFDVKITANNPNKIGIYYEEGGKLSVMYR KTRLCEGSLPKFYQGHQNKTVLNVSLTGQVQSGSTLMTALQQQQQTGRIPDLKLVHAPVAIKLGRFKLRKRVV LGECLLVVDSLSNNLITIKASNCKFSMKL
CrLEA2-21	MRSNDHIPVHHVAGPNPKMHRRTARYVHRVHESLTVRSKIIICATFLGLLAIVGLITFILWLSLRPHRPR FHIHFNMPLGTQSGFENARITFNVTARNSNQINGVYVESMDGAVYRDQKIGSTSLNPFYQEPKNTTEVD GDLGATLTVSSQHWAEFQSDRADGSVFRLEVTSVIRFKISTWDSKRHTMHANCDVGVGPDGSLLSNYKDKR CPVYFS
CrLEA2-22	MKNPHNITMLAKTDSEVSSLSQSSPARSPRAVYVYQSPSRDSSNDGEKTTNSFQSSPLQSPGSPPHSHNS SLGPHRESASTRFSGRKTNEENRKGWRPWKQFHAEIEEGLLDAHDAAQHGFPRCYFLAVVGVFVLF VFSLILWASRPQKPAITLKSITFDQFVIQAGADVSGVATSLVSMNSVKLTFRNTATFFGVHVTSTPLNLNY YQLTLATGSMKPKFYQSRKSQRSVRVMVKGSHIPLYGGGANLNSVNGAPVEAVPLKLSVMVRSRAYVLGKLVKE KFYKIDCSVMDPKMKGKPIISLMTKCTYQ
CrLEA2-23	MTRNGGERMTTGNQOPHPHPQPQPQPQPNGERRQRPAPASAPETPAQYSASNGNGYRQYNPTTF SRSSSSASFKGCCCLFLLFSLALLLVAVLVIILAVKPKKQFDLQQVGVQYMGITPNPSTASLSLTRL LFTAVNPNKVGIKYQSSFTVMYRGIPLGKASVPGFYQDHSVQVATIAVDRVNLQADAADLIRDASLND RVDLRLVLDVGAIRVMNFDSPGVQVSDCAIIVISPRKQSLTYKQCGFDGLSV
CrLEA2-24	MAHPPPQOPQAGKPNRSILLRYIAMIILFLLIILVIGIAVLIILVVLKPKRKLVSVEDAAIHKFNLTANHLIYA NDFDFTIRAYNPNRSVLSYDSVEAVRYEDQTLATNAVKPFQSHKNVTRLHVGLTAQTVALYDVPKDLRLE RSSGDIELDVLRLRARIRFKVGVWKSXHRIMTIFCSPVFLTFSAKSFQRTPEVQL MPSLSPSPLEKLGIPKQPRNQHFRELEAPNSLNTLVLILGQPHLQRTKPIIWCAAVLCLIFSLVLIFFGIATL ILYLAMKPRNPTFDIPNASLNVYFDSQYLNGEFTLLANFNSNPNRRHFVRFESLKVLFSDRLISTQSIFK FTQRPKETRLQPVNFISLVLFPQDVGVKLRQVQNNRVNYNARGTFKVRVNMGLIHLSYWLHSICQIEMTSP PTGILVARQCITNR
CrLEA2-25	MSTSDKPEIVERGSKDEKHEKEKEEGKGGFIEKVKDFIHDIGEKEIEGAIGFGKPTADVTAIHIPSINLHKAD LVVDVLIKPNPVIPLDIDYLIIESDGRKLVSLIPDAGTIAHAGEETVNIPTVLIYDDIKQTYNDIQPGSI IPYRVKVDLIFDVPILGRFTLPLEKTGEIPYKPDIDLEKIHFERFSFEETIATLHLKLENKNDFDLGLNAL DYEVWFGDVSIGGAELTKSAKIEKSGISYIDIPITFRPKDFGSVWDMIRGKGTGYTMGNIDVTPFGPMKL PISREGGTRLKKKEDRDYDDDDDD
CrLEA2-26	MADRHPQDSPPVSGESQTTSSQPAIVQNPAPQLSEKVPVPPGTIVIRIPKDQVYRVPVPPENARRQDQFIR KRRSRCCCFWLGIFIFILVLLGIAAGVLYLVFRPEAPKYTIDGTAIRGMNVTSPSSAAAVSPEFDVTV KADNPNDKIGIRYETDSSAEIFYNDVRLCNGALPAFYQPSNNVTVFKTVLRNGIKLRSGRSALLEAQTKRK VPLTVSLRAPVKIKVGSVQTKWITVVKVDCDVTVMELTAQAKIVHSKHCYNVDLV MADFPQRIHPVHDVEAPNHPTAPLVRPSVSKSDAGDPENVVHPPPTSLPSQPMHSHKPKKRRSCLLFCW FISILLILIVAGITIGLFLVFRPKLPKYSVDELRVTFDLADNNSLVTFNLTIIARNPNKIGIDYRGG HISAWYMDTKCEGSLPKFYQGHNRITVLSIPLIGHTQDASGLQSTIQQLQQTGNVPLNLKVKQPVRIKLGK LKLFKIKFRVRCRLVVDNLNANNISIRISSSSCKFRFRL
CrLEA2-27	MNCRPPCSFCCICCIYTTIYVLMFILMLLLIIFWIVISPSSVKFHVTDATLTQFNLTNTNTHYNLKVNITVR
CrLEA2-28	
CrLEA2-29	
CrLEA2-30	
CrLEA2-31	
CrLEA2-32	
CrLEA2-33	
CrLEA2-34	

	<p>TLLEKLRHSNSSSSSSSDEEEEGEGEKKKKKKKKKGLKEKIGGDDHKEQDTPVPEKVEVDSEHPDTEKK GFLDKIKEKLPQGHKAEVSPSTSEYVAHAETAETHGEAKDKEKGLLDKIKEKLPGYHSPKPNEDKEKETDT H</p> <p>MASYQSQYGDQGRKTDQYGNPVTQTDQYGNPVRQTGETGKQYGTGYGANTADTSGHRSRGTGGYGRTEGV GAGYGTGGTTTGGYATDYGNTGGTTTGGYGGDYGTGGTGGTYGSGTGTGGTYGSGTYGINTGGAHTD AGYGREHRHGHQSHGGYDASGEQHHEKKGIMDKIKEKLPGTGGHNEK</p> <p>MQSAAVNTDAGIVGRQDISDVAREQGVSVSQTKVGNVRVITSVGGQVVGQFVEPDPVPMNSPGMALEPDAIT IGEALEASAVAGAGDKPVDQSDAAAIQAAEMRATGKNETEPGGLGARAQSAATHNTRTPSYFHKTTLSHVLAD</p> <p>AKEKLPDKHVTREDAEGVIAAELRNKPMKTPAGVAASVAAAAAINQAYLTIIL MSQEQPRREEAIKYGDVFNVERELGSKAVAPVDAAMMQAETAMIGKTEKGGAAATMQAAALKNERDGVVGHN DITEVVAQSGVSVTESDLPGRQVISESVGGQVHTLEEKERNICKLVEVVEQFGQKVASNTTTPSSLAQDLGS RVGGGITIGEALVATVLTAGKAVIEWSDAAAIQAAEVRAITGRTNIVPGVAAAAQSAATLNARTKDEDKTKL</p> <p>ADVLSDATSKLPSDRPATRRDAEAVTGAEMRNDPNLTHPGGVSASVAAAAARLNQTNNN MSQEQPRHPQPAQDPKIKYGDVFDVSGDLAKKPVAPEDAAMMQSAETRVLGQTQAGGAASAMQSAATRNEQAGV VGHDRDVTGDRGVTVSETQVPGRRITSVGGQVVGQYVEPTPVQAGRAGAVRDSAITIGEALVATAQTAG EKPVDKSDASAIQAAEVRAITGSNVTTPGGLASMAQSAAFNAECKRDQEKVKLADVLTGATAKLPADKAATIE</p> <p>DAEGVACAEVRNPNDAATPPGGVAASVAAAAARLNENNVN MFTTTIWKFLTISFRSETMSHGQPKRPAEDSFHCEPIKYGDVFKVTGELASKPISPOEAAAMKAAEAGVLGQ PQKGS PAVVMQAAAAINQACGAVDGNVAIKKEDVSVTETTTAGNRIITSVGGQVVGKRVDTHTAPVPTDLG SAVIDGDPITIGEALVAVIAVGDKPVNQNDAAAIQAAEVRAITGRTNIVPGVAAAAQSAATLNARTKDEDKTKL</p> <p>TKLSDILTADTKLAMDKAVTQEDAEAVYTAEMRFPWRGDATDVISEPGVAASMATAAKLNEEK MAEEKHHHHHHLFHHNKDEDKPIETESYGNKTSKYTSNEPSVGYDSGYNKPSYESSGDAYETGYNKTSYDTS GAYETGYNKTSYDSSGGTYETGYNKTAYSTDEPSAGYGGGRYSDTTGGAYTKKTGEYAGGGYGDSDRRDDV DYKKEKHHKHLHLGELGAAAAGAYALHEKHKSEKDPHEGHRHKIEEEVAAAAAVGAGGFAPHEHHEKKEAK EQDEEAGKHHHHLFG</p> <p>MAEEKHHHHHHLFHHNKNEEQPVETTVYSETTFDVGAVNDDYKKEKHHKHLHLGELGAAAAGAYALHEKHK AGKDPHEAHRHKIEEEIAAVALVAGAGGFAPHEHHEKKEAKKQYETHEKHHHHLFG</p> <p>MAEEKHHHHLFHHKDEDKPGYVDEVDYKKEKHHKHLHLGELGAAAAGAYALHEKHKAKKEPEHAHKHKEIEE EIAAATAVAGAGGFVFEHHEKKEAKKDEEAGKHHHHLFG</p>
CrDHN5	
CrSMP1	
CrSMP2	
CrSMP3	
CrSMP4	
CrASR1	
CrASR2	
CrASR3	
	CDS
CrLEA1-1	<p>ATGCAGGGAGCAAAGAAAGCAGGAAATCCGCTAAGGAACTGTTGCCAACTGGGTGCTTCTGCCAAGTC TGGCATGGAGAAGACCAAGGCCACCGTCCAGGAGAAGACAGAGAGGATGAGGGCACGTGATCCTTTGCAAA AGGATTTGGCAACTCAGAAGAAAGAGGAGAAGATCAACCAGGCGGAGCTGGACAAACAGGCCGCGGTGAG CACAAACGCGCGGCAAAGCAGTACGCCACGCGCGGCACATGGGACAGGGCCACCACACCAGGAACTGG GACCGGAACCGCCACGTACTCCACCACAGGACAACACGGGCGAGCCATGGGGGCCCATCAGACGTCAGCGA TGCCCTGGCCATGGAACTGGGACGCCACCGGCCATGTTACTGAAGGATCGTGAGGCTCACACCCCATGGAA ACCAATAGAGACCCGGATGGGACTGCTACGGCCATAATACCCGGCGGGGGGAATCCAATGACTATGG GTATGGGACTGGGGTACTTACACTTAA</p> <p>ATGCAAGCAGCGAAGCAAGCGGTTGAGAACATTAAGGAAACCGCAGCCAACATTTGGCGCCTCTGCTAAGTC TGGCTTGGAGAAGACCAAGCCAGTATCCAAGAGAAGACTGAGAAGATGAGTGCCCATGATGAAATTCAAA AGGAGATCGCAACCCGAAAGAAAGAGAGAGGATCAACCAGGCTGAGATAGAGAAACAACAGGCACGTGAG TACAACGCCCGCCGCAAACAATCTGCCATGGCTGGGCACATGAGTCAAGGCCACTATACTAATCTGGGCC AGGACTGAAACTGCCACAGATCTCACAATTTGGTCCAGGCTGAGACTGATGCTACTTACTCCTCACTACTG GGCCCGGCCTGAGATTCCTACGACATATCTACACTGGGCTGGAATGAGACGCCATATTCCTGCCC ACTGGGTCCGGCCTGACACTGCAACACACCCCATTTGGTGGATGATGCACAACTATGGGGATAACACCTAT GGGGTGGTAGGATCAAATCCGCTCTGGGACTAACACTGGCGTAGATAGTACTGCTCCTATGAGTGGACATA ATTTCACTTGA</p>
CrLEA1-2	
CrLEA1-3	<p>ATGCAATCTTCAAAGGAGAAGCTGCAAAACGTGGCCGCTGCTGCCAAGGAGCAGCTGCACATTTATAAAGC CAAAATAGACGAAAAGGCAGAGAGAGCAACGGCAAGAACCAGGAGGAGAAGCAATAGTCCATGAGCGTG CAAAGGCAAAGGAAGCTAAAGCAAAGATGGAGCTGCATGAAGCTAAAGCCAGGCATGCCCGCGAAAAGCTA AGCAACAACAATCACATTTATTTGGTCTCCACGAGCAGAGAGTCCCGTAGTTGGGGCTCAACAACAACC ACCCTTGGTAGGAAATCAGACTCAGTACCAGCAAGGCCACCACTACTGGAGCAGTTCCATGTCTGGAA CCACTTATCCATCTTATCCACTGGGAGGAAACCCCTCCAGCAGTAAAGCATATATGA</p> <p>ATGCATGCTAAGACTGACTCAGAGGTGACAAGCTTGGATGCGTCCACCACACGGTCCCTCGGAGAGC GGTGATTTACGTTCAAAGTCCATCTCAGATGGGGAGAAAACGACGACGTCGTTGACTCTACTCCTGTGCT TCAGCCCATGGGATCCCTCTCACTCTCACTCTTCTTCAAGTCGATTTCCGGTTCACGAAAGATGAAC CATCATCGCAACAACAAGACTTGGAAAGACATGACGTCATCGAAGAAGAAGCCCTTCTTCAATCCGAAAGA ACGTGACCGTACTCTCTCTAGAAGATCTATTTCTCGCTTTTGTATTGCCTTCTCTCTCTCTCTCTCTC TCTTTTCCCTTATACTATGGGGTGTAGCAGGCCCATGAAGCCAAAATAGTCATCAAGAGCATTAAATTT GATCATCTCAGAGTTCAAGCTGGTCTGATTCACCGGAGTCGCCACCGACATGATCACCATGAATTCAC CCTCAAATTCAGTATCGCAACACCGGCACATTTCTGGGGTTCATGTCCTTCAACACCATTTGGATCTCT CCTATTCAGAAATCGTAATTTGCCACCGCAATATGAACAAATTTTATCAGTCAAGGAAGAGTCAGAGATTG GTGAGTGTTCAGTATGGGAAACAAGATCCCGTTGATGGAAAGTGGTGTAGCTTGGATAGTTCAACAGG TATGCCAACAGTGCCTGTGCCTTTGAAATTTGAGCTTTGTGATTCGATCCAGAGCTTACGTGCTTGGAAAG TGGTGAAGCCAAAGTACTATAAGAGGGTTGACTGTTCCATCACTTTGGATCCGAAAGAAGATCACTCTTCCA CTTTCACTCAAGAAGTCTTGCACATACGATTGA</p>
CrLEA2-1	
CrLEA2-2	<p>ATGGCGGATGGACCCCGCGGACACCAGCCGCGCCAGGAAAGGAGGCCAGGCCACCGTCTGGACGCTAC CAACCTGGCCTCCTGCGTGGTCCGACCATCTTCCATAATCTTATCATCATCTCGTCATCTCATTGTCTACT ACACCGTCTTCAAAGCCACAGGACCCCAAGATCGCGCTCAGCGCGTTCAGTCCCATCTTCTCCGCTT AACGGCACCGTCAACTTCACTTCTCCAGTATGCTTCCGTCAGAAACCTAACCCGCGCGCTTCTCTCA CTATGACAGCTCCCTCCAGTGTCTACTCCGGCAGCCAGGTCGGGTTTCACTGTTCACTCCCGCGCGGAGA TCGACGCCGCTCGGACACAGTACATGGCTGCCACCTTCTCCGTTCACTGCTTCCCTGTCCGGCCAGCC AGATTTGGGGCCACACTGGCCAATGGCGATGGTGTGGGTTAACTATGGGCTTAGGGTGGAGCCACGAT GGAGATCGAGTCAAAGTTGGAGATGGCGGGCGGCTCAGGGTTTTGCACTTCTTCCAGCCATCAGTTTCCAG CCAAAGCCGTTGCAAGGTTGCAATTTGCCGTTACCGATGGATCTGTGTTAGGTTTTTCACTTCTTAA</p>
CrLEA2-3	<p>ATGGCTCAGAGTCCAGAGCAGGTTAAGCCCTTAGCTCCATTCATATCAATTAACCTCAGCAGACAAGA</p>

CrLEA2-4	<p>AGATCAAAACATCTCCGAAAGAAAATCATTCGCATAAGAAGTTGCTCCGTTGCTGCGGCTGTGTCACTG CCCTTGTGTTTATATTTGTAGTCAATAATTAGTCTTGGGCTTCACAGTTTACAATGTGAAAGAACCTGAA GTAAGGATGAACAGGTTTACCTTCTCAATAGAACTTTAGTCAACGGTGTATCAATGAGCTTACACTTCT TGCTGATATCTCTTTGAAGAATTCAAACGCTTTCACCTTCAGGTTTGGATACACCAACACCAGCTTTACT ATGATGGCACGGAATAGGTGAGGGAACATCTCCACCGGGTAAGGCCAAGCAAGAAGGACAATAAGGTTT AACGTGACGATGGAATTTAGGCAAGAAGCTTTTGGCTGTCCCAAGCTCGGAGAGTGACATCAGAGATGA TCAAGCTTTGAATATCAGCAGCTATACCATGGTAGATGGTAAGGTCAAAATATACAATCTGTTTATGAAGA AGGTTGTGGTTGAATTGAATTGTACAATTCAAATACAACATCACCATGGTTTACCTCCTCAAAACGGTGGC AATTGCCTCGGACTCGTTGATCTTTAG ATGGCCACCAATATGCCTAAATTCAGCGAAAACCTGGGAATGGGTGCAGATGGCCGACCAACCCCATATG CTGGCTAATAGCCATTATCTGCACCATCATAGCCGTAGCAGTGGTAGTTGCAGGCATTCAGTGTGTTTATAG GTTACATAGTGATCCACCCAGGGTTCCTATCATCAGTGTACAGATGCTCATTTAGATTTTCTGAGAAAT GATTATGCTGGTCGACTCCAACCCAAATCAGAATTGTTGTGACTGCAAAGAATGGGAATGCCAAGGCTCA TGCAACATTTTCTAAGATGACTTTCAACATTAGCTACCAAGGCCAAGATATAGCTGTGCTGTTGACAGAC CATTTGAGGTGCCAAGAACAGTTCCAAAGAGCTCCATTATGTTGTACAATCATCTCCATACCATTAAAT CCTGATCAGATGGAGGAAGTACTAATGCATGGAAACAGAATGAGATTGAGTTTGATTTCAAAGGAGTGC AAGGACACAGTGGAGGGTAGGGCTTTAGGCTCTGTTAAATCTTGTGTCTGATCTGGATTGTGACCTCAAGT TTCGCCCCCTGAATGGGTCTTACGTACCCTCGCATGCACTCCAAATCAAAATGA ATGATGAGTGAAGAGAGAACGTAGTTAGAGTTTACAGAGGAGGGTGAAGCAACAAGTAGGCAGCAGCACT GTACTACGCGGCAACGCCACCATCGTCTCATTCCTCCACCTGTAAAGGGTCTCGTGCCTCTTCTCTCC TCTTCTCTTCTCGGCTCTTAGTCTTAGCAGCACTGCTACTCATCGTGTGGTGTGTTAAGCCAGGAAC CCTCACTTGGACCTTTCCCAAGTGGGCTTCCAGTATATGGCCATCAGGCCCAACCCCAACGATCCAGCAAC AGCCAGTCTTACCTTATCATCAGTGTGGTGTGTCGGTGGTGAATCCCAACAGGGTTAGGATCAGGTACG GGAGTCCAGGTTAAGCCTCATGTTCCGCGGTGTGACGTTGGGCGGGGCTCGGTGAGCTTTCTTCCAG CGTGTACAGCGTACGGAGGTGGTGGCCACCGTCCGCTCGATGGGGTCAACTTATCTGAGGCTGATGC TGCTGACTTACCAGAGACGCTTTGTTGAATGACCGGGTGCAGCTTCGGGCTTGGGCCATGTTGCGGCCA AGATTCGCTCTTCAACCTCTATTCTCTCTCTTCCAGGTGTGGTGAATGTGTTATAGTGATAAGTCCA AGAAGCAATCTCTTACTTATAAGCAGTGTGGATTGGAGGGATGAATGTTGA</p>
CrLEA2-5	<p>ATGACCGAACCATCATCAAACCCAAACGGAAACGGCGCAATTAACGGTGTGCCACCCTACTAACGGCAA CCCTGGTCCCGTTAAGTCCCAACTCTACAACCCAAACCGTCAACTTTACCACCACAATCCCACTACCACC GTCGTCACGCTCTCACCGAAACCTCTGCTGCTGCTGCTGCTTCTGGACCATCTCACCCCTCTCGCCGTC GCTCTCCTCGCCGCAATTTGCGGCCCGCACTGTACGTACTGTACCGCCCTCCAGGATTCAGGATTCGCGT CACAAACCTCCGCATTCGGAAGATGAACCTCACAACTCGAGCGACTCACCCCTCCCACTCACACGCTCT TCAACCTCAACTCATCTCCAAGAATCCGAACAACACCTCGTCTTCTTCTACGATCCCTTACCCTCAAC GTCTTCTTAACCTCCGTCGCCGTCGGAACGGTCCCTAACCGCGTTTACTTCGGACAAGAACAACAGCAC TAGTATTCGCACGGTGTCTGTCGAGCTCCCAAGATCTGGACACGGAGTCTGTTGAGCTTCCCTCAAGCCATC TGAAGAAGAAGGGTTTCCCGTGGAGATTCAGATGGACACTAAGGTGAAGATGAAGATGGATTGGCTCAAG AGCAAGAAGTCCGGGATTAGAGTCACTGTGATGGAATCAAAGGCCACCGTTCGCCGCGGTAAAGACCCGGC GGTTGCTTCCGTTATCAACTCTGACTGTAAGGTGATCTTCAAGTCAAGATCTGGAAGTCTCTTCTTAG ATGGAGGAGCGGGTGTCTGTCGAGCTATCGCCCGCCACCAAGTAGTACAATCTCCTCCTCAAGACCCATC TATACAGAACCATAGTAGCAAAGCACTCCAATTTATCCCGAACTTGGACCCCGGCACATACGTTGTCGGG TTCCAAAGGACCAAGTCTACCGTGTTCACCGCCGGAATAATGCCGAAATCGCGGAGCTCCATCGGAGCAC CCCCAAAAGAATACAAGAGGACGCGTGTGCTGGTGTGTCACGTTTCAATGCTGTTATAATGTCAATTT GATATAAATGGAGGCATTTGGGTTGGCTTTTCTCTGTTGACTTAAACCAAAAGCCCTGAGATTCCGA TCCAAACCTTTAATGTCTTAAAGGGCACTCCCAACCCAAATACAACATCACTTTACAAGCCACAATCCA AATTTCAAAGTAGGCATTTGGTACAAGAAGGAGGCCACGTTTCAATGCTTTAAGGCCGAAAGAGATTGC TTCAGGATCCTACCAAGTTTTCATCAAACCCCTCATGATTCAACACCCCTTTGGCGTTACTTTAAAAGCCT CAAAAGCTGGTTTCCCTAAGGAGGTGAGGAAAGCATCAAAATCATAAACCAAAAGTGCATGCTCCGATTC TCATTAACCATTCACGTCACGACGAATGAAAATGGGATTGTTGCGTAGTGGGACAATGCAATTCGACGT TACGTGTCAGGTGACGTTGGATTCTTGGCCAAAACCCCTCGTGTACTTTCTCAACATGTCAAACATAAC GACTAG</p>
CrLEA2-6	<p>ATGCTCAAATCACAAATAAATCTCCAAAACACTGTGCTACCAAGCAAGGACTGAAAATTGAGAGGAACTA CAAGAACTCTTCTATGTTTTTTCAGCATTTTTACCTCAATCCTATTGTTAATACTTCTTATCTGGCTCA TCCTTACCCTTCCAAGCCTCAATCTCCCTCAAACAAGTTGACATCTACAGCTGAAGTTGTCAGGACCA AACCTCAACTCCTCCATCCAACCTCACTTCTATCCAAGAATCCAACCAGAAAGTTGGTATTTACTATGA TGAATTTCAAGTTTATGCAACCTATAAGGGTACAGAGATAACTGGTGACACCCCTGTGCCCTTCTTACC AAGGACAAGAAGAGAATAATCTCTTAAACAGCCTCTTTGGTAGGAAATGGGTTACCAGTGGCTCCTTCTCT GGTTATGAAGTGGGTCGTGATCAAACCTGTTGGAAGACTAGTTTGAATGTCAAAGTTAATGGAAAGCTTCG TTGGAAGGTGGCAACTTGGGCTCTGACGTTACAGGTTCAATGTTAATGTGTTCAATCATTGCCTTTG GACCTTCAGCTCCTCTCACTTCAAAGCAGGAGCTCGGTGTCTACCACAATTTAA ATGAAAGCAGGATCTGGTAAAGGGAGAAAAGTTTGCCTGACAGTACAGGTTGTTGATTGCAATGTAAT GCTAATGGTGATACGATGACGTTGACGGTGTCAAAGCCAAGCATCCTGTTACCACAGTGGACTCAGTGATGC TGCAGGACTTCCACATGAGCTTGGATATAGCAAACTAAAGGTAGATTGAAATGTGACCCCTGGACGTTGAT GTCCTGTGAAGAACCACAAATAAGGTGGGATTCAAGTACTCAGACAGCACCCGCCCTCAATTCACAGAGG GCAGCTGATAGGTGAAGTCCCAATCTCAGCTGGAGAGATTCTTCTGGTGGAGACCAGGATTCACCTCA CCCTCACCATTTATGGCCAGCGTTTGTATCTCAATGCCAGCTTTACTCTGATTTACATCTGGTACATTG CCCCTAAACACTTTTCAATAGGATTTCTGGCAAAGTCAAGCATCTTAGGCTTTATCAAAGTCCATGTGGTTT CTCCACATCTGTGATTTTGGGTTAATCTTTCCAATAGAACAGTTGGAAACCAAGAGTGCCAATACAAGA CGAAACTTTGA</p>
CrLEA2-7	<p>ATGATCTTATCGACAGTTTGGACCGTTGATTAGTGGCAACAGAGAGGTACGTCGACACGTTATCATCA CGTGTCCGGATGGGACGAGACGTTGGTATACGTTGCTGGAGCAGGAACCTTGTGTTAATAAGCCAAGG ACTTCGTGTCGAGAAGATCAACAACGTGGCCAAGCCTGAGGCGAGTGTACACCGCCCTCAATTCACAGAG GTGAGCAGAGATAGCATCGAATACTTGGCCAAGGTCTCTGTTGCAATCCTTATTCAACTCCAATACCAAT CTGTGAGATCAAGTACTCTTCAAAGCGCGTCAAGGGAGATAGCATCAGGCAGAATGCCAGACCCAGGAT CGCTGAAGGCAAAGGATACGACAATGGTGGAGGTACCAGTGAAGGTGCCATATAGCATATTAATGAGTTTA GCTAAGGATATTGGAGCTGATTGGGATATTGACTACCAACTGGATCTGGGCTCGTTATTGACCTTCTGTC</p>
CrLEA2-8	<p>ATGCTCAAATCACAAATAAATCTCCAAAACACTGTGCTACCAAGCAAGGACTGAAAATTGAGAGGAACTA CAAGAACTCTTCTATGTTTTTTCAGCATTTTTACCTCAATCCTATTGTTAATACTTCTTATCTGGCTCA TCCTTACCCTTCCAAGCCTCAATCTCCCTCAAACAAGTTGACATCTACAGCTGAAGTTGTCAGGACCA AACCTCAACTCCTCCATCCAACCTCACTTCTATCCAAGAATCCAACCAGAAAGTTGGTATTTACTATGA TGAATTTCAAGTTTATGCAACCTATAAGGGTACAGAGATAACTGGTGACACCCCTGTGCCCTTCTTACC AAGGACAAGAAGAGAATAATCTCTTAAACAGCCTCTTTGGTAGGAAATGGGTTACCAGTGGCTCCTTCTCT GGTTATGAAGTGGGTCGTGATCAAACCTGTTGGAAGACTAGTTTGAATGTCAAAGTTAATGGAAAGCTTCG TTGGAAGGTGGCAACTTGGGCTCTGACGTTACAGGTTCAATGTTAATGTGTTCAATCATTGCCTTTG GACCTTCAGCTCCTCTCACTTCAAAGCAGGAGCTCGGTGTCTACCACAATTTAA</p>
CrLEA2-9	<p>ATGAAAGCAGGATCTGGTAAAGGGAGAAAAGTTTGCCTGACAGTACAGGTTGTTGATTGCAATGTAAT GCTAATGGTGATACGATGACGTTGACGGTGTCAAAGCCAAGCATCCTGTTACCACAGTGGACTCAGTGATGC TGCAGGACTTCCACATGAGCTTGGATATAGCAAACTAAAGGTAGATTGAAATGTGACCCCTGGACGTTGAT GTCCTGTGAAGAACCACAAATAAGGTGGGATTCAAGTACTCAGACAGCACCCGCCCTCAATTCACAGAGG GCAGCTGATAGGTGAAGTCCCAATCTCAGCTGGAGAGATTCTTCTGGTGGAGACCAGGATTCACCTCA CCCTCACCATTTATGGCCAGCGTTTGTATCTCAATGCCAGCTTTACTCTGATTTACATCTGGTACATTG CCCCTAAACACTTTTCAATAGGATTTCTGGCAAAGTCAAGCATCTTAGGCTTTATCAAAGTCCATGTGGTTT CTCCACATCTGTGATTTTGGGTTAATCTTTCCAATAGAACAGTTGGAAACCAAGAGTGCCAATACAAGA CGAAACTTTGA</p>
CrLEA2-10	<p>ATGATCTTATCGACAGTTTGGACCGTTGATTAGTGGCAACAGAGAGGTACGTCGACACGTTATCATCA CGTGTCCGGATGGGACGAGACGTTGGTATACGTTGCTGGAGCAGGAACCTTGTGTTAATAAGCCAAGG ACTTCGTGTCGAGAAGATCAACAACGTGGCCAAGCCTGAGGCGAGTGTACACCGCCCTCAATTCACAGAG GTGAGCAGAGATAGCATCGAATACTTGGCCAAGGTCTCTGTTGCAATCCTTATTCAACTCCAATACCAAT CTGTGAGATCAAGTACTCTTCAAAGCGCGTCAAGGGAGATAGCATCAGGCAGAATGCCAGACCCAGGAT CGCTGAAGGCAAAGGATACGACAATGGTGGAGGTACCAGTGAAGGTGCCATATAGCATATTAATGAGTTTA GCTAAGGATATTGGAGCTGATTGGGATATTGACTACCAACTGGATCTGGGCTCGTTATTGACCTTCTGTC</p>

	<p>CATTGGCAATTTACCATTCCTCTCTCTCACACGGAGAGGTCAAGCTACCAACCTCTCTACTATGTTCCG CTTAG</p> <p>ATGGCAGAGAGAGAGAGAGGTTAGACCCCTTAGTCCATCCATAGATCGTCCAAGCAGCGACGAGGACGACAC CACTCTACACCGCACATCACTGCTCGTACAAAATTCATCAAATGGTGGGCTTGCCATTAGCTTTCTTAC TTCTTCTAGCAATTATAATCATAGTTTTAATATTACCGTGTTCATGTCAAGGACCTGATATCAGAATG AACGGTGTCAAAATCACAAGCTAGAACTTGTCAACACCTTAACCCCTAAACCTGGGGCTAACATGTCCTT AATTGCAGATGTATCGGTGAAAAACCCCTAACCTTGCATCCCTTAGGTATAGTAACACCACCACAAGTTTGT TCTATCATGGCATCATGGTGGGAGAGGCTAGAGGACCCCAAGGAGGGCCAAAGCTAAACGAACAATTAGG ATGAATGTTTCAATTGATGTCATCAGGATCGTATTGTGTCTAATCCTGATTTTAGGACAGATTTCTGTTT AGGGTTGTTGACTATGACCAGCTTCTCCAGAGTTCAGGGCAGGTTAAGATCTTGAACCTTGTCAAGAAAC ATATTGTGGTCAAAATGAATGTACCACCTTTCAATATTCTACACAGGGAATTCAAGAACAGAGTTGT AAGGCAAGCAAAAGACAACCTTGCTTACAATCTCTCCATTTGGGGCTACCAATTTCTTGAAGTTATTAT TTCATATGGCACTAAGCAAGATTTGCGTGAATCTGA</p>
CrLEA2-11	<p>ATGCAAAATACACGATCAAGAAGAACAACCAACCAACACTCACAAAACCAACCTCATATTTCCGTTGTC AGTGCCCTCAACAACAACACTACAACATGGACAAAGGTATCCCTCCCTCGCTTCAAAACCAATGCCCCAAAC GTGAACACTGCATTTGCATCAGTTTTTCTCTACTTGGCATCATTTCTCATCTCTGCTGGCTGCT TACCACCTTCCAAGCCAGCTTCCAGGTGGCCAGCGCCCATCTATGGCGTCAACACCACATCACCGCC ACTCATGTCCATCACAATGCAATTAATATCTCTCATTTAGGAACCAACAAAGCGTGTCTCAATCTACTTTG ACAGACTCTCTGCTTACGTGTCTACAGAAACCAACCAATCACGCCACGTGTCTGCTGCCACCTCTTC CTCGAGAAACACAGCGCCGCTCGCTGCTCGCGGAGATCGGAGCGCTGCCGGTCCCGGTGTCGGAGGAGGT CTCAAAATGGATTGGCAATGGATGAGAGTTATGGGGTGGTGGCTGTGAAGCTTATGTTCTTGAAGGTTAA GGTGGAAAACCTGGTGACATAAACTCTGCACATTATGGATTGTATGCAAAATGTGACGTGTTAATGGGTTT AGGAAAGGTTTTGTGGGTCAGGTTCTCTCTCGGAGCTCCGGTTTTGTGAAGTGAATACTTGA</p>
CrLEA2-12	<p>ATGACTGATAGACTCCATCCCTCCGCAACCGCGGAAAAACCGCACATTTCCCGGCAAAATCTCAACT TTACGGGCGCACCCGCTCCCTCTACTGCCCAACCGTATCACCAACGCGTAGCAGCAGTCGGGATGGT GTTGCAGCCTCTGCCTCTGCCTCATCT GTCGCGTACTTCTCTACCACCTCAACGACCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT ACTCACCTTCTCTCGACTCTTAATTCAAAGTTTGAAGTCAAACCTCTCAGCCACAACCTAACACAACAAA TTGTCTTCTCTACGACCCACATCCGCTCTCCATCTCTCAACGAAGACATCGACATCGCACACGGCACC ATTCCTCTCTCCGCGCACTCCAGAGGAACATCACGATCTCAAAGTTTCCATTGGCAGCAGCGAGGAAAG CGTGGAGAGCGACCGCGATGCGGCTGAAGGGATCATGAAGAGCAATAGCGGTTGGCGTGAAGGTGA AATTGGAGACGAAGGTGCAGGCCAATATGGGTGTGCTTACACCCCAAGTGTCCCGGTTACTGCTTCTGT GATGGCGTCGCCGTCACTTCCGACGGAGATAAACCGGCGACGGCTCCATCGCGAACACGGAGTGCAA CGTGGATGTGAGGTTCAAGATATGGAAATGGACCGTTGGATGA</p>
CrLEA2-13	<p>ATGTATGAGAAACAACCCCAATTTGAACGGAGCCTACTATGGCCCTTCAATTCGCCACCAAAATCTTACCA TCGCCAGGGCGCGCGGCTGCGACTGTGCTGTGGCTGTATCTTCAGCCTGATCTTCAAACCTGATCC TGACGGTGATCATCATCGTTGGAATCGCGCTTCTCTGTCTGGCTCATCGTTCGACCAACCGTGGTGAAG GTTACAGTACGAGGCGACCCCTGACGGAATCAACTACACGGGGAACACCTATACTATGACTTGGCTCT GAACATGACAATTCGCAACCCCAACAAGAGGCTGGGTATCTACTATGATCGCATCGAAGCCCGTGAATTT TCCAGGATGCAAGGTTGGACTCCAATTCCTGGAGCCCTTCTATATGGGCCACAAGCCCAACCAAGCTTTT AATCTGCGTTCAAGGTTACCAGGTGGTTCCTCAACACTGACCAACTGCGGAATTTGAAGAAGGAGAA CAGCACCGGATTTACGAGATTGATGTGAAGCTGTACCTCAGGGTGAAGTCAAGTTGGGAGTGTCAAGA CCAAGACGCTCAAGCCTAAGGTTACCTGTGACTTACGCGTGCCTTCACTTCACTAATGGACCCCTCGCCA CGCTCGGTGCTTTCCAGACTACCAAGTTCGATTTGGATGCGATTG</p>
CrLEA2-14	<p>ATGGCCGATAAGCAACCTCAGTGAACGGTGCCTTTTACGGTCTGCCATTTCCCCACCAGCGCAGCAACC ACGCTACCATCGCCACCACCGGGCCGAAGCTGTGTGCTGCTCTTCGGAATCTTCTGGAAGATTCTGG TTGCGCTCATTTGCTTGGCAGGCTTGGCAGGCTCATCTTCTACCTGGTGGTTCAACCCCGCTCTCTCAAG TTCTACGTACGGAAGCCAACTTAAACCAATTCGAATACACAGCAACAACAAGCCCAACCAAGCTGACAT GGTACTCAACTTCACTGCCCGAACCCCAACAAAAGCTGAGCATCTACTACGACAAAGTGGAGGCTTTAA CATCTACGAAGGAGCCAGGTTACGAATACGATGTATCACGCACTTCAACTCATTCGGCAGTATAAG AAGAGCAGCAGCCCATGAGCGGCTTTTCAAAGGGAACAGAGTGGTGGTGTGGACAATGACCAGCTTTT TGAGTTAAACAGAGACCAGAATGAAAGGGTTATGATATCTATGTGAGGCTGTACTTCAAGTTAGGTTCA GACTCGGTGACGTATATCCAGGGACTTCAAGCCCAAGGTCAAATGTACCTCAAAGTTCCTTAGCTTCT ACCACCACACTCTGTTTACGCCACCAAGTGCAGCTGATTTCTAG</p>
CrLEA2-15	<p>ATGTCGGTGAAGGAGTGTGACCACCAAGGGGAAGAAGCACAATACTTCCGGCGCATCTTCTGGGGCAT AGTGATCTTCGTGTTTATCGTGTGTAACAATTTGATAATATGGGCAATCCTTAAAGCCTACGAAGCCAA CCTTCATCTTCCAAGACGTCACCGTTTACGCTTCAACGCAAGCATCCCCAACCTCTCACTCCAAATTT CAGGTGACTCTCTCTCGTAATCCCAACGACAAAATCGGCATCTACTATGACCGTCTCAATACATATGT CACTTACCGGAACAGCAGGTCACCTACCGCACTTCCATCTCTCTCTTACCAAGGTCAACAAGGAGAGG ACGTCTGGTCAACGTTGTTTACGGTACTAATGTCCCGTTGCTCCCTATAAATTTGCTGCGCTCAGTCAA GACCAGTCTAACGGTAACGTCCTCGTTATCGTTAAAAATTGACGGCAAGGTCGGTGGAGGTCGGTGCCTT TATCTCCGGCCATTACAACCTCTATGTACGCTGCCTGCTTTCATCACATTTGGCCCTCGGAGTAACGGAA TTGCCATTGGCGATAACGCTGTTAAGTATCAATTTGGTTCAGCGTTGCACCGTTGGCGTTTGA</p>
CrLEA2-16	<p>ATGAAAAAGGACAAAATTTCCGGTTCAACCAACCGTGCAGTGTGCACATGCATCACAATCTTCTCTGTT AGTCGCCATCACTCTCTCGTCTCTGCTGCTACCGTCCCCACAAGCCTCGCTTCTGGTGGTGGCGG CCGCATCTACGGCTCAACACAACCACCCCTCCCTCATGTCTGCCACCATGCAGCTCACCGTCTCATT AGGAACCCAAACAGGCGCTCTCCGTTTACTATGACAGATTCTCCGCCTTCTGTTTCTACAGGAACCAAG CATAACGCCCTCAGGTTGCGCTGCCACCGTGCACAGGACAGCAAGCAGCAGGCTCACTATCGCGGTTGA TCGGAGGCACGGCGGTTCCGGTGTGGTGGAGGTGCAAAATGGGTTGATGGTGGACGAGGCTTATGGGGT GTGGTCTGAAGCTGACTTTTACGGGAAGGTTGAGGTGGAGGCTGGAGCATCAAACCTGCACACTACGG ACTGTATGTCAACTGCAACTTATTGATGGGTTTGAAGAAAGGTTTTGTTGGTCCAGTTCCTCTCTCGGAG CTCAACCTTGGATGTGATTTATGA</p>
CrLEA2-17	<p>ATGGATGTTTTCCGCTTCTAATTCGGATTGCTTCTGGTGGAAAGAACTTCACTCCCGGATTTCTTTTAAAAA ATGCTGCTTCTTTCTGCTTATCTTCTTTTGTATCATATGCATGGTGGTGGATTAGCCACTTTTTTTGTGA TCCTCATCGTTAGACCCCAAAACCGGTTTTCTCTGTTAGAGAGGTTCAAATAAATTTTTACAAGATTGAT GATCGTTCTAATCTGACACTGTTGGTTTTCTGTAATCTCTTAACCTCAATGCAGAAAATCATAATAA</p>
CrLEA2-18	

CrLEA2-19	<p>GTTTGGTATAGGTTTTAGTCCATCAAGGTTCTTGTATTATCAAGAAGGCTTGCATATAGGAACATATTCGAG TTCCATGGTTTTTCAACCTCCTCACACTGAAAATGTGACCGTACCATCTCGTGTCTTATTCGAAATGTGTT AATCTCAGCAAAAATGTGCGCAACACATCCTTACAAGAAAATGTCAAAGCAAAACAGCGCCGATCAAGAT CACAGGGGATGCCAGAGTCCACGTGTGGGTACTTCAATATAAACTTTTTGAGATTAAAGATTGCACTAGATT GTGGTATGAATTTAATATAAGAGAGTTTGTCTTACAAATGAAGCGTTTGGTGCAAAATTAGCAAGAGT GACTTGGGTTTCAAGTCTCAGTATCAAAAAGGCATCTCTATGAAATGTGCTTCACTGTCTACATATAA ATGCTGTCATTAGCACCACAAAACAAGAAATCATGACAGAGCACAATAATGAGGATCAAGAGCAAGTGGT GGTGAATTTCAAAAAAAGCTCAAGAGAAGAAAAGTGTGTGTAATTACCACAGGAGTAGTGTGTTACTTC TTGTTGGTGCATATCAGTGGGGCTTGTCTTGTGTTGAACTTGTCAAGCTTAAAGATCAAGGGCAGAC CTTGTCTTCTGCCACTTTGGAGGGTATAGCACCTCGTGTCAACTTCTGTCTATTGACATACAAAATCAATGT TACTCTTGATCTCAAGATTCAAGTTGAGAACAGAAACCATTGTAGTTTCAAGCATCAAGGAGGAAGAGTG TTTTGTTATATGGAGGAAAAGAGTTGGAGAGACTCAGTTATACCTGGTGTGATTCCTTCAAAGGTTCT ACTATACTTCTTGTAGACTCACCTTTCAGGCAGAGAACTTGTCTCAAATTTTTCTGGTTTGGTTGAGGA CTTGTATGGGAGGACAAAATCTCCATGGGAGCTGTTACTAGGATTCTTGGGAGAGTTACCTTCTTGGATTCA TAAAAAACATATTTAGTCAAGTCCAATTCGCAATTCACCTGTTAGTGTGTTCTGACTTCAAGATCATTAGC CAAGCTTGAAGAATAAGGCCAACTATGA</p>
CrLEA2-20	<p>ATGATAGAAAATATGGGCACCGCAAAAAGAGTAACATGTGCTTGGTGGTAAACATGTATTGCAGTATAGC AATTTCTGGCGGTAGCAACGATCTTAGTATCAACGATGTTAAAACCAAGGCAACCTATAACCAAAGTGAAG GCATAAGGCTTGTGACATGAATATGAACATGAATATGTTAAAAATGAGGATGGATATTAACGTGACATTG AAAGTGGATATGTCGGTGGGAGAACCAAAATAGTTTGGATTGTTGTAACAATGATAGCTTCAAAGGTTCT CTATGGAGGGGAATTAATTTGGGGAAGCCCCAATACCCAATGGAGAGATATTTCTGAGGAACTAAAGGAA TGAACCTTGACACTAACCATATGGCTGATCGCATGTTCTCAATTTCTCAAGCTTTCAAAGATGTTACAACG GGTTCATTGCCCTCAACACTATTGTTAACTTTCTGGCCAAGTCATCATCTTGGGCTCATCAATTTTCA TGTGGGTTCCACCTTATCTGTGATTTCAACCTCAATGTTTCCAATAGAACCAATTGACCACAAGAGTGTG ACCATGACACAAAGATTGA</p>
CrLEA2-21	<p>ATGAGAGTGGGTTTTGGGTGTAAGGTGTGCTTGGGTGTGATCGGTGTGAGTCTGATATTGGCAGCGTTTTAA AATGTCCGAGTGTGTTGGACAAGCCAAAACATATGTTTACAGAAAAGTGGCAACATGCCCAAACCTGAGG CCGCTGTGCTGACGTGGATTTCAAGCGCGTGGAGTCCGAGAGGGGCGTCCGAGTATTTGGCCAAGGTTCTGTT TCCAATCCTTATCCCTCTCCATTTCAATCTGTGAGATCAAGTACTCCCTCAAAGTGTGGCAGGGAGAT AGCATCAGGACAAATACCAGATCCAGGGTGTGTAAGGCAAAAAGACACAACAATGCTAGATGTGCCAGTGA AGGTGCCTCATAGCATATTGTTAAGCTTGGCAAGGGACATTTGGTAGAGATTGGGACATAGACTATCAATTG GATCTTGTCTTAATTTATGACCTTCTGTGGTTGGCAACTTCAGTATTCTCTTTCTCAGCAGGGAGAGAT CAAACCTCCCACCATCTCTGATATGTTTACCTAA</p>
CrLEA2-22	<p>ATGTGCAAAACCGTAGGCAGATTATTTGGCCTTACTCTTGGTCATTATCCCCGTAACGGTACCGGTTACGGC CTTTCTTTTTTGTCTCATTGTGCGACCAACGTCGTTAAATTTACGTTGACCGGATGCTACCTCCGCCAAAT TCAGTTACACTAATAACACCCCTTTACTACGATCTCACCTCATCGTGAAGTTCGCAACCCCAACACAAG ATCAGAATCCACTATAACTACATGGAAGAAGTTGTGTTATACAAAATGTGAAGTCTGTTCCGCTGATCTT AGGAACCTACATTAGCCACACAAGAACACTGCCATGTTGACTCCTGTTTTTAAAGGTCAACAAGTCATGT CCCTCAACAAGACCACATTTTGGAGACTTACAATAATGAGAAGCGTCTTGGGATTTACCACATCGATTTT AAACTTTACTTTGAAGTTAAGTTCCGATTTGGGTGTGTACAAAACTAACAATGATGAATACCCAGGTCATG TAACCTACAACCTCCCTCTCAATCTTACAATGGAACCTCAACCGCTGGTAGGTTTCAACTTACCCGCTGCA ACTTCGATTACAACATATTTGTTTATTTTCTGA</p>
CrLEA2-23	<p>ATGGCTGATTATAAGCAACCCCACTAAACGGTGCATTTATGGCCCTTCCATTCTCCAGCGGAGCCACC ACGCCAACCGCTCACCGCGGAGAGATGCTGTTGCTGCTCTTCCAGCTTCTTCTGGAAGTTTCTCCTCG CAATCGCTGTCTCATTGGCCTCGCCATCTCATCTTCTGGCTCTTAGTTCAACCACGGCCTTCAAGTTG CACGTGACGGAAGCGAGTCTCACTCAATTAACACTACACTCCAACACTCTCCAGTACAATCTCGTCTCAA CTTCCAGGCCCCGAACCCTAACAAAACCTCAACATCTACTATGACAAAAGTGGAGGGTCACTGTTCTACG ACAGCTCAGGTTTTGCTTCAACGGAGTTATCACGTGGCAAAACTCGTTCCGTTTCAAGTACCAAGAGCAGC AACCAGATGAGCGGCGTGTCTCGGGCAACCGGTGATTGTGCTTGTATCATAATCGGGCTCAGATTGGGA AGAAGATAAGAGAAGTGGGATTTTTCACATTTGATGTGAGGCTCTACTTCAACATTAGGTTTCAAGCTTGGT ACTTCATATGGAATAGTATCAAGCCCAAGCAAGTGTGGCTTAAAGATTCTTTCAGTTCGAATGGG ACTACGGTGAATGAGTTTTCGGCCCAACCAAGTCCGATGTTGATTTCTGA</p>
CrLEA2-24	<p>ATGTGCGTGAAGGAGTGCATCTTCAAGGGGAAGAAGAGGAAGATCTTCTGCGAATATTTCTGGGGAAT AATTGTCTTCTTTTCACTGCTGCTGTTACAATCCTTATAATTTGGGCAATTTCAAGACCTCAAACCTT CCTTCATTCTCAAGACGTACCGTTTATGCTTCAACGCCACCGTTCCCAATCTGTAACTCAAAATTTT CAAGTCAACTGTCTTCCAGGAACCAACAGATCACATAGGCGTCTATTACAGCTTTGGATCTTATGT CACTTACCAGAGCCAGCAATTACTTACCGCACCGCAATTCCTCCCTCTATCAAGGCCACAAGAGATCG ACGTTTGGTCCCGTTTGTTTACGGCACCAACGTCGCCGTCGCGCTTTCAATTAGCCGGTCTTAGTCAG GATCAGTCCAACGGTAAACCTCTCGTCAACATTAATAATTGACGGCAGAGTTGCTTGGAGGTTGGCGCCTT CATCTTGGCCGTTTACCACCTTACGTCGGGTGCCCTGCTTTCATCAATTTTGGGACCCGGAATAACGGAA TTTTCCGTTGGTGAACCGGCCATTAAGTACCAGCTTGTTCAGTCATGCTCCGTTAGCGTTTGA</p>
CrLEA2-25	<p>ATGGCAGATCATCAGAGACAAGGATCCACCTATGGAGGTAGGAGCACCACCACCAACCATCCCAT GGTACCTCCAGGTTCCCTCAAGATCAGAAAAGGGTAACCCCTTACACCGTCCACCACAACCTACATGCTAGGC CAGCAATATACCCTTCAACCAAAAAAGGAACTGCTTTTGCAGTGCATATGTTGGACTCTATGCTTGGTT TTCCTCCTGCTCATTATCTTGGCAGCAACTGTTGGAATCCTTTACCTAGTTTTCAAACCAAACTTCCCAA TTACTCAGTTGAAACACTGAGGATAAGTATCTTAGGCTCAACTTGGATTGAGTCTGTATGCAAGTTT ATGTGAAGATCACAGCAAAATACCAAAATAAAAAGATTGGTATTTACTATGAGGAAGGTGGGAAATTTGAT GTGGTACAGAAAGACAAGACTTTGTGAAGGGTCAATACCAAGTTTACCAGGCTCATCAGAACAAAC AGTGTGAATGTGTCCTTGGTCAAGTGAATCTGGAAGCACCTTAATGAGGCACCTCAGCAGCAACAC AGCAAACAGGACGATTCATTGGATCTCAAAGTGCATGCACCAGTTGCCATCAAACCTGGGAGGTTCAAG CTGAGGAAGTCAAGTCTTGGGTTGAATGCTTGTGGTTGGATAGCTTATCATCTAATAATCTCATAAC CATCAAGGCTAGCAACTGCAATTTCTCAATGAACTTTAA</p>
CrLEA2-26	<p>ATGCGCAGCAATGACCACATACCCGTTTCACTATGTCGCGGACCGAACCCGAAACCCATGAAACGACACCG TACCGCTCGGTAAGTTCATCGGGTCCATGAAAGCCTCACAACCCGCTGTCAGATATCTGCGCCA CTTTCTTGGCCCTACTTGCATTTGGGCTCATCACCTTCACTCTGCTGCTCAGCCTCCGGCCCCACCGG CCCAGGTTTCATATCCATGAATTCACATGCCGGGCTGACCAACAATCCGGGTTGAAATGCCCGGAT</p>

CrLEA2-39	<p>ATATTTTCAAGCTTAAGGCCACGGTTCATATTTTCATGTGATATCTCTATTAACATAAATTGCTATTGATTCT GGTCCACCTGCGTGGCCAAACTCAAGTTATGA ATGCTAGCAAGGACTGCGCCACCAGAGAGGCGCGGAGCTTCTCGCCGCATAGTTGGTGCCAT CGTAGCCTTCATAGTCTTAATCCTCCTCATAATCTTCTTAATCTGGATCATCCTCGACCCACAAAACCCC GATTCATTAATCAAGACGCCACCCTTACACCTTCAACTTCTCATCCACCTCACCCTCTGTAACCTCCCCC ACACCCAACATCCTCACCCTCACAATGCAAGTACGCTTCCGCGCACAAACCCCAACCACCGCATCGGCAT TTACTACCACAATCTCTATGCCTATGCCTCTTATCGTAACCAACAGATCTCCCTCGCCACTTCCATCCCCA ACACCTATCAAGGCCACAAGGACTTCATCATTTGGTCTCCGTTTCATCTACGGTAACCGCCTTCCGGTTTCG CCGTTTCTGTTGAGTGTCTGACGCTCGACAGAGTACCGGTACCGTTTTGGTCAACGTCAGGTCAATGG AAGAGTCAAGTGGAGGTTGGGACTTGGATCTCCGGGAGGTACCATATTTATGTCAACTGTCTCGGTATA TTAGGTTCCGCGGAGATCGGAGTAATGCCATCGCGGGGTGACTCCGCGGTTGAAGTTTACAGCTTTTGCAG AGTTGTAGTGTGATGTTTAG</p>
CrLEA2-40	<p>ATGTTGAGCAACATACTTACCTGGACGGGGCAATGGGTGATCCAGAAGGCCATGGCCTAGGGAAGTAAC CTCCATTGCACTTTGGAGGGGTGCTTCTCTAAGGTCTGCTCAAATCTCCGTGCTGATCTTTGGTCTCAATG TCTCTCATCTCTTCTGAATATCCCCAACTCATTACAGCTTCTTGATTTCTCAAGTGGCGATGGGCAAA AAGGTAATAATGGAGTTGGAGCTCGGCTTTTGGGAGCAGCCTCAGCGGTGACCAACCGCCTCCGCTTCCG AGCGAAACCAAGGACCCAACTTTTACCTCATATCAATCAATTTCACTTCCCTCAAGCTCAACCTCCCC TCCTCGACGCGAGGCTCCTCCTCACCGTCCACGTCACCAATCCCAACATCGCTCCGATTCCTACTCTCTCC ACCACATGTCTATTTTTTACGAGGGTTCCTTCTCGGCTCGGCTCAGGTTCAAGCCGGCTCACAGCTCCG GCGTCTTTGCCAGCTCCTCCGCTCCTCCGCTCGCCTCCATGCGCTGCAACTCGCTCACACCGCCTCCGCT TTGTTACGACGTTGCGCGCCGAGATGGTCTTACGCGCTGTTGATATTGCCGGCACCGCCAAAGGTT CTTTGGTGGGACCAACTTCAAGTCCACGTGGATAGCCGCGTACCCTCGATCCCGTCTTTCTTGACGT CATTGATCAGGAAAGTACCTCGAACTTGAAGTCTTACCAGCGTAA</p>
CrLEA2-41	<p>ATGGGAGGAAGAATGCACACTAAGTCCGACTCAGAGGTACACAGCAACAGCATCGACCCTCATCTCGTC GCCGCGCGTTCCTCCTCCCGCGGCCACTCTATTACGTCAAAGCCCTTCAAATCATGACGTTGAGAAGA TGCTTACGTTTCAAGCCCCCTCGGTTCCCTCACCACCATATCCATTACTACCTCTTCCCCCATTCAC CATCCCCGGAATCTTCCACCTCTCGTTTCTGCTTCTCTCAAAAACCTCGCCCTTCTCTCTCTCTCTG GAAGAACTCCACCCTCACCTCACCGGCTCGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACGACG ATTCCTCCGCAACCTGCGCTTGTACCTCTGCTTCTTCTGCTTTTCTGCTTTTCCCTATTTCTCT CTCATCTCTGGGCTACAGCAAGACCTACAAGCCTCAACTCGCTATCAAGAGCATAGTGTTCGAGAAGT GAACGTACAATCGGAAACGATGGAAGTGGGGTGCACACAGATATGTTATCGTTGAAGTCAACGGTCAGAA TTTTGTACAGAAATCCTGGCACTTCTTCCGTTTACGCTCACTTCCACACCTCTCAGCTTACCTATTAC CAGCTTGCACTAGCTCGGCTCAGATGCAGAAGTCTATCAGTCAAGGAAGAGTCAAGGGAAGGTAGTGGT GGTGGTGTAGGACACCAGATTCGCTCTATGGTGGAGTGTCTGGTCTTCTGGAATATATAAAGAGCATA TCGACAGTGTGCATTGCCACTGAACCTGACATTTGCAGTGAATCAAGGCTTTTCTTGGGAAGATTG GTTAAGTCTAAATTCATTCGAAGAAATGCGATGTTCTGTCACTTTGATGGAACAAACAACTTGGAAACCTCT TAATTTGAAGGATTCGTGTGCTACAAGTGA</p>
CrLEA2-42	<p>ATGTCATCTGATCCTTATGCCCATCAAAGATATGTCTCCCTGCAGAACCAAGGCTATGTATCAGGGCCTCC TCCTTATGGGTATGGCCGTAAGCCTCCACGTTACCATCACCACAGTGGTCTGGTTGTTTATGTGGATGCC TAAAGTTCTTCTGTTGCTGCTTCTATAGTTGCTGCGGTTGCTGATTTTGGCCTTCTTATCTTCAATCTC ATTTTGGTGATCATTATTAAGGTTTATATATCTTCTTAAAGCCTGACATACCTTCTTACAATATTAAGG AATTGATATCAACACTTTTGTATTTAAAAATGATAATAAGCTCTTTTCTAATATTTCCATTTGTTGAAAG CGGATAATCAAATGAAGGATTTGGGTTGAATATTTAGATAATGAAGTTAGGTTATGTATTCAGGGTCC CAACTTTGCTCTGGGCGTTCCTCCTTCTTGAACAGAGAGGAACGTAACACAGTTCAATGTAACATT GAAGGGGAGAGTGTGTTGGCCGTGAATGCAACAGCACTTAATGCAAGAACAGGATAAAGGGACAATTC ATTTGTTAATAGCAGTGGGCTTCCATAAGGCTTGTGGTTGATGACCTTATTCATCTGAGGAAGTTCGTG GTTAATATAAATTTGTTCAATGATTTATGATCACTTGAACAAAACAAAAGCCTAATATTTTGGAAAGA CTTCACTACGGAATCGAGTTTGA</p>
CrLEA2-43	<p>ATGGTTTCTAGAGGCGCAAAATTTGCATCGCGGTGTCTCTAATATTTGGTTATCGCTATTGGCACTGTGAT TGCGACATTGTCACTGACAATCTTAAAGATCAGAGATCCTGTGATCAGTATCCACCAGTTGGTCTCGAAA ACTTAAAGTTTCTCTTAATTTTTCGTCGAATGTGAGTCTAGGCATGATTCTCACTATGGGGATCCAAAC TATGCAAGCTTCGAATTCAAAATTCGATCAGTCAATGTCATTTTCAATAAGAAGCTTGTAGCTGATGTTCC AATTCAAGGAGAGGAGTTCACGCGGTTGATACCATTAATGTGACCACTTCCGCGGATTTGATGGTAAGAA AGTTAATACCTTATCCAAATTTTGGTTCAGATATTTTAGTGGCCATTTGAATTTGACATCAACAGCTACA CTGCTGGGGTAGCGCATGTGCTTAACTTTATCAAATGAAGGCCACGGCTTATAGCTCATGTACCATCTC TTTTGAAATACGTACTAAGAATATTTCTTCTTAACTTGCATATCCAAAATCAAGCTTTGA</p>
CrLEA2-44	<p>ATGGCTACTAGAAGCGTCAAATTTGCTTGTCTGTCTCTACTTTTCTTGTGATCATTGTTACCATTGTGAT TGTGACATTGTTTCTGACTCTTTTAAACCAAGGATCCTAACATCACTGTCCACCCTCTTGGCCTTGA ACCTTCAATTTTCCCTTTTACCCTTTGACACTAAATGTGTCTCTAGGTATGTTGATCACCATAGGGAAT CCTAACTATGGAAGCTTCGAGTACAAAACCTCCACTGGTTATATCAAATTCATGACACTGTGTAGCCCA AGTTCCAATGGAGGAGAGTGTAGTCCAGCGGCTAGCACCATTAATGTGAACACTACAGCAGATTTTATGG TTGGAAAGATGATAAATGATCCTAATTTTTGGACTGATGTTTAACTGGGACTTTGAATATGACATCAACA TCTACACTTCTGGGGAAGCGGATGCTCAAGATTATCAAATTCAGGCCACGGCTTATAGCTCATGTGA CATCTCTTTTAAATAAACCTCAAAGCATGTTGATACCAAATGCATATCCAAATTCAGCTTTGA</p>
CrLEA2-45	<p>ATGACAAAGGACTGCGGCCACCATGATGAGGAGCGGCAACAACCTCCTCCGCGCATATTCCGCGCCATCCT TGGTTTCATATCCATACATCCTCGTAATCTTCCATATCTGGATCATCCCGACCCACAAACCCCGTT TCATTTCTGAAGACGCCACCGTCTACGCTTCAACCTCTCCTCCACCGGCGACATACCTTACCACCCCGC CCCACCCCAACACTCTCACTCTCACAATGCAAGTACTCTACCCTCTCAATCCCAATTCGATCGCATCGG CATTTATTAACACACCTCCACGCTACGCTCCTACCAGCGGCAAGTTTCCCTCGCCACCGGACTGCG CACGACCTACCAGGCCACCGTGACACCACCGTGTGGTGCCTTCCGTACGGAACCGCGTGCCTGGTT TCCCTACGTTGAGGAGTGTGGAGCAGGACAAAACCTCAGGGGAGTGTGGTCAACGTCAGGTCAA CGGTAGAGTAAAATGGAAGTGGGACTTGGGTTTGGAGGTACCATATCTGCAACTGACCTGCGCCGCT ATATTAGGCTCGCCGAGATCGGGATACCGGCATCGGAGTTGCGGCGCGGCTTAAAGTTTACGCTTTTC CAAATTTGCGTTGTTGATGTTTAG</p>
CrLEA2-46	<p>ATGACTGACAGACTACCTTCTGCCAAGCCCGCCCAACGGAACCGGCGCGGCTAATCCATCTTT CCCCGACAAAGGCTCACTCTATGGCCACCCGCCCTACCTACCGTCCCAACCTCACACCGCCG</p>

CrLEA2-47	<p>GTAGCCGACGCCGATGCTGTGCAGGTTCTGCTTCTGGCTCATCTCATCTCTAATCCTCTCTCTCTCT CCTCGGCGTCGCCGGCACCCTTCTTACCTCCTATACCGCCCCACCCTCCTTCTTACCTCAGCATCGCT GAAACTGTGTACTGACCTGAACCTCACCAGTCTCCTCCTCCTCAGTCCAGATTCAGCTCAACGTAGCGG CCACCAACCCTAACAAGAAATCCTCTTTCGCTACGACATCACCTCCATCTCCATCTGTCCGGCGATGTG GACGTCGGGACGGCACCATTCCGGGCTTCAGCAGCGGAAAGAAGAACACGACGCTGCTAAAGGCTTCAAT CTCAAGCAGTGGACAGGCACTGACGAGTGACGATGCGTCGCGGTTGAAGGCAAACATGAAGAGCAAGAGTG GATTGCCATTGGAAGTAAAATGGAGACAAGGTGAAGGCAAAGATGGGAACTTGAAGACTCCAAGGTA GGAATCAGAGTGTTCGCGACGGAATAAGAGTCACTCTTCCACCCTTCTTTGGGCGTCATCTAGAAAACCTTCT CAAAAATGTTAAGTGGCAGTCAATGTTTCGATTCAAGATCTGGAAGTGGACCGGTTTGA ATGCTGTCTGCAAAATCTGAATCAGATATTAAGTCTTAGCTCCATCTTACCTTCAAGATCTCCAAGCGG GCCTGTGTACTATGTGCAAAAGTCTTCAAGAGATTCACATGATGGAGACAAGTCACTTCAATGCAGGCTA CTCCAATATCAAAACAGTCCATGGAGTCTCCTTCTCACCCTTCTTTGGGCGTCATCTAGAAAACCTTCT GCTAGCAGGTTTTTCCAGGATTTTCCAGTCTCTTCTGGAAGGAAAGGTAGTAGGAAGAGGAAATGATAAGGG GTGGCCTGAGTGTGATGTGATTCTAGAAGAGGCTCTTATCATGAATTTCCAGGACAGGCTTTTACTAGGC GCTTCCAAGCCTTGATTGCTGTGTTACTTTTGTGGTGTCTTCCAGGCTTTTGTCTGATCATTTTGGGT GCTAGCAGGCTTCAAAAACCTGAGGTACTGTTAAGAGCTTCCAGTACATAAATGTTGTTGGAGAGGG TTTAGACTTCCAGGTGTCCCAACAAAATGCTGACAGTGAATGGCACTTTACGCATGAGCATCTACAACC CTGCTACATTTTTTGGCATCCACGTCATTCCACACCCATCAATCTTATCTTCTCAGACATCACCGTTGCA ACTGGCAAGCTAAAGAAATACTATCAACCAGAAAAGTCAACGTTATGTATCAGTGAATGTAGAAGGTAA CAAGGTTCCCTGTATGGGCGAGGATCCACATAACAGTATCAAAAACCTGTTGTTGAAAGTCCACATCAAT TAAACTTTGAAATCCGTTCCCGTGGAAATGTAGTAGGTAAGCTGGTAAGGTCAAAGCATCATAAGGAAATC ACTTGTCCATTGGTCATCAACTCTTCTGGATCAAAACCTATCAAGTTCAAAGGAATGCATGCACATATGA ATGA</p>
CrLEA2-48	<p>ATGATGTGTGGATATACGTACCATCTTCGACGTTCAAAAATGCAATAGCAAAAATACAGAGAGCGTCCA AAGGAAAGCCATGAAAATCTCAAAAGTGTCTACGACCTTCTCCTACGGAACCTCATCAGCATCAAAACG ACATCGTTTTATTACGCGGTTGTGTACTGACGCTCACCTGCACGCTGGGTCTGGTCTCCTCCTCACCACC ATCTACGCTTTCTGGCCGTCAGATCCTGATCTGAAGATCGTAGGGTTCCAGGCTGAAGCGGGTCAAGCTGCA CCCGTTGCCCTCCCGTAACCGTGGACATATCCATGCTCATCAGCTGAGAGTCAACAACTGATATGTACT CCTTGGATTTTGGAGCCGTTAACGTGATCGTTGCCCTACAGGGGGTGGAGCTCGGGCACGTGACATCCAGC CATGGGCAGTGAGAGCCAGGGGATCTTCCCTACGTTGGATGCTGACGTGGAAATTTTCTGGAATCAGTGTGCT TCCGCAGATGGTATGGTGTGGAGGACGTTGTTAAGGGTATCGTACCCTTTGATACTGTTAGCCAGGTTA GGGCCAATGGGGCTTCTCTTCTTCACTTCCCTATGAAGTCAAGGCTATCGTGTGAGGTTGTGGTGTGAT ATACAAAACAGACGATTGTTCCCAACATTGTCACCGCGGGAGATGA</p>
CrLEA2-49	<p>ATGTTGTGAGAGCAAGAGTTTCTACAAAATGGCTCATGCAATTCATATGCCTTTTAGGCTCCTTGTCTGTG CCTATGGCTGTCTTACGACCCAAGAGCCCTCCTACTCCATTGTATGCATCTCCATAGAACAGCCCTCGA ACTCGAATCAAAACGGCACCATCTTACCAACTTCAAAATGAAAACCCAAACAAGGAATCAAGCATTTAC CATGATGATATAATATTAAGTTTCTTATATGGGCAGATGGAGGATGAGGTGGGGGAGGATACCATAGGCTC ATTCATCAAGAACTGGTAAACCCCGAGATAAAATGGTACTGTCAACGCCAAACCTCGACCATTCAAAAC CTCTCTTGAACGCCATCTCAAAATGCAACCCGAGAGTTAACAGTTGCTTTGAAGACAAAATTTGATACAAG ACATGGGGAATTAAGAGCAAGTCCCATGGTTTACACCTCAAAGGTATTCTCAAAATTTATCCTCAATGGGAA GCTTTACGTAACAAGAAAAGTACCCACTTAGTCCCAATTTCCAAAAAATAGGAAGGTACAAAATAAAGC ACTGA</p>
CrLEA2-50	<p>ATGAGGTGTTCCAAAGGTTGAAAATCTGCTGTGCTGTCTCTGCCATTCTTCTAATTATATTGGTGTGGT ACTTGTGATCTTGTCTTCCAGGTTTCAAGCCCAAGACCCCGATATTAATCCTACAGTCAAGTAAAGCTTG AAAGGATCGAAATTTGGCTTCCCAAGTCCAGAAATAAATGTGTCAATAGGCTAGTGGTCCAGGTTGAAAAC CCCATCATGGAAGCTTTACTTACCAAAACAGCACTGCTTATCTTAATATCGAGGGAATATTGTGGCTGA GGCTCCTATACATGAGGACACAATCTCTGCTGCTGGAGATCATAACATAAGCACATCTTTGGATATTTTTG CAGATATCGAAAATTTAAGGATTTACCGAGTGAATTTTTAAGGGGCGTTACAAATTTATCCTCAATGGGAA ACCTTACAAGGCAAAGTCAAAATATTGCACCTCTTCAAGTTCAAGGCCACTAGTTACTCCACCTGTGATCT CTCTTTACTCGTACATGACAAAAGCATCAATTTCACTTCAACACAAAATCAAAATATAA</p>
CrLEA2-51	<p>ATGACCAAGCCACAGAGCCGACCAACCTAGTTCATGTTTTCGTCGCCACAATCTTTTGTATTTTCTTGT AATCGTCTCTTCGTCGTTTACTTTACGGTTTTCAAGCCCAAGATCCCAAAATCTCCGTCAGCGCGGTTT AGCTCCCTTCTTTTCCGTCACTAACGGCACCGTCAATTTACCTTTTCCCAATACGCTTCCGTTAGGAAC CCTAATCGAGGCACCTTCTCGCACTATGACAGCTCACTCCAGCTTCTTACTATGGCAGACAGGTCGGGTT CATGTTTATTTCCGCGCGCAAGATCGAGCCGGCAGAACTCAGTACATGGCGGCCAGGTTCCAGCTTCAAG CATTTCCGTTGGGCTTTGGCCCACTTTTATTAACGGGCCACTTAATATGGGGCCACTTGAAGGATCGAG TCGAGAATATCGATGGCGGACGAGTGAGAGTGTTCACCTTTCAGTCAACGTTGAGGCCAAAGCTCT ATGCAAGGTTCCCATCGCCGTTCCCGATGGAACCGTCTTAGGTTTTCACTGCTAA</p>
CrLEA2-52	<p>ATGTCAGAAAACAGTACCGAGTCCCGGTCAGTCCAGAACGAGGAGGTATATATACACACAACATCAGA GAAAATTAATCGCCATGTTTCCCAATACGCAAGAAGAAAAGAAAAGCAGCAAAATGTGTGGTGTACGTTTGG TTACCATTGTACCTTATTGGGGTGTATGTTTCTCATCTATCTTTTGGTGGTGCAGATCCAAAAAT GAATTGATATCAGCTAGGTTGGTGGACAATATTAATCATACCGTTATTTCAAGCATCATCTCTTTTAAATTT GAGCATGATTGGGCGTGTGAGCCTGTGGAACCCAAACTTTGGTCCGTTCTATTACGACAACACTACAGTGA GTGTGATGTATGGGATTTTAGTATTGGTCTTCCGAATGGGAGGTGCGATTCTCGAGGCTAGAGAATC AAAGAATTTCAATTTCCATCGTAAATATGAGGTTCAAGTGGGAAATGGTGAATCTTACCAATGATATCAGTTC ATGCATGCTCAAACTCAGAAGCCACTCGGATTTAAGTGGTATAGGTTACGTTGCTCAAGTTTATAAAGAAGA GGAAGACCATACAAAATGGACTGCATATGAATCTTGACTTAACTTCTTCACTTCCGCTACTCCAATGC TAA</p>
CrLEA2-53	<p>ATGGAAATGGCGACAAAACATCTTCTGTCGAAGACATCACACAATTCACCAAGAGACAGCCATTTACAAACC CATAACCAAGAACGAAGCAGCAATGGTTCGTGTCTTTTCTTGCCTTTGTCTATCTTATGTGCAGTTC TATTGGTCTTTGCATCCGTTGTGCGGTCGGGAGTCCAGAGGTCAAAACCTAAGATCAGTCACTTGAACAAA ATCAATTAAGAGCTTCCGACGACCTTCTTCAACGCCACTCTGATCACCTTTCTCAGATTTAGGAAACCC AAATTTACGGTGCCTTCAAGTTATGAGAAATAGCACGGTACTGTGCTGATGCGGGTGAATAATTGGTGATA AGGGAATCGGCAGTGACAGAGTTAGTTACAGAGAAAACCAAAACAAATGAATGTTACCGTGAATGTGAGGTC TCTAAGCTACCCGTTACTGGGAATCTTCCGGTGCATTAATTCAGGAATGTTGAATCTCACCGGTTATGT CAAATTTAGTGGCAGGTTCTCTCAAGATAATCAACAGCAGAAAAGACCATACAAAATGCTTGCACATA</p>

	TGAATCTCAACTTGACCTCCCACGCAATTAAGGGTATCCAATGCTAA
CrLEA2-54	<p>ATGCCGTCCCATCATGACCATGGCCATGTGGCTGAGCATCATCATCATCATCGAAGCCCAATACCCAG AAGACTAAATACTCCTCACAATGATAGCACCATCCCTTAATCTGGCTAGCAGCCATTCTCTGCACAATCA TAGCCATAGGTGTTGTAATTGCAGGCATAGTAGTTTTTCATTTGGTTATATGGTGTACCACCAAGAATCCCC ATCATAAGCATACCCAATTCTCATCTAGACCTTCTCAGAAACGACTATGCTGGTCTTCTACAAACCAACT TCGCATCATTTGGTGGCACAGAATGGAATGCTAAGGCTCATGCAACTTTTTCTGACATAAAGTTCAATG TTAGCTACCAAGGGCAAGGCATAGCAGTGTGTTGCTGACCCTTTTGTATGTTCCAAAGAACAATTCAAAG ACACTCCCCTTATGTGGTTCAATCTGCTCCTATACCCTTAACCCCTGATCAGATGGAGGAAGTGGATGTTTC TTGGAACGAGATATCATTGGATTGACATTAAGGGTAGCGCAAGAACACGGTGGAGAGTAGGACCTTTAG GTTCTGTTAGATTCTGGTGCACCTTTGGAGTGTCAACTCAAGTTTACCCTTCCAATGGTAGTTACATTCCC AAACGCTGCACCTCTGAATCAAAATGA</p> <p>ATGTCACATCTGATAAACCAGAAGTAGTGGAAAGGGAAAGTAAGGATGGAAAACAAAAGGAAGATAATGA TGAGAAGGGTGGATTCTTTGATTCAGTGAAGGGTTTCATTCAAGACATTGGTGAGAAAGATTGAGGAAACTA TAGGATTTGGGAAGCCAACCTGCAGATGTTACAGGAATACACATTCATCAATCAATCTTGAGAAGGTAGAA CTTGTGTTGATGTTCTCATAAAGAACCCGAATCTGTGCCGATTCCCCTAATTGACATAAACTACTTTGGT TGAGAGTGTGGGAGGAACTAGTTTCAGGATTGATACCGGATTCAGGTACAATCCATGCACATGGAGAGG AGCAGTGAATAATCCTCTTACTTTGGTTTATGATGACATAAAGAATACATATAATGATATAAACCCTGGA AGCATAATTCCTTATAAGGTGAAGGTGATCTCATTTGTTGATGTTCTGTCTTTGGAAAGGCTCACCTACC TTTTGGAGAAAACCTGGAGAAATCCTGTTCATACAGCCCTGATGTTGATCTTGAGAAAATTCAGTTTGAGA GGTTCTCTTTTGAAGAGACTGTTGCAATTCCTCATTTGAAGTTGGATAACAAGAATGACTTTGATCTTGGT CTCAACTCGCTCGATTATGAGGTGGCTTGGTGTGATGTTAGCATTGGAGGTGACCAACTCTGC AAAGATTGTGAAAACCTGGGATCACTGACATTGATGTTCCAATTACCTTCAGACCTAAGGATTTTGGTCTG CACTTTGGGACATGATTAGAGGAAGGGGTACAGGATACAGTATTAAGGACATATGATGTTGACACTCCT TTTTGGAGCAATGAAATTGCCATTACCAAAGAAGGTGGTACTACCCGCTCAAGAAGAAAAGGAAGATGG TGAGATGATGAGGAGGAGCTGATTGGAATTCAGTTTATGATCTTGTGTTGAGCAAGTTTCAATATCGAC ATAGTGGAGATGCTCAGAAACAAGGATGCTTCTCAAACTCACTCTTGAACAGTCTCCTTAACTTGATT AGAGTAGTGTTTTTGGTATATCCTAAGGGATTGAAGAAGAAATGGCAGCCAGTTATAGTATCTGTTCTTTT ATTCACAGCTTA</p>
CrLEA2-55	<p>ATGCTTGCACCTCCACCACCCACCACCACCACCATCACTACCATCACCACCATCCCTAGCCATAAGGCA AACCAAGCAAGTTTCTCCTGGCCAAATTTGTCAAATCAAAACAGCCCATAGACAAAATTTCTCAAGAATTAG AAGCACCAGATTATACTACAACAAAGTCAATTAGGCCACTACCAAGATTAAGGCAACCTCCATTTCAAAGG ACCAACCCAAATAATAGGTTTGGTGCAGTGTGTGCCCTCATTTTCAGCCTTGTGCTCATCTTCTTTGGAGT TGCAACTTTGATCATCTTCCCTGCCATCAAAACCAAGAAATCCAACCTTTTGACATCCCAATGCAACCTCA ATGGATTGTATTTTACTCACCAGAATACTTCAATGGTGAATCACTCTCCTTGTAAATATTACCAATCCC AACAGGAAAATGGATGTGAGGTTTGTAGTCTTTGGATGTTGATCTTTCTTCTCAGATAGGATCATATCAAC ACAGTCAATTCAGCCCTTTACTCAAAGGAGAAAGGAAAGCAGGTTGGAATCATTTGCACTTCATATCCAGTT TGGTGTTTTTGCGCTGAGGATCTTGGTGTGAATCTTAAAAAGCAGGTGCAAGTAAAGGTTAACTAAGAT GTGAGGGGAACCTTTTAAATGAGAATAACTATGGCTTCTTCCATTTATCTTATTGGCTGCATAGACAGATG CCAGATAGAGATGACTAGTCCACCAACTGGGGTCTTGATAGCTAGGAAGTGCATCACAAGAGATGA ATGTCAGATCATCAAGAATTCATCCTGTTTCATGATGTGGAGGCACACACAGACCCCTTGGTGCACAGTAA CATTTGTAATCAGATAAAGATGTTCAACCTTCTCCTCAACGCACCATTCCTGTGATGATTCATAAGCCAC CAAAAGAAAAGAACTGTTTGTGCTGCAGGGTTCTATGTTGGACATTAAGCGTATTGGTATTCTTATAATTTGCT CTTCCATCACCATTGGGATACTATCCTTGTGTTTAGGCCAAAGCTTCCCAATACTCAGTGGACCAACT GAGAATAAGCCAATTCATGTTTCTGACAACAATAGCCTTTATGTACCTTCAATGTGACAACTCATCTGCAA GAAATCCAAACAAGAAAATGGGATATACTATGAGGGTGGAAAGCCACATAAGCTTGGTATATGGACACA CAACTATGTGAAGGGTCTTTGCCAAAGTTTACCAAGGTACAGGAACATCACAGTGTCTTAACTGTTTTT GACTGGTCAAGCACAGGATGCAACTGGCTTACAAAGTAGAATTCAGGAGCAGCTGCAGCAGACAAAATAATA TTCCCTTAACTTAAAGGTTAATCTGCCTGTGAGGGTTAAGCTTGGTAAATTTGAAGCTCTTCAAAGTCAA TTCAGAGTTAGGTGCAGGCTTGTGGTGSATAATTTGGTGCTAATAATGATATTAATAATTTCAAGTAGTAG GTGTAAGTTCAAGGCTTAGGCTATGA</p>
CrLEA2-56	<p>ATGACCGATCCAGTTCATCTGAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAACGTCGCCGCCCTCATGA AGTGGCCGTACCTCAAATTCCTCCTCTCTGGCGGCAACCTACGTCATCCGTATCCCAAGGACCAAGTCT ACCGCGTTCCTCCGCCGAAAGTGTCTTTCGCTACGCCAACTACAGCCCGGAAAAATCGTCGATCCCGG TGCTGCTGTGCTCCTCTGCTTTTCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCTGCTCCGCTTCCGCTCCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAGGGCGCCGACTATGCAATCGAGCGGTGGCCGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTTACAGCGGCATATACCCGGAGTTTACGTCCTGTTCCGGGAGACAAACGAT AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAGTTCCCTTGAATGTTCTACAATGACGCTAGGCTCTG TGATGGTGCATTGGCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTCAGCGGTGTTCCGATACGCTTTTGGGGGTA ACGGCATCGCACTCAGACATCGGACCAGACAGCATTTGGTGAATGATGTTGCCAAACAGAGCGTGGCCGTTA ACGTTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACCGTTAAAAAT TACCTGTAATGTGACGGTAGATCAGTTAACGATGAAGGCTAGGATTGTTAACAAGGACTGTAGATACCGGT TGGCTCTTTGGTGA</p>
CrLEA2-57	<p>ATGACTGATCCAGTTCATCTGAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAACGTCGCCGCCCTCATGA AGTGGCCGTACCTCAAATTCCTCCTCTCTGGCGGCAACCTACGTCATCCGTATCCCAAGGACCAAGTCT ACCGCGTTCCTCCGCCGAAAGTGTCTTTCGCTACGCCAACTACAGCCCGGAAAAATCGTCGATCCCGG TGCTGCTGTGCTCCTCTGCTTTTCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCTGCTCCGCTTCCGCTCCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAGGGCGCCGACTATGCAATCGAGCGGTGGCCGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTTACAGCGGCATATACCCGGAGTTTACGTCCTGTTCCGGGAGACAAACGAT AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAGTTCCCTTGAATGTTCTACAATGACGCTAGGCTCTG TGATGGTGCATTGGCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTCAGCGGTGTTCCGATACGCTTTTGGGGGTA ACGGCATCGCACTCAGACATCGGACCAGACAGCATTTGGTGAATGATGTTGCCAAACAGAGCGTGGCCGTTA ACGTTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACCGTTAAAAAT TACCTGTAATGTGACGGTAGATCAGTTAACGATGAAGGCTAGGATTGTTAACAAGGACTGTAGATACCGGT TGGCTCTTTGGTGA</p>
CrLEA2-58	<p>ATGACTGATCCAGTTCATCTGAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAACGTCGCCGCCCTCATGA AGTGGCCGTACCTCAAATTCCTCCTCTCTGGCGGCAACCTACGTCATCCGTATCCCAAGGACCAAGTCT ACCGCGTTCCTCCGCCGAAAGTGTCTTTCGCTACGCCAACTACAGCCCGGAAAAATCGTCGATCCCGG TGCTGCTGTGCTCCTCTGCTTTTCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCTGCTCCGCTTCCGCTCCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAGGGCGCCGACTATGCAATCGAGCGGTGGCCGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTTACAGCGGCATATACCCGGAGTTTACGTCCTGTTCCGGGAGACAAACGAT AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAGTTCCCTTGAATGTTCTACAATGACGCTAGGCTCTG TGATGGTGCATTGGCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTCAGCGGTGTTCCGATACGCTTTTGGGGGTA ACGGCATCGCACTCAGACATCGGACCAGACAGCATTTGGTGAATGACGTTGCCAAACAGAGCGTGGCCGTTA ACGTTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACCGTTAAAAAT TACCTGTAATGTGACGGTAGATCAGTTAACGATGAAGGCTAGGATTGTTAACAAGGACTGTAGATACCGGT TGGCTCTTTGGTGA</p>
CrLEA2-59	<p>ATGACTGATCCAGTTCATCTGAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAACGTCGCCGCCCTCATGA AGTGGCCGTACCTCAAATTCCTCCTCTCTGGCGGCAACCTACGTCATCCGTATCCCAAGGACCAAGTCT ACCGCGTTCCTCCGCCGAAAGTGTCTTTCGCTACGCCAACTACAGCCCGGAAAAATCGTCGATCCCGG TGCTGCTGTGCTCCTCTGCTTTTCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCTGCTCCGCTTCCGCTCCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAGGGCGCCGACTATGCAATCGAGCGGTGGCCGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTTACAGCGGCATATACCCGGAGTTTACGTCCTGTTCCGGGAGACAAACGAT AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAGTTCCCTTGAATGTTCTACAATGACGCTAGGCTCTG TGATGGTGCATTGGCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTCAGCGGTGTTCCGATACGCTTTTGGGGGTA ACGGCATCGCACTCAGACATCGGACCAGACAGCATTTGGTGAATGACGTTGCCAAACAGAGCGTGGCCGTTA ACGTTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACCGTTAAAAAT TACCTGTAATGTGACGGTAGATCAGTTAACGATGAAGGCTAGGATTGTTAACAAGGACTGTAGATACCGGT TGGCTCTTTGGTGA</p>
CrLEA2-59	<p>ATGACTGATCCAGTTCATCTGAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAACGTCGCCGCCCTCATGA AGTGGCCGTACCTCAAATTCCTCCTCTCTGGCGGCAACCTACGTCATCCGTATCCCAAGGACCAAGTCT ACCGCGTTCCTCCGCCGAAAGTGTCTTTCGCTACGCCAACTACAGCCCGGAAAAATCGTCGATCCCGG TGCTGCTGTGCTCCTCTGCTTTTCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCTGCTCCGCTTCCGCTCCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAGGGCGCCGACTATGCAATCGAGCGGTGGCCGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTTACAGCGGCATATACCCGGAGTTTACGTCCTGTTCCGGGAGACAAACGAT AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAGTTCCCTTGAATGTTCTACAATGACGCTAGGCTCTG TGATGGTGCATTGGCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTCAGCGGTGTTCCGATACGCTTTTGGGGGTA ACGGCATCGCACTCAGACATCGGACCAGACAGCATTTGGTGAATGACGTTGCCAAACAGAGCGTGGCCGTTA ACGTTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACCGTTAAAAAT TACCTGTAATGTGACGGTAGATCAGTTAACGATGAAGGCTAGGATTGTTAACAAGGACTGTAGATACCGGT TGGCTCTTTGGTGA</p>
CrLEA2-60	<p>ATGACTGATCCAGTTCATCTGAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAACGTCGCCGCCCTCATGA AGTGGCCGTACCTCAAATTCCTCCTCTCTGGCGGCAACCTACGTCATCCGTATCCCAAGGACCAAGTCT ACCGCGTTCCTCCGCCGAAAGTGTCTTTCGCTACGCCAACTACAGCCCGGAAAAATCGTCGATCCCGG TGCTGCTGTGCTCCTCTGCTTTTCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCTGCTCCGCTTCCGCTCCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAGGGCGCCGACTATGCAATCGAGCGGTGGCCGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTTACAGCGGCATATACCCGGAGTTTACGTCCTGTTCCGGGAGACAAACGAT AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAGTTCCCTTGAATGTTCTACAATGACGCTAGGCTCTG TGATGGTGCATTGGCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTCAGCGGTGTTCCGATACGCTTTTGGGGGTA ACGGCATCGCACTCAGACATCGGACCAGACAGCATTTGGTGAATGACGTTGCCAAACAGAGCGTGGCCGTTA ACGTTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACCGTTAAAAAT TACCTGTAATGTGACGGTAGATCAGTTAACGATGAAGGCTAGGATTGTTAACAAGGACTGTAGATACCGGT TGGCTCTTTGGTGA</p>

	ACCGCGTTCTCCGCGGAAATGTCATCACTACGCAACTACACCCGCGGAAATATCGTTCGATCTCGG TGCTGCTGTGCCTCTGCTGGTTCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCTCTCCCTCGCCATTGGCCCGG CGTCTTCTACTTCGTTTCCGACCAAGGGCCCGACTATACAATCGAGCGCTCGCCGTGAAGGAAATGA ACCTCACGTCGCGCTCGTTTACAGCGGCATTATCACCGGAGTTTACGTCATGTTTCGGGAGACACGGC AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAGTTCCGTTGAAATGTTTACACGACGCTAGGCTCTG TGACGGCTCATTACCGCGCTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTTACGATGTTTCGAGATGGTGTGAGGGGTA ACGACATCGCACTACGGCATCGGACCAGACGGCGCTGGTGAATGACGTTGCCAAACGGAGCGTCCGCTTA ACATTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAAGTGGGATCTGTTAAGACGTGGAAGATCACTGTTAGTAT TGACTGTGATGTGACGGTAGATCAGTTAACGGCGAAGGCTAGGTTGTTAAACAGGATTGTAGATACCGAT TGGCTCTTTGGTGA
CrLEA3-1	ATGGCCCGTCTCTCACAACCCAACCGTCTTGGTTTTCATCGTTGCCCAATCTATCTCCCTAATACCTGT TTATCGGCGAGTTATTCAGCCGCTCAGATGTTTTAGGAAGAGTTGGATTGGGTATTATTGCACGCAGGA GTGGAATGGTGGGAAGGACAGAGGAGAAGCCTGTAAACAAGAGATGGTTCGGAGGCCTACTCGCTTGGGCC CCTGACCCAGTAACGGGTTATTATCGGCCATCAACCACACCCCTGAAATGACGCGGTGGATCTTCGCCA GATGCTTCTCAACCACAAGCTTAGATCACCCACTAG ATGGCTAATTTCTTCTCAGGAAGCGATTTATGGTGTGTAGCGGAATGTTAAGGTTGGAGATGGAAAG CACGATGGTGAAGGCGAAAGCAGCATCCCCAATGGTAATCCAATAAAGATGAAATCTTTTGGATGAGAG ATCCTAAGAGTGGAAATGGATTCCAGAGAATCATTTTGGCGAAGTTGATGCTGCCGAGCTGAGGAACAAG TTTTCTGCCAAGACACAAAACTTCCAATCAACTAAGTAA
CrLEA3-2	ATGGCTCGTCTTTCACTACGCCAAGATTTTCTCTGCTGCTGATGGATTCCCTAGCGTTTTTCAC CAGACGTGGGTACGCGGTAGCAACACAAGCGCAACAAGGGGAGGAACGGCTCTATAAGCGCAAGGTGG CACCCAAGGCTGTGGAAGACAAGTGGCCCTCAACAACAAGGTTTCGTGGGTGCCAGATCTGTTACTGGT TACTACAAACCCGAGAACATCAACGAAATTGACGTTGCTGAATTGCGCCAGACCCCTCTACGCCAAAAATT CAACAACCTGA
CrLEA3-3	ATGGCTCGTCTTTTCGCCAAGCCAAGGTTCTCTCTCGGCTCGTAGCCGACGGATTCTCCAACACTCTTAC CAGACGTGGTTACGCGCGCGGCACACAAGCGCAACAAGGGGAGGAGCTGCCTCCATTAGCGGCAAGATAG CCCCAAAATCAGGGGAAGACAAGTGGCCGCTACTGAAAAGGTGTGTTGGGTCCCAGACCCCGTTACTGGG TACTACAAACCCAGAGAACACCAAGAAATTGATGTTGCTGAGCTGCGAGCAACGCTTCTCGGCCAAAAATT CAACAACCTGA
CrLEA3-4	ATGGTTAGAAGCGGCATCACCAAAGCAAACATGTTGCTTCTCCGGTTCATGACGGGAACTGAGAGAGCAAA GAGTGGACTGAGCAAGTTGTTACCTGCTGTACAGAAAATCTGGAGGAATTTCAAAGAGTAGTGGGAAGA TGGAAAATTCAGAAATTTGGGGTCCCACATCCACGCACAGGAATTTATTTCCAAAAGGGCATGAATGGGTG ATGGATGATGTTCCAGAGGATGCAGCTCGTTTAAAGTACAGACTCACGGTTCAGAAATATTGATGGTGTGGA CAATCCCAATACCAAACTTGA
CrLEA3-5	ATGGCATGCTCTTTTCGCACAAGCCAACCGCTCCTCGCTTTCGCTCTTTCATCGGCGAGGGTATGCAGTGAT GTCTGATGCTTCGGTGAGAGGGGGATTGGATAGGATTGGGAGTGGGAGTAGGAGTAGGAGTGGATCAACGG TGGTGGGGAAGGTTGAAGAGAAGAGTGTGTCCAAAAGTGGTTCGGAGGGTCTTTCAGCTTGGGCCCAGAC CCAGTACCGGTTACTACAGGCCCATCAATCACACCAATGAGATTGACCCGGTGGAGCTCCGAGAGATGCT TCTGAATCACAGAGTCAGATCTTCAATCCCTTAA
CrLEA3-6	ATGGCGTTCGAGGCAAGAATTCAAGGAAGACAGAGCGGAAGCAGCAGCAAAGCTAGCTGCGAAAAGACATTGG CCATGTGAACAGAACAAACGAGCGTGAGGAAAGTTACACACTGCATTCCGATATTCACTTTAAGGAAGCAC GAGCGGAGGCAGCAGCGAAGCTTGCTGCTAAGGATCTTGAAGACGTTAACAAGAGCAAGAGAGAGTGCATTT CGTGAAAAACAACGTTATTGTGATGAGCAGAAACCCGGTGTGATAGGGTCCATGTTTAGAGCCCGGAAAGA AGCTGTGGTTGGCAAGCCTCACGAGGGTGTGGAAGTGAAGGATAGAGGTACCTCACTGGGTTTATGATT ACACCACCCAGAAGACCACCGAAACAAGGATGCAACGAAGCAAAGGCTGGGGAATATGCAGATTATACG TCTCAGAAAAGCGAAAGAAGCAAAAGACAAGCAGGGGAGTACAAGAACTATGCTGCAGATAAAAATGAAGGA AGCTGGAGATGCGACAATGAACAAGCTAAGGAAGCTAAAGACGCGACGATGCAGAAGGCAGGTGAGTATA AAGACTATACAGCTGAGAAGACAAGAGGAGCGAGAGTGCAGCGGGGAAGCTTGGGGAGCTGAAGGAT TCTGCTGCTGATGCAGCCAAAAGGGCTATGGGTTTCTTTCGCTGGCAAGAAAGAGGAAACAAGGAAAAGCT GAGCGGAACAGAGGAAGAAGCGATGAGGAAAATGGAACATGTGAAGGTGGAAGATAGGAAATATGAGGAG GAGGAGGAGGAAAGATGGAGATAAAAGTGGAAAGTCTCGGCCAGGGGCAATGGTGGATGTGCTACGGGCT GCAGATAAGGCTCTGAACAATGTGGACGGTTGGATGAAGAAGGTGTGATTATGTTGGAGCGTGGTCTGTGA GAAAATGTGA
CrLEA4-1	ATGGCGTTCAGGCAACAACCCGAGGACAGAGCCGAGGCTGCAGCCAAAGTTGCTTCTAAAGAACTCGAGCA AGTTAACAAGGCCAGAGACCATAATTTGGCTATCGAGGACCAACAACAACATGACCAAGAAAAGCGTGGT TAATTAGTCCGTTCTAAGAGCAGTGCAAGGAACCTACGAGAAGCAAGGGAGGAGTGGTTGGCAAAAAA GACCCCTGCGGATCCCTATACCACAGAGGTAGTTTTCATGTTAACGTTGAGGATGAAGATGCACGAACCCG AGAAGTTAGAGACATATCGCCAAACAAGCAGGTTCTAAAGTTGGAGAGTATGCAGATTACGCATCTCAGA AAGCCAAGGAAACAAGGATGCAACGGCGCAAAAGGGCGGAGAGTACGCCGATTATGCATCTCAGAAGGCA AAGGAAGCTAAGGATAAGACAATGGAGAAGGTTGAGAATACAAGACTATGCCGAGAGAAAGCGAAGGA AGCGAAAAGATGCGACAATGAATAAGGCAGGGGAGTATAAGGATTACACCGCTGAGAAAACGAAAGAAGGAA AGGACACAACGATGGGGAAGCTTGGAGAGTTAAAGGACTCTGCTACTGATGCTGTAAGAGAGCTGTGGAT TACTTGAGCGGAAAGAAAGAGGAAACAAGAGAAAGGCTGCAGAAACTGCAGAGGCGACCAAAAAATAGAAC GTCCGAGACTGCTGAGACGGCGAAGAAGAAAGCTACGGAGATGAAAGATGCGCAAAAGGAAAAGCTGCAG AAACCACCGAGGCGACCAAAAATAGAACTTCCGAGACTGCTGAGACGGCAAAAGAAGAAAGCTGCGGAGATG AAAGATGCGGCGAAGGACAAAGCTGCAGAAACCCGAGGCGACCAAAAATAAAAGCTCCGAGACTGCTGA CAGCGCAAGAAGAAAGCTACGGAGATGAAAGATGCGCGCAAGGACAAAGCTGCAGAACTCCACCGAGGCA CTAAGCAGAAAATGGAAGAACTCAAGGTGCACGGGAAAGGATACGGTGAAGGAAAGGAGGAAAGATACT AGAAGGAAAATGGAAGAACTCAAGGTGCACGGGAAAGGATACGGTGAAGGAACTGAGCGGCGTGGTGGAGA TAAGTGGTGTGAGAGTCAAGAAAGTGCACCGGAGCGGTGGCGGAAACGCTGAAAGCCACGGATCAGA TGACGGGCGAGACCTTCAATGATGTGGGAAGGATGGATGATGAAGGGGTCAATGTTGGAGCGAGCTAAC AAATAA
CrLEA4-2	ATGGCATCAAAAACAATAATCGACAAGAACTTGACGAGAGGGCAAGCAAGGAGAACTGTAGTTCTCTGG TGGCACTGGTGGCAAGAGCCTTGGGCTCAACAACATCTTCTGTAAGGAAGGAGCAGAGGAGGGCAACAA GGAAGGAGCAGCTGGGAACAGAAGGTTACCAAGAGATGGTTCGCAAGGTTGGATTGAGTTCTATGACAAA TCAGGTGGAGAACGTGCTCAAGAAGAAGGCATTGACATTGATGAGTCTAAGTTCACTACTGCTCTAGGAA
CrLEA5-1	

	CTAG
CrLEA5-2	ATGAACCTTTCTTCTTTCACTTGTGTGAGCAATCATAAAGTTTTTCCCTTGCGCTAACACTCGTAATTATCA TCCTCATTAGTTCCCTTGCAAAGGCAAAAAAGAGTCCTTAGAAGAAAAGGTTTGTAGTGTGAATAACATGG CATCTCAGCAACAAAACCGTGAAGAGCTTGATGAGAAGGCAAGGCATGGTAAACTGTGGTTCTGGAGGC ACTGGTGGGAAGAGTGTAGAGCTCAAGAAAACCTTGTCTGAAGGAAAGGAGCGCTGAGGCAAAAGCGAA GCAGCAGCTAGGATCAGAAGGGTATCATGAGATAGGAACCAAGGAGGGCAACAAGGAAGGAACAGATGG GAACAGAAGGGTACAAGAGATGGGGCGCAAAGGAGGGCTTAGCACTATGGACAAGTCTGTGGAGAGCGT GCTGAAGAGGAAGGCATTGACATTTGATGAGTCTAAGTTTGAAGTCACTAA
CrLEA6-1	ATGGCAAACAACCGGAAGCAAGTGGAAACAAAAACAGGAGAGTGCCTAATCGCAAAGAGAAAGGAAAGAT AGAAATGTTGCCTTTGGAATTAGTCCATGCGTTAAATACAATGATGTACAAAAAGAATACAATCGCAATG CTTATGACACACAACGCCATCTTTCAGCCAAAACCAACCAAGCAGGTGGAACCACACACATGTCTCTACT CCCTCAGATGCTCCATTGAAATTAACCACTAAATAG ATGGAGAATCAAACCTGAGAAAAAGGCGAGAGTGAATCAGGTAAGAAGGACTTCCGATGAAGGATAGTCC TTACTGCAATACAAGGATGTGGAGGACTATAAGCGTCAAGGTTATGGCACCCTGGTCACTAAGAACC ACCCAAATCAAGGAGCTGGTGCCTAGGACACCCTCTCTCTGGTGTCTGTTCCTCTGAATCTGAA TTCAAAGCCACTGATGCCATTAATCGAAGGGACCCGATGCATCTAAAGCTATGGTAGAGAGCAGCATCAA ACCAACCAACCCGTTCCCTTTCGTTACATGGCGACAAAAGAAAGCTGAAAGGCAAAATGGAACAAGCGGA AAGAAGAAGATGAGGAAGAGGAAGAAGCATTTGTCTCTTTGCGATCTTCCGATCAACCTGGAAGCCCAACCG AGAAATCAAGAACACAAACATGTCAACGAAGCAACACAAGAAGAAATCAATTTCCGCTCTTGGAGTGGTTT CTTTTCCAAGAACCAGAAATGTGTGTGCGGATGAAGTTTTCTTAAAGGTCAAATTTCCCAATGCGCT TCTCGTTCAGCACCGGAGGCTGGTTTATTAACACAGGATCTCAACATTATGTCAAGCGATTATGCAACGAG TCCTTGGATCATGCTTCTCTCGGTGATTTTCAAAGTAATAATAGCAGTAGAAGCAGTAGTGTAGAAAGTCA AAATTCGTCAAGTAGCACACAGCTCCACCACCACCACCACCCTACAACAACAGCAGCAGCACCACCAC GATTTAAACCTAGCGTTAGAAACCAATTTACACAGCACCCTAGTCCGAAACCTCAATTAAGAGTATCTGTCT CCAAGACAATTAGTTAATCAAGCTAGAAAATCATCATCAGCATGGGAAATTTCCGTTTGGGTGATGGTCCC TGCTCCCGAAATAGGATTGCAAGACCTCAAGGTTTCGACAGTAGCAACAGTGCAGAACAGGAACTGTGTGAGTC GCAATAGTAGTAGCAGTAGCAACAACAGTCTTCCAATAGTAATGCGAAAAGTGTGAAAACGAGTAAATGAT GGCAACAAGAGCAATCATGTTTTGAAACAGTTAATGGCAAAGGCGGTGGTTTATGAGTGGTTGTGATTG TTCCTTTGAAACGGTCAATCGAACAATGGTAATGATCAAAGGTGGTAAAAGCACCACAAGCAGGAGAAAGTA CAACGCACGCCGTGAAAAGAAAAGTGGTGAATGAAAGAAGCAGAAAGCAGAGGCAAAAAGCAGGAAAAGAA GTTATGTCAAGTTCGTAACGTTTGAATGGTTAAAGGAGCTTCATGCAAGCCATGATCCTGATGATGAGAA GGCTTTGTTATCAAACCATCATGA
CrLEA6-2	ATGGCAAATATCAGAACCAGTACGGTGCCTTCTACAAGCAAGGATCTGATTCAGAAGGAAATGGACAC CACCGGAGACACCCTGGCGTTGGCGGTGGCAGTGGCAGTACTAAAGTGGTAGGAGATGATTATGATAGAA GCAGCGCTGACACTACGGGTGTGAGCGAGCAGCATCACAAGAAAGGAATAATAGAGAAAAATAAAGAGAAG CTTCTGGAACACATCATACAACAAGTAG
CrDHN1	ATGGCAGAGGAAAAATCAGAACAAGTTTGAAGACCCTGAGAGCAGTGAAGGGGAGATCAAGGATCGTGGTCT TTTTGATTTCTCGTAAAGAAAAAGGAAGAAAGAAAGCCTCAAGAGGAGGTCATCGTCCACGAGTTTGA AGGTACAGTGTGCAAGAGAAAAAAGAACGAAAGGAGAGAAGAACAGTCTCTTAGAAAAGCTTCCAC CGATCCGACAGCAGCTCAAGCTCTTCGAGCGAGGAGGAAGGAGAAGAAAGGGAGAGAAGAAAGAAAA GAAGAAAAAGAGGATTTAAGGAGAAGATCGAGGAGAAGATAGGGGATGATCACAAGCAGCAGGACACAA GTGTTCCAGTTGAGAAAGTTGAGGTGGAAGAAAGTTGAGGTTGAAAAAGTTGAAAGTTGATCCAGCAGC GAGGAAAAGAGGGTTTCTCGACAAAATTAAGGAGAAGTACCAGGTACAAGAAGACAGAGGAGGTTCC ACCACCACCACCGCCACCTGCTGTGCATCATCAGAACATGGTGAAGGTTGCTCATGAGAAGAAAGTATTT TAGAGAAGATAAAGAGAAGCTTCTGTTATCACCCCAAGACAGAGGAAGAGAAAACAAAAGGAGAGTGCC GGTACTGA
CrDHN2	ATGCTCTGAAGCCCACTACGAGACCAACATGGCAACCCTGTCCAATTCACCGATCAATACGGTAACCCGGT TACATTGACCGATGAGCATGGTCAACCCGTCAGCTCAAGGGCGTGGCAACCCTGGTGGTGAACCCACGG GCACAGCAGGATCTGGATTTGGAACATATGGTACTGGTGCATACGGCGGTGGTGCAGCCACAGGCACAACC ACCGTCGCAGATCTGATAGCAACCCGAGCGACTGAAATGCCAAGTGCAGCAAGGAGGAGCC TGGAGAGCTTCGTCTCTCTAGTTCAAGCTCTAGCTCTGAGGATGATGGCCATGGTGGGAGGAGGA AGAAGAAAGGACTGAAGGATAAAAATAAAGAAAAGCTACCAGGGGTAGGAGGTGAACGAAAAGATCATGCA CACACACCTACAACCACCACCCTACATCTTTGGTACTGGTGTACCACCACCACCCACCACCGCCAC CCACCCTCATCAGCATGAGAAGAAAGGCGATAATGGAAAAGATTAAGAAAATTCCTGGCCATCACACCA ACTGA
CrDHN3	ATGGCAGAGGAGAAGCTGAACAAGAGTCTAGATACGATACCCTTCCACCAATACTGAAACTGAGATCAA AGACCGTGGAGTTTTTGTATTTCTCGTAAAGAAAAGGAAGAAGAGAAGCCTCAGGAGGAGGTGCTAGCCA CAAAATTTGACAATAAGGTCAAGCTTTCCAATGAACCCGAGACCAAGCTCCAAGAGCAAGAAGGAGACAAG AAGCACACCCTCTTAGAGAAGCTCCACCGATCCAACAGTAGCTCCAGCTCTTCCAGTGATGAGGAGGAGGA AGGAGAAGGTGGGGAGAAGAAGAAGAAGAAAAGGAAAAGAAAGGGCTGAAGGAAAAGATAGGAGGTG ATGATCACAAGGAACAGGACACTGCTGTTCCAGTTGAGAAAAGTGGAGGTTGATTCAGAGCACCCTGACACT GAGGAAAAGAGGGTTTTCTTGACAAGATTAAGGAGAAGCTGCCAGGTGAGCACAAGAAGGAGGAGGAAAGT GTCCCGACATCATCGGAATATGTTGCTGCACACACTGCTGAGACTCATGAAGGGGAGGCTAAGGACAAGG AGAAGAAGGGCCTTTTAGATAAGATCAAGGAGAAGCTTCCGGTTATCAC TCCAAGCCAAATGAAGACAAA GAAAAGGAGACCGATACTCATTTGA
CrDHN4	ATGGCAAGTTATCAGAGTCAATACGGTGTCAAGGTGCTAAGACCATCAGTATGGAACCCCTGTGACTCA AACTGACCAATACGGTAACCCTGTGAGACAAAACCGGTGAAACCGGTAAGCAATATGGAACCACCGGTTACG GAGTAACACTGCGGACACTGGCTCGGGTATAGAAGTGAACCCCTGGTGGCTATGGAACCTCGCACTGAG GGTGTAGGCGCGGGTTATGGAACCCTGGTGGCACCACCCTGGTTATGGTGCACCTGATTTAGGAAACAC CGGTGGCACCCTACTGGTTATGGTGGCAGTATGATGGCACCACCGGTGGCACCCTGGTGGTACCGGTTATG GAAGTGAACAGGAACACTACCGGTGGCAGTGGTTATGGAAGTGAACCGGTTATGGAATCAACACTGGAGGT GCACATACTGATGCAAGGATGAGGAGGAGCATCGTTCATGGACATGACCACTCTCATGGTGGGTATGATGC ATCGGGGGAGCAACATCATGAGAAGAAAGGATAATGGATAAGATCAAGGAGAAGCTTCTTGAACCTGGAG GACACAACGAGAAGTAG
CrDHN5	ATGCAATCTGCCCGCCGTC AACACCACGCTGGCATCGTTGGCCGGCAAGACATA TCGGACGTGGCTAG
CrSMP1	AGAGCAAGGCGTGAGCGTATCCCAAACAAAAGTGGGTGTGAACCGTGTGATCACAGAGTCCGTGGGAGGGC

CrSMP2	<p>AGGTGGTGGGGCAATTCGTGGAACCTGATGTCCTTATGAATTCCTGGTATGGCTCTCGAACCCAGATGCC ATAACCATTTGGAGAGGCACTGGAAGCGTCCGGCGTGGCTGGAGCGGGTGAAGCTGTGGACCAAAGCGA CGCGCTGCTATACAAGCTGCTGAAATGAGAGCCACCGGAAAGAAATGAGACAGAGCTGTGGGGTGGGTG CGAGGGCCCAATCAGCTGCCACTCACAACACTCGCACTCCCTCTACTTTTATAAAACCCTTTGTCTCAT GTCTTGGCGGATGCTAAGGAGAAGTTGCCAACGGACAAGCATGTAACGCGTGAGGATGCAGAGGGTGTCT TGCTGCCGAGCTTAGAAAACAAACCCGACATGAAAACCAACCCCTGCCGGGGTGTCTGCATCCGTAGCCGCTG CCGCCCATTAATCAAAACGCGTACCTTACAATAATATTATAA ATGAGTCAAGAGCAGCCTCGGAGAGAGGAAGCCATCAAATATGGAGATGTGTTCAATGTGAAAAGAGAGCT TGGAAAGCAAAGCAGTGGCACCCTCGACGCAGCGATGATGCAGAAAAGCAGAGACTGCTATGATTGGGAAGA CCGAAAAGGGTGGTGTCTGCAACCATGCAAGCTGCCGATTGAAAAATGAGAGAGATGGCGTTGTGGGA CATAATGATATCACTGAAGTTGTTGCACAGAGTGGTGTCTGTAAGTGAATCTGATCTTCCAGGGAGGCCA AGTTATTTCCGAGTCAGTTGGAGGACAGGTTGTTTACACACTAGAGGAAAAGAAAAGGAACATTTGTAAAT TAGTTGAGGTGGTGGAGCAATTTGGGCAAAAGGTTGCATCGAATACGACGATGCCATCTTCTCTTGTCAA GACTTGGGCTCAAGAGTTGGTGGTGGGATCACCATAGGTGAAGCATTGGAGGGCAGCGTTTTGTACGGCGGG AAAGAAGGCGGTGGAATGGAGCGATGCCGGCGGATTCAAGCAGCGGAAGTGAGAGCCACCGGACGTACCA ACATTTGTTCCCGGAGGTGTTGCTGCCGGCGCACAATCAGCAGCCACCTGAAATGCTCGAACTACAAAAGGAC GAGGACAAGACCAAACCTCGCAGATGTTTTGTCGGATGCGACTTCGAAATTAACCATCAGACAGACCAGCGAC GAGGCGAGATGCTGAAGGGGTAACGGGTGCAGAAATGAGAAATGATCCTAACCTCACTACTCATCCAGGGG CGTGTCCGCATCCGTGCTGCTGCTAGGCTTAACCAACCAATAATAACTAA ATGAGTCAAGAGCAGCAGCAAGGCACCCCAACCCGCAAGATCCCATCAAATCAAAATCGGTGACGTTTTCGATGT CTCCGGCGACCTCGCAAAGAAGCCGTTGCACCCGAAGACGCCGCATGATGCAGAGCGCCGAGACCCGTG TCCTCGGCCAGACCAAGCCGGGGGAGCAGCTTCCGCCATGCAATCCGCCCACTCGGAACGAGAGGGCC GGCGTTGTCCGTCACCGAGATGTCAGTGTACCCGGCAGCCGTTGGTGTACCTCTCGGAGACTCAAGT TCCCGGAAGACGCATAAATACGGAATCAGCTCGGTGGACAGGTTGTGGGACAGTCTTCCAGCGACTCCGG TTCAGGGGGACGAGCCGGTCCGGTCCGAGACAGTGCAGATAACCATAGGGGAGGCGCTGGAGGCGACGGCG CAGACGGCGGGTGAGAAGCCGGTGGATAAAGAGTGACGCGTCCGGCATAACGGCGGGGAGGTGAGAGCGAC GGGCAGTAATGTTATAACGCCGGGAGGGCTTGTCTTATGGCTCAATCGCGGGCGGCTTCAATGCTGAAT GCAAACGTCAGCAGGAGAAGGTCAGCTCCCGCATGATATTGACGGGGGCCACCGGAAGTTGCCGGCGGAC AAGGCGGCGACAATTGAAGATGCTGAAGGAGTGGCGTGTGCTGAGGTGAGGAACAACCCAGATGCGACGGC CACTCCTGTTGGCGTGGCAGCCTCTGTGGTGCAGCTGTAGGCTCAATGAAAATGTTAATGTGTGA ATGTTCAACCACTATTTGGAAGTTCTTCAATCTCTTTTCGATCAGAAACAATGAGTCATGGCCAGCC CAAGAGACCCCAAGCAGAGGATTTCTTCACTGTGAACCCATCAAATACGGCGACGTTTTTCAAAGTTACCG GGGAGTTGGCGTCCAAGCCGATTTACCACAGGAAGCCCGCCATGAAAGCCGGCAGGGCTGGCGTCTTA GGGAGCCCGCAGAAAGGAAGCCAGCCGATGTCATGCAGGAGCTGCGGCAATCAACCAGGCGTGGCGTGC CGTTGACGGCAACGGGTCGCCATCAAGAAGGAAGACGTTAGTGTAACTGAAACAACAACCCGCTGGCAACC GTATCATAACAGAAATCTGTGGTGGTCCAGGCTCCTCGGAAGCGTGTGGACACTCAGCGCCTGTGTTCCCC ACGGATTTGGGTTCTGCAGTTATAGATGGCGACCCGATAACTATTTGGAGAAGCTCGGAAGCAGTGGCCAT AGCGGTTGGGGATAAACCCTGTAACCAAAACGACGCCGCTGCGATCAGTGCAGGAGATTAGGGCGACCG CGGAGAAGAACGTAAGGGCCGGTGGAGTGGGGCATCGGCACAATCGGCAGCCACTCTCAACAGCCAGCTC ATGCGAGTCCAAGATATAGCAAAAACCTTCTGATATATTAACCGGATGCGCAGGATGAGGATGAGGATGATAA GGCGGTGACGCAAGAAGATGCTGAGGGGTGTATACAGCGGAGATGCGGTTTTCCATGGCGGGGGGATGCAA CGGACGTGATTTCTGAACCCGGTGGAGTGGCCGCATCCATGGCCACTGCAGCAAAAGCTGAATGAAGAAAA TGA</p>
CrSMP3	<p>ATGGCTGAAGAGAAACACCACCACCACCACCCTCTTCCACCACAACAAGGACGAGGATAAGCCTATAGA AACTGAGAGTGGTTACAACAAGACTTCAAATACACTAGTAATGAACCTTCCGTTGGCTATGACTCTGGTT ACAACAAGCCATCGTATGAGTCTTCTGGTATGCCTATGAAACTGGTTATAACAACAACATCATATGACACT TCTGGTGGTCCCTATGAAACTGGTTACAATAAAAACATCATATGATCTTCTGGTGGTACCTATGAAACTGG TTACAACAACAAGCTATATCCACTGATGAGCCTTCTGCTGGCTATGGTGGTGGTATGACTCTGACACCA CTGGTGGTGCCTACACCAAAAAACCGGTGAATATGCTGCCGGTGGTGGCTATGGCGATGATAGTATCGA CGTATGATGTTGACTATAAGAAGGAGGAGAAGCACCACAGCATCTTGAACACCTTGGTGGTGGTGGTGC TGCAGCAGCTGGTGCCTATGCCTTGCATGAGAAGCACAAGTGCAGAAAAGACCCAGAGCATGGTGCACAGGC ACAAGATAGAAGAGGAGGTTGCAAGCAGCGCTGCAAGTGGGAGCAGCTGGTGGCTTGCCTTCCATGAGCAT GAGAAAAAGGAAGCAAGGAACAAGATGAGGAAGCAGCATGGAAGAAGCACCACCACCTGTTTGGCTGA ATGGCTGAGGAGAAACACCATCATCACCACCATCACTTTACCATCACAAGAATGAAAGAACCTGTTGA AACTACCGTCTACTCCGAAACCACATTTGATGTTGCTGGAATGTTGGATGACTATAAAAAGGAAGAGAAGC ACCACAAGATCTAGAACCCTTGGTGAATGGGAGCAGCTGCTGCTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG CACAAGGCAGGTAAGATCCAGAGCATGCCATAGGCACAAGATAGAGGAGGAGATTGCAGCTGTAGCTGC GGTTGGGGCTGGTGGGTTTGCATTCCATGAGCATCATGAGAAGAAAGAGCCAAAAACAATATGAGGAAA CACATGAAAAGAAGCATCATCACCATCTTTTTGGTTGA</p>
CrSMP4	<p>ATGGCTGAGGAGAAGCACCACCACCCTTCCACCACCACAAGATGAGGATAAGCCTGAGGATAAGCCTATAGA GGTTGATTATAAAAAGGAAGAGAAACACCACAAGCATCTTGAACCTTGGGAACTAGGTGCTGCAGCTG CTGGTGCCTTATGCTTTGCATGAGAAGCATAAGGCTAAGAAAGAGCCAGAACATGCTCACAAGCACAAGATA GAAGAGGAGATTGCCGCAGCAACTGCTGTTGGAGCTGGTGGTTTTGTCTTCCATGAACACCATGAGAAAA AGAAGCTAAGAAGGAAGATGAGGAAGTCAATGGAAGAAGCACCATCATCTGTTTGGCTGA</p>
CrASR1	<p>ATGCAGGGAGCAAAGAAAGCAGGAGAATCCGCTAAGGAACTGTTGCCAACTTGGGTGCTTCTGCCAAGTC TGGCATGGAGAAGACCAAGGCCACCGTCCAGGAGAAGGTATACTTATATTCAAATTTTAAATATATGTTCAA AATTAATTTTTTAAATGATAATAATAAAAATTTAGTTTAAATATAGTTTTGTGTTGATTTTTTCAATAATA ATTAATTTTTGAAGTTAATTTGTTGATAGTATAAAAATTTAATTTATTAATTTATGACACACA TTATAATTAATATGGTAAAATTAATAATAGAGTTTTAGAATTGAACTTTTTATTAATCATTTGTTCAATAA ATATCTTACGGCAGCTAGTCTAGTGGGTTATAATACATTTTATAATGAGAACAAACAAAGCTATTTAACAC CGAAACGTTGGTCAATGTCATGATGCTAATTAGAGTAATTCAGTTATCAGCCTTTTCAATCAACACATATG TCATCATATATATGATGAGGCAACTCCGTTTTCAAGTAACCATGTGACGAGATATATATATATATATATAT AT TAGAAAAAGTTTTTGGAGGTGCAAGTATGGGTGCATCATTTGTGCTGTGAGTGTGTTGCTTACTCTG ATTCATGTATATAGCTAATAAATGTGTTGGGTTTAAACAGACAGAGAGGATGAGGGCAGCTGATCCTTT</p>
CrASR2	<p>ATGCAGGGAGCAAAGAAAGCAGGAGAATCCGCTAAGGAACTGTTGCCAACTTGGGTGCTTCTGCCAAGTC TGGCATGGAGAAGACCAAGGCCACCGTCCAGGAGAAGGTATACTTATATTCAAATTTTAAATATATGTTCAA AATTAATTTTTTAAATGATAATAATAAAAATTTAGTTTAAATATAGTTTTGTGTTGATTTTTTCAATAATA ATTAATTTTTGAAGTTAATTTGTTGATAGTATAAAAATTTAATTTATTAATTTATGACACACA TTATAATTAATATGGTAAAATTAATAATAGAGTTTTAGAATTGAACTTTTTATTAATCATTTGTTCAATAA ATATCTTACGGCAGCTAGTCTAGTGGGTTATAATACATTTTATAATGAGAACAAACAAAGCTATTTAACAC CGAAACGTTGGTCAATGTCATGATGCTAATTAGAGTAATTCAGTTATCAGCCTTTTCAATCAACACATATG TCATCATATATATGATGAGGCAACTCCGTTTTCAAGTAACCATGTGACGAGATATATATATATATATATAT AT TAGAAAAAGTTTTTGGAGGTGCAAGTATGGGTGCATCATTTGTGCTGTGAGTGTGTTGCTTACTCTG ATTCATGTATATAGCTAATAAATGTGTTGGGTTTAAACAGACAGAGAGGATGAGGGCAGCTGATCCTTT</p>
CrASR3	<p>ATGCAGGGAGCAAAGAAAGCAGGAGAATCCGCTAAGGAACTGTTGCCAACTTGGGTGCTTCTGCCAAGTC TGGCATGGAGAAGACCAAGGCCACCGTCCAGGAGAAGGTATACTTATATTCAAATTTTAAATATATGTTCAA AATTAATTTTTTAAATGATAATAATAAAAATTTAGTTTAAATATAGTTTTGTGTTGATTTTTTCAATAATA ATTAATTTTTGAAGTTAATTTGTTGATAGTATAAAAATTTAATTTATTAATTTATGACACACA TTATAATTAATATGGTAAAATTAATAATAGAGTTTTAGAATTGAACTTTTTATTAATCATTTGTTCAATAA ATATCTTACGGCAGCTAGTCTAGTGGGTTATAATACATTTTATAATGAGAACAAACAAAGCTATTTAACAC CGAAACGTTGGTCAATGTCATGATGCTAATTAGAGTAATTCAGTTATCAGCCTTTTCAATCAACACATATG TCATCATATATATGATGAGGCAACTCCGTTTTCAAGTAACCATGTGACGAGATATATATATATATATATAT AT TAGAAAAAGTTTTTGGAGGTGCAAGTATGGGTGCATCATTTGTGCTGTGAGTGTGTTGCTTACTCTG ATTCATGTATATAGCTAATAAATGTGTTGGGTTTAAACAGACAGAGAGGATGAGGGCAGCTGATCCTTT</p>
Genomic DNA	
CrLEA1-1	<p>ATGCAGGGAGCAAAGAAAGCAGGAGAATCCGCTAAGGAACTGTTGCCAACTTGGGTGCTTCTGCCAAGTC TGGCATGGAGAAGACCAAGGCCACCGTCCAGGAGAAGGTATACTTATATTCAAATTTTAAATATATGTTCAA AATTAATTTTTTAAATGATAATAATAAAAATTTAGTTTAAATATAGTTTTGTGTTGATTTTTTCAATAATA ATTAATTTTTGAAGTTAATTTGTTGATAGTATAAAAATTTAATTTATTAATTTATGACACACA TTATAATTAATATGGTAAAATTAATAATAGAGTTTTAGAATTGAACTTTTTATTAATCATTTGTTCAATAA ATATCTTACGGCAGCTAGTCTAGTGGGTTATAATACATTTTATAATGAGAACAAACAAAGCTATTTAACAC CGAAACGTTGGTCAATGTCATGATGCTAATTAGAGTAATTCAGTTATCAGCCTTTTCAATCAACACATATG TCATCATATATATGATGAGGCAACTCCGTTTTCAAGTAACCATGTGACGAGATATATATATATATATATAT AT TAGAAAAAGTTTTTGGAGGTGCAAGTATGGGTGCATCATTTGTGCTGTGAGTGTGTTGCTTACTCTG ATTCATGTATATAGCTAATAAATGTGTTGGGTTTAAACAGACAGAGAGGATGAGGGCAGCTGATCCTTT</p>

	<p>GCAAAGGATTTGGCAACTCAGAAGAAAGAGGAGAAGATCAACCAGCGGGAGCTGGACAAACAGGCCGGC GTGACACACCGCGCGGCAAGAGCAGTCAAGCCAGGCCGGGCACATGGGACAGGGCCACCACCCAGCCG ACTGGGACCGGAACCGCCAGTACTCCACCACAGGACAACCGGGCAGCCATGGGGCCCATCAGACGTC AGCGATGCCTGGCCATGGAAGTGGCAGCCACCGGCCATGTTACTGAAGGAGTCGTGGGCTCACACCCCA TTGGAACCAATAGAGACCCGGATGGACTGCTACGGCCATAATACCCGGCGGGGGGAATCCAAATGAC TATGGGTATGGGACTGGGGTACTTACACTTAA</p> <p>ATGCAAGCAGCGAAGCAAGCGGTTGAGAACATTAAGGAAACCGCAGCCAACATTGGCGCCTCTGCTAAGTC TGGCTTGGAGAAGACCAAAGCCAGTATCCAAGAGAAGGTTTTCTTTCTTTTTCATTTTTCAAATTTAAA ATTATTCATATATTTTTCTTTTTCTTTCTTCTGCTTAATTCATTTTTGTCTTCTTATCAATTTCCATTTCATC AACATTGTTGTTTCATTTAGCCTTACTTAAAGTTGTTATTTTTGTTATATATAAGATCTATTGTCATAATATC ATATTATAGAAGAAATCGTTATAATATCATTTGATGATTCTTAAATAGAACAATCATAGTTTCAATTAATTT TATATTAGAGATTAATTTGAATGCTAATAGGTCAATCAGTCTAATAAATTTGAAAGATTGATGACTTCTGTT CTTTGGCCGCCATTGATTACTGCAATATTTGAACTCATGAATGTGATTTGCATTTGGCCTCAACAGAC TGAGAAGATGAGTGCCCATGATGAAATTCAAAAGGAGATCGCAACCCGAAAGAAAGAGAGGATCAACC AGGCTGAGATAGAGAACAACAGGCAGTGTAGTACAACCGCCGCCAAACAATCTGCCATGGCTGGGCAC ATGAGTCAGGCCACTATACTACTCTGGCCAGGGACTGAAACTGCCACAGATTCACAATTTGGTCCAG GCCTGAGACTGATGCTACTTACTCCACTACTGGCCCGGGCCTGAGATTCCTACGACATATTTTACCCTG GGCCTGGAATTGAGACCCCATATTTCCCTGCCACTGGGTCGGGGCCTGACACTGCACACACCCCATTTGGT GAGTATGCACAACCTATGGGGATAACACCTATGGGCGTGGTAGGATCAAAATCCGCTCTGGGACTAACACTGG CGTAGATAGTACTGCTCCTATGAGTGGACATAATTTCAAGTGA</p> <p>ATGCAATCTTCAAAGGAGAAGCTGCAAAACGTGGCCGCTGCTGCCAAGGAGCAGCTGCACATTTATAAAGC CAAATAGACGAAAAGGTCGTCTTTTCATGAACCTATCCATCTCTATACGCATTATTGAGTCTCAAATTA TTTGATGTTTGTTCATGAATTTGTACGTGGAGTTAAATCATTTTATCTTACATTTATCGTAGGTAC TTTTCTAAATGATTTCAAGAAATTAATTTGGCAATTTCACTTTGGATTTAGTTTCAATTAATAATTCGGTT TTTTTTTTAGAAGATCGTTCAAACGCAAAAGTATTTGAAGTTGAAGAAATGTTACTAACAGATATTTTTTA AAACAGTGTGTTGAATTCATTTTGTGATGATTAATTTTTTAAAGTAAAATTTATTTAAAGTTAATAGTAGT CTTACTGGGTTAAATGCTGCAGGCAGAGAGCAACCGCAAGAACCGAGGAGGAGAAAGCAATAGTCCCATG AGCGTGCAAGGCAAGGAAAGCTAAAGCAAGATGGAGCTGATGAAGCTAAAGCCAGGCATGCCCGCGAA AAGCTAAGCAACAACAATCACATTTATTTGCTCCACGAGCAGAGTCCCGTAGTTGGGGCTCAACA ACAACCACCCTTGGTAGGAAATCAGACTCAGTACCAGCAAGGGCACCCTCACTTGGAGCAGTTCATGT</p>
CrLEA1-2	<p>CTGGAACCACTTATCCATCTTATCCACTGGGAGGAAACCTCCAGCAGTAAAGCATAATATGA ATGCATGCTAAGACTGACTCAGAGGTGACAAAGCTTGGATGCGTCCACCACACCGTCCCTCGGAGAGC GGTGTATTACGTTCAAAGTCCATCTCAGATGGGGAGAAAACGACGACGTCGTTGCACCTACTCCTGTGC TCAGCCCCATGGGATCCCTCCTCACTCTCACTCTCTTCAAGTCGATTTTCCGGTTCACGAAAGATGAAC CATCATCGCAACAACAAGACTTGGAAAGACATTGACGTCATCGAAGAAGAAGGCCCTCTTCAATCCGAAGA ACGTGACCGTACTCTCTCTAGAAATTTCTATTTCTCTCGCTTTTGTATTGCTTCTCTCTCTCTCTCTCT TCTTTTCCCTTATACATATGGGGTGTAGCAGGCCCATGAAGCCAAAATAGTTCATCAAGTACTTTAAACT TAATTTCACTTTCTATAAATCTTCCCTCTCTCTTCAATTCATTCACAAATTTTCCATGTGCCTTTGC CAGAGCATTAATTTGATCATCTCAGAGTTCAAGCTGGTCTGATTCACCCGGAGTCCACCCGACATGAT CACCATGAATTTCCACCCTCAAATTCACGTATCGCAACACCGGCACATTTCTTGGGGTTCATGTCACTTCAA CACCATTTGGATCTCTCTATTCAGAAATCGTAATTTGCCACCGCAATGTAAGATTTCATCTATATATATA TAT AGTTCTTGTCTCTTTATAACAATAATGTGATGGCTGAATTTGATTATGCAGATGAACAAATTTTATCAGT CAAGGAAGAGTCAAGAGATTGGTGAAGTTCGATGATGGGAAACAAGATCCCGTGTATGGAAGTGGTGCT AGCTTGAGTAGTTCAACAGGTATGCCAACAGTGCCTGTGCCTTTGAAATTTAGCTTTGTGATTCGATCCAG AGCTTACGTGCTTGGAAAGATTGGTGAAGCCAAAGTACTATAAGAGGGTTGACTGTTCCATCACTTTGGATC CGAAGAAGATCACTTCCACTTTCCTCAAGAAGTCTTGACATACGATTGA</p>
CrLEA1-3	<p>ATGGCGGATGGACCCCGGGGACCCCGCCGCAAGCCGCAAGGAGCCAGGCCACCGCTGGACGTAC CAACCTGGCCTCCTGCGTGGTCCGACCATCTTCCCTAATCTTTCATCATCATCGTTCATCTTCTGCTACT ACACCGTCTTCAAGCCACAGGACCCCAAGATCGCCGTCAGCGCCGTCAGTCCCATCATCTCCGTCGTT AACGGCACCGTCAACTTCACTTCTCCAGTATGCTTCCGTCAGAAACCTAACCCGCGCGCTTCTCTCA CCTATGACAGTCCCTTCCAGTCTCTACTCCGACCCAGGTCAGGTTCACTGTTTCCGCGCCGAGAG TCGACGCGCGTGGGACACAGTACATGGCTGCCACCTTCTCCGTTCACTTCCCTGTCCGCGCCAGCC AGATTGGGGCCACACTGGCCAATGGCGATGGTGTGGGTTTAACTATGGCTTAGGGTGGAGCCACGAT GGAGATCGAGTCCAAGTTGGAGATGGCGGGGCGGTCAGGGTTTTCAGCTTTTTCAGCCATCAGCTTCCAG CCAAAGCCGTTGCGAGGTTGCAATTTGCCCTTACCAGTGGATCTGTGTTAGTTTCAATTTGCTAA</p> <p>ATGGCTCAGAGTCCAGAGCAGGTTAAGCCCTTAGCTCCATTCATATCATCAAATTTACCTCAGCAGACAAGA AGATCAAACATCTCCGAAAGAAAATCATTCGCATAAGAAAGTTCGTCGCTGCTGCGGCTGTGTCACTG CCCTTGTGTTGATATTTGTAGTCAATATAGTCTTGGGCTTCCAGTTTCAATGTGAAAGAACCTGAA GTAAGGATGAACAGGGTTATCTTCTCAATAGAATTTAGCTAACGGTGCATCAATGACCTTACACTTCT TGCTGATATCTTTGAAGAATTCAAACGCTTTCACCTTCAAGTTTGGATACACCAACACCACTGTTTACT ATGATGGCACGGAATAGGTGAGGGAACATCTCCACCGGGTAAGGCCAAGCAAGGACAATAAGGTTTC AACGTGACGATGGAATTTAGGCAAAAGGCTTTTGGCTGTCCCAAGCTCGGAGAGTGCATCAGAGATGA TCAAGCTTTGAATATCAGCAGTATACCATGGTAGATGGTAAGGTCAAAATATACAATCTGTTTATGAAGA AGGTTGTGGTTGAATTTGAATTTGATAATTCATAACAACATCACCACTGGTTTGCACCTCTCAAACGGTGGC AATTGCCCTCGGACTCGTTGATCTTTAG</p>
CrLEA2-1	<p>ATGGCCACCAATATGCCTAAATTCAGGCAAAAACCTGGGAATGGGTGCAGATGGCCGCCAACCCCATAGT CTGGCTAATAGCCATTATCTGCACCATCATAGCCGTAGCAGTGGTAGTTGAGGCATTCAGTGTGTTATAG GTTACATAGTGATCCACCCAGGGTTCCATTCATCAGTGTACAGATGCTCATTTAGATTTTCTGAGAAAT GATTTAGCTGGTCCGACTCCAACCCAAATCAGAAATGTTGTGACTGCAAGAATGGGAATGCCAAGGCTCA TGCAACATTTTCAAGATGACTTTCAACATTTAGCTACCAAGGCCAAGATATAGCTGTGCTTGTGACAGCC CATTTGAGGTGCCAAGAACAGTTCCAAAGAGCTCCATTAATGTTGACAAATCCTCCATACCATTAAAT CCTGATCAGATGGAGGAAGTACTAATGATGGAACAGAAATGAGATTTGATTTGATTTCAAAGGAGCTGC AAGGACACAGTGGAGGGTAGGGCTTTAGGCTCTGTTAAATCTTGTGTCATCTGGATTGTGACCTCAAGT TTCGCCCCCTGAATGGGCTTACGTACCCTCGCATTCACCTCCAAATCAAATGA</p>
CrLEA2-2	<p>ATGATGAGTGGAAAGAGAAACGTAGTTAGAGTTTTCAGAGGAGGTTGAAGCAACAAGTAGGCAGCAGCAACT</p>
CrLEA2-3	
CrLEA2-4	
CrLEA2-5	

GTACTACGGCGCAACGCCACCATCGTCTCATTCTCCACCTGTAAAGGGTGTGCTGCTGCCTCTTCTCTC
TCTTCTCTTCTCCTCGGTCTCTTAGTCTTAGCAGCACTGCTACTCATCGTGTGGTGGTAAAGCCAGGAAC
CCTCACTGGACCTTCCCAAGTGGGCTCCAGTATATGGCCATCAGGCCAACGATCCAGCAAC
AGCCAGTCTCTACCTTATCATCAGGTGGTGGTGGTGGTGAATCCCAACAGGGTATAGTACAGTACG
GGGAGTCCAGGTTAAGCCTCATGTTCCGCGGTGTGACGTTGGGGCGGGCCTCGGTGCCAGCTTCTTCCAG
CGTGTCTACAGCGTACGGAGGTGGTGGCCACCCTCGCCGTCGATGGGGTCAACTTATCTGAGGCTGATGC
TGCTGACTTACCAGAGACGCTTTGTTGAATGACCGGGTGCAGCTTCGGGCTTGGGCCATGTTGCCGCA
AGATTCCGCTCTTCAACCTCTATTCTCCTCTTCCAGGTAATCAATTCCTCTTCTCTTCTGAAATTG
TTTTCAATTTTGTCCACTTTCGCTTCCACTTTTTATTTTTCTCAATGGATAATTTACTACTCTAACAAAT
TTACAATTTAAAACCTTCATGACAAAAAATATATAAGAATACCATTACCATTTTAAATTAGGTTTTAA
TTATTATTAGACTTTAAAATTTGTTGGTTCAGCTTATGTTAATTTTTGAGATGATTTTTAAAATAAAC
GGTTATTTTTTCAAATAAAATGTTTAACTTGAACCTTAACTTAATCGATTAAGATCAAAACAGGTCCGATGTT
AACACGAACATCGGATACAACACGAAAATGATTATTCTAACATGGTAAATGTTGAAATATAGAATATCGA
AACACCATAATATGCCTTATAAAAAATATTATAAGTTATATTTTTTTTATACATAAACATTTGATTTTTT
TTTTATATAAAAAATCCGAAAAATGAAAGTATATCTTAAAAAAAAGTGTATTTATCTTAACTAACAT
GTTAAGTTTTTATACTTTTTTATGATAATGAGTTTTTTTTTAAATAGAGATATTTCTTAAATTTATTA
ATTTTAAGTTAACTTTTCTAAACAATTTTTAAAAGTAAATATTTTTAACTATATTAATATATATTTCA
TAAATATGTCAATTTAATATTTCTAACTATATATAGAGGTGTGAACCTAAGTATTTAAATTAATAAAAA
AATTTATATTGAACATGTAGTTAAAAAGTGTCTAAAATATATTAACAATAATATTAACAACAAAC
TACTTAAATAAAAGAGGTATATTAAGAAAGCTATGAAACATGCAACCATGCAACAGGTCCGCTT
CCGTGGACCAGCATATGAACCTTCTCACCTTAAATACAGAGTCTCCCTAACTTTTACTTCAATCTTCCAGT
TCTTAATTTAAAAAAAATATATATTTTTATATTCCGTTTTATATTTAAAAAATATTTCTTCCAGTTCTTC
AATTTTATATTTCAATTTTTTGTAAATAGTTTGGATTGAATTTTTAATTTCTCAATTTGTATTTCAATTTAAT
TTTTAATCTTTACCATTTTTTTTTATAATTTGATCTTAGTTTTTAACTTTTTTCTATCAAAATTTCTATAAT
TTTTAGTCTTAAAAATGATAGTTTTAAACAGTTTGATTTCTGAATTTATTTATTTTATACTCTGCACC
TTTTAGAAGACTATTTAGTTTTTAAAAAATGTTGACTTATATATTTGATATATCTTAATATGTTAATTTTA
TTTTATATTTTTTTTCACTTTTTTATGAAAAAAAACCTAAAATATAATTAACCTAATATTAATTTATACA
TACTAACATCTTTTTAAAATAAAAAATATAGTAAATGTAATTTTTAAAGATTAAATATATATTTAATTA
AACATCATTATTTAATAAAAAATTAACCTAAAAGTTAAATTAATAACTTTTATAAATAAAAAAATAATTT
TAAAAAAAATGAACGAGACTAAAATCTAGAAATAGTAAAAATTAAGGGATTAAAAATTTAATTAACCTCTTA
GTACATTAATTTGTGATGTTACGTGCATGATTAACATCCTCCGCCCATTTCAAAACATAACCGTCACCATT
AATTTCTCATTCGATGGGATGCACATTTTCTTAACTTAAAAATAAATAAAAAAATAAATCAAGCTCTCGCTGT
ACTGCATCACCTGATCAGTCACATACACAGTTCTCAGATTCCGTTGGGTCCCTTTCCACTTTTGTGTT
TTTTGGTTGGTTGTCTAATTTATGGGCCAGTTGGTAGAAAGTTGAGAAGAAATGATTTAATAAAAAATTAAT
TTTGATAGAATAATTTGGGTAAAATGATTTTTGTGTTGATCAATTTATCTTCAATTTCCACAGTAA
AATGCAAAATATACAATGATTTCAATTTTACAAAATCTTAGTTTTGAAAATCTGACCTCCATTTCTATTA
AGTTGAATTTCAATCAAAAACAATAAAAAATACAAAACGAAGTTTGGGACAGCAAAACCAAGGTTCCAGAG
TTTTTAACAGTATAACAACAACTCTAAATCTTAAACCCCATAAAGATATAAGAAATGGGTTTTTTTTATTAA
GAAACATTTGTTACACATTTTCATTTAGGATATATTTGGATAGGATGAAAGAGAAAGATAAGATATGCCATA
TAATTTGATAGAAAAGAAAAGATAAAAAAATAACAATATAGTATGATAACAATAATATATATGATGAA
TATCATTACTCTTTATCTTATTTCCATTTTACCTTTTTATAGATTTTTTTTCTCACTCATATTGAGGT
ATATAGTTTTAAGTCAATATTTTTGTAATTTAAAGTTATAATGGTTGATATTTTTATCAAACTGCATGGG
AGAGATCACTACTTTTCACTACTTTTAGTATTACTTTAATCATTAAGATTTTAGAAAGTCTCAGTCTCA
GAATCATATCTATCAAAATGCTTTTCTGTTTACGCTCCTTTATGCGTTTTCTCTCAAAATGCGTGA
TCTTCCAAATTTCTATTAGCCTCACTTTTATGTACAAGATTTATTTTTTTATTTACCCTATTTGAGTACT
TCTCATTTTTGGTCAATTTCTATTTTCTTTAATGAAATCTTTAATTTTAGCAAAATGATTAATAAAAAAAT
TTACGTCCAGCTATATTTGAAGGTAAGTTGTTAAATTTTTTAAATAAGATCCAACTACTTTTGATACGA
AACTCAATTTTTTTAAAATTTTAAATTTTAAATATACACCGTGTGTTTTTTTTAAAGATGATAAATAA
CTAATAGCGGGAGGAAAGTGAAGAAATTCGGGCAAAAATGACTAGAGAGGGTTCCTCTAGTATTTCTTT
TCCCATGTACGTTCCAGGAATGCAATTTTTGGTATTCTGTTTTTCCAGGCAAGGTGGTGAATATGTGTGTT
ATGTGTTATAGATAAGGGTATGTTTATTTTTGAAAGTGAAGCTCACAAATGTGCCAAACACTGCTGCCATTA
CAGGTGTCCGTTGAATTTGTGTTATAGTGATAAGTCCAAGAAAGCAATCTCTTACTTTATAAGCAGTGTGGATT
GGAGGATTGAATGTTTGA
ATGACCGAACCATCATCCAACCCAACGGAACCGGCAATTAACGGTGTGCCACCCTACTAACGGCAA
CCCTGGTCCCGTTAAGTCCCAACTCTACAACCCAAACCGTCAACTTACCAGCCAACTCCCACTACCACC
GTCTCAACGCTCTCACCGAAACCTCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT
GCTCTCCTCGCCGAATTTGTCGGCGCCGCACTGTACGTACTGTACCAGCCCTCACCGTCCCGAATTTCTCCGT
CACAAACCTCCGCATTTGCGAAGATGAACCTCACAACTCGAGCGACTCACCTCCACCTACCAGGCTCT
TCAACCTCACACTCATCTCCAAGAATCCGAACAACCACTCGTCTTCTTACGATCCCTTACCAGTCAAC
GTCTTCTTAACTCCGTCCCGTCCGGAACCGGTTCCCTAACGGCGGTTACTTCCGACAAGAAACAACAGAC
TAGTATTCCGACGGTGTGTCGGGCTCCCAAGATCTGGACACGGAGTCTGTTGACCAGCCTGAGATCGGGT
TGAAGAAGAAGGGTTTTCCCGTGGGATTCAGATGGACACTAAGGTGAAGATGAAGATGGATTGGTCAAG
AGCAAGAAGGTCCGGATTAGAGTCACTGTGATGGAATCAAAGGCACCGTTCCCGCCGGTAAAGACCGCGG
GGTTGCTTCCGTTATCAACTCTGACTGTAAGGTGATCTTCAATCAAGATCTGGAAGTTCTCTTTCTAG
ATGGAGGAGCGGGTGTCTGCGCAGCTATCGCCCGCCACCAGTAGTACAATCTCCTCTCAAGACCCATC
TATACAGAACCATAGTAGCAAGCACTCCAATTTATCCCGAACTTGGACCCGGCACATAGGTTGTCCGGG
TTCCAAAGGACCAAGTCTACCGTGTTCACCGCCGGAAAAATGCCGAAATCCGGGAGCTCCATCGGAGCACT
CCCCAAAAGAATACAAGAGGAGCGGTTGCTGGTGTGTCACGTTTCACTTCCGACAAAGAAATGCTTTT
GATCATAAATGGAGGCATTTTGGGTGGGCTTTTCTCTGTTGACTTAAACCAAAAGACCCAAAGGTTTTCGA
TCCAACACTTTAATGTCTTAAGGGCACTCCCAACCCAAATACAACATCACTTTACAAGCCCAATCCA
AATTTCTAAAGTAGGCATTTGGTACAAGAAAGGAGGCCAGTTTCAATTTGCTTTAAAGCCGAAAGAGATTG
TTCCAGGATCTCAACAGTTTTCTCAAAACCCCTCATGATTAACACCCCTTGGGCTTACTTTAAAGCT
CAAAAGCTGGTTTTCCCTAAGGAGGTGGAGGAAAGCATCAAAATCATAAACACAAAGTGCATGTCCGATTC
TCATTAACCATTCAGTCCCAGCACGAATGAAAATGGGATTTGTCGTAGTGGGACAAATGCAATTCGACGT
TACGTGTCCGGTGCAGTTGGATTCTTGGCCAAAACCCCTCGTGTACTTTCTCAACAATGTCAAACTAAAC
GACACTAG

CrLEA2-6

CrLEA2-7

CrLEA2-8	<p>ATGTTCTCAAATCACAATAAAATCTCCAAAACACTGTGCTACCAAGCAAGGACTGAAAATTGAGAGGAACTA CAAGAACTCTTCTATGTTTTTTCAGCATTTTTTCACCTCAATCCTATTGTTAATACTTCTTATCTGGATCA TCCTCACCTTCCAAGCCTCAATTCTCCCTCAAACAAGTGTACATCTACAGCTGAATCTGTCCAGGACCA AACCTCAACTCCTCCATCCAACACTCTTCTATCCAAGATCCAACCAGAAAGTTGGTATTTACTATGA TGAATTTCAAGTTTATGCAACCTATAAGGGTCCAGCAGATAACTGGTGACACCCTGTGCCTCCCTTTTACC AAGGACAAGAAGAGAATAATCTCTTAACAGCCTCTTTGGTAGGAAATGGGTTACCACTGGGTCCTCTCTT GGTTATGAAGTGGGTCGTGATCAAAGTGTGGAAGACTAGTTTGAATGTCAAAGTTAATGGAAAGCTTCG TTGGAAGGTGGCAACTTGGGTCCTGGACGTACAGGTTCAATGTTAATTGTTTTCAATCATTTGCCCTTG GACCTTCAGCTCCTCTCACTTCAAAGCAGGGAGCTCGGTGTTCTACCACAATTTAA ATGAAAGCAGGATCTGGTAAAGGGAGAAAAGTTTGCCTGACAGTGACAGGTGTTGTGATTGCAATTGTAAT GCTAATGGTACTAGCATGACGTTGACGGTGTCAAAGCCAAGCATCCTGTTACCACAGTGGACTCAGTGATGC TGCAGGACTTCCACATGAGCTTGGATATAGCAAAACTAAAGGTAGATTTGAATGTGACCTGGACCTGGAT GTCTCTGTGAAGAACCCAAATAAGGTGGGATCAAGTACTCAGACAGCACCAGCCCACTCAATTACAGAGG GCAGCTGATAGGTGAAGTCCAATCTCAGCTGGAGAGATTCTTCTGGTGAGACCAAGGATTTCAACCTCA CCCTCACCATTATGGCCGACCGTTTGATCTCCAATGCCAGCTTTACTCTGATTTACATCTGTGTACATTTG CCCTTAAACACTTTTCAATAGGATTTCTGGCAAAGTCAGCATCTTAGGCTTTTCAAGTCCATGTGGTTTC CTCCACATCTGTGATTTTGGGTTAATCTTTCCAATAGAACAGTTGGAAACCAAGAGTGCCAATACAAGA CGAACTTTGA</p>
CrLEA2-9	<p>ATGATCTTATCGACACGTTTGGACCGTTGATTAGTGGCAACAGAGAGGTACAGTGCACACGATCATCA CGTGTCCGGATGGGACGAGACGTGTGGTATACGTGTCTGGAGCAGGAACCTCGTATGGACATAGTAGGACA GTGTTTGGTTTCCCTCTTGTATAAATGTTTGTGACTTTCGCAATGGCAGCGATAAGTGTATCGATAATT TGAGATTGAAAAATGTCACAGTTGCTGAATAAAGCCAAGGACTTCGTGTCCGAGAGAATCAACAGCTGGC CAAGCCTGAGGCGAGTGTCAACGACGTCGACTTCAAGCGCGTGAGCAGAGATAGCATCGAATACTTGGCCA AGGTCCTGTTCGCAATCCTTATTCACACTCCAATACCAATCTGTGAGATCAAGTACTTTTCAAAGCGCG TCAAGGTACTCTCCACTCAATTTCTTCAATTAATCTGATTATTTAAAAATGAAAAATGTTTCTTGAATAA CAAATTAATTTCTTTTTTATCTTGTATCTATTTTTTGTAGAGTCTGTGTACGAATAAGATAAAAAATAAT TTTTATGTAATATCATATATATGTTGTCAGTTTTTTTGTCTCTAATGAATATTTAAAAAAGCTACGAA AAAAATAGGCCAAAATTAAGAGATACTGAATTTTTATATTAATCAAGCAACGTATAAGATACATAAAAAA AATAATAATATATACTTGCCTAATCACATCTATATATTTAAAAATTAATTTAATCTACTGTTGCTATAA AAATTTTAAATCAATAAAAAATAAATACTTGTGTTAAGAAATGTTTGTGTAATATTTCTTTGGTTAAATA ACTCAATACATTTTCAAAATTTGATGTTATTTGTGTTGGTAGGGAGATAGCATCAGGCAGAATGCCAGAC CCAGGATCGTGAAGGCAAGGATACGACAATGGTGGAGGTACCAGTGAAGGTGCCATATAGCATATTAAT GAGTTAGCTAAGGATATTGGAGCTGATTGGGATATTGACTACCAACTGGATCTGGGTCCTGTTATTGACC TTCTTGCCATTTGGCAATTTACCATTCTCTCTCACAACGGAGAGGTCAAGCTACCAACCTCTCTACT ATGTTTCGCTTAG</p>
CrLEA2-10	<p>ATGGCAGAGAGAGAGCAGGTTAGACCCTTAGTCCATCCATAGATCGTCCAAGCAGCGACGAGGACGACAC CACTCTACACCGCACATCACCTGCTCGTACAAAATTCATCAAATGGTGGGCTTGTCCATTAGCTTTCTTAC TTCTTCTAGCAATTAATAATCATAGTTTTAATATTACCGTGTTCATGTCAAGGACCCCTGATATCAGAATG AACGGTGTCAAATCACAAGCTAGAATTTGTCAACACCTTAACCCCTAAACCTGGGGCTAACATGTCTTT AATTCAGATGTATCGGTGAAAAACCCCTAACGTTGCATCCTTTAGGTATAGTAACACCACCACAAGTTTGT TCTATCATGGCATCATGGTGGGAGAGGCTAGAGGACCCCCAGGGAGGGCCAAGGCTAAACGAACAATTAGG ATGAATGTTTCAATTGATGTATCAGGATCGTATTTGTGTCTAATCCTGATTTTAGGACAGATTTCTGTTT AGGGTTGTTGACTATGACCAGCTTCTCCAGAGTTCAGGGCAGGTTAAGATCTTGAACCTGTTCAAGAAAC ATATTTGGTCAAAAATGAATTTGATACCACACTTTTCAATATTTCTACACAGGGAATTAAGAACAGAGTTGT AAGCGCAAGGTTAAAAATTAATCATCCATGTATAATTAGTATTAGTATTAGTATTAGTATTAGTTTCTTTT TACTGTATTGTATAATTTCTGTATAAAAAATAATGAAAAATTTCTTTGTTTTTATGTTTTTATGTTATG GGAAAAGGAGTATTATGGGAGAAATTTTTGGGCTTGTGAGTGTTTCTTTTTTTAAGCAAAAGACAAC TTGCTCTACAATCTCTCAATTTGGGCTACCAATTTCTTTGAAAGTTATTATTTTCAATATGGCACTAAGCAAG ATTTGCGTGAATCTGA</p>
CrLEA2-11	<p>ATGCAAAATACACGATCAAGAAGAACCAACCAACAACACTCACAAAACCAACCTCATCATTTCCGTGTCAA AGTGCCCTCAACAACAACACTACAACATGGACAAAGGTATCCCTCCTCGCTTCAAACCCCAATGCCCAAAAC GTGAACACTGCATTTGCATCACAGTTTTTCTCCTTACTTGGCATCATTTACTCATCTCTGGCTCGCT TACCACCCTTCCAAGCCACGCTTCCAGGTGGCCAGCGCCGATCTATGGCGTCAACACCACATCACCGCC ACTCATGTCCATCAAAATGCAATTAATATCCTCATTAGGAACCCAAACAAGCGTGTCTCAATCTACTTTG ACAGACTCTCTGCTTACGTGTCTACAGAAACCAACCAATCACGCCACGTGTATGCTGCCACACTCTTC CTCGAAGAACACAGCGCGTCTCGCTGTCCGCGGAGATCGGAGGCGTCCGGGTGTCCGAGGAGGT CTCAAATGGATTGGCAATGGATGAGAGTTATGGGGTGGTGGCTGTGAAGCTTATGTTTCTTGGAAAGTTAA GGTGGAAAATGGTGCATAAACTCTGCACATTATGGATTGTATGCAAAATGTGAGTGTAAATGGGTTTG AGGAAAGGTTTTGTGGGTCAGGTTCTCTCTCGGAGCTCCGGTTTTGTGAAGTGAATACTTGA</p>
CrLEA2-12	<p>ATGACTGATAGAGTCCATCCCTCCGCCAACGGCCGAAAAACCCACATTTTCCGCCACAAAATCTCAACT TTACGGCGCCACCCGTCCTCTACTGCCCAACCGTATCACCACGCGGTAGCAGCAGTCGGGGATGGT GTTGCAGCCTCTGCCTCTGCCTCATCCTCATCCTCTCTCTCTCTCTCTCATCGGCGCGCCGGCACG GTCGCGTACTTCTCTACCACCCTCAACGACCTTCTCTCTCGCTCACCTCTCTGAACTCTCGTACTCTGAA ACTCACCTCTCTCGACTCTTAATTCGAAGTTTGAAGTCAAACTCTCAGCCACAAACCTTAAACAACAAAA TTGCTCTCTCTACGACCCACATCCGCTCTCCATCCTCTCCAACGAAGACATCGACATCGCACACGGCACCC ATTCCTCTCTCCGCCACTCCAGAGGAACATCAGATCTCAAAGTTTCCATTGGCAGCAGCGAGGAAAG CGTGAGAGCGACGCGCGATGCGGCTGAAGGGATCATGAAGAGCAATAGCCGGTTGGCGCTGAAGGTGA AATGGAGACGAAGGTGACGCCAATATGGTGTGCTTACACCCCAAGTGTCCCGTTACTGCTTTCTGTG GATGGCGTCCCGTCAACTTCCCGACGGAGATAAACCGCGACGGCGTCCATCGCGAACCGGAGTGCAA CGTGGATGTGAGGTTCAAGATATGGAATGGACCGTTGGATGA</p>
CrLEA2-13	<p>ATGATGAGAAACAACCCCAATGAAACGGAGCCTACTATGGCCCTCAATTCGCCCAACAAAATCTTACCA TCGCCAGGGCGCGGGCGGCTGCGACTGCTGTGGCTGTATCTTCAAGCTGATCTTCAAACTGATCC TGACGGTGCATCATCGTTGGAATCGCCGCTTCTCTGTTCTGGCTCATCGTTCCGCCAACCGTGGTGAAG GTTACGTTGACGGAGGCGACCTGACGGAATCAACTACAGGGGAACACCTTATACTATGACTTGGCTCT GAACATGACAATTCGCAACCCCAACAAGAGGCTGGGTATCTACTATGATCGCATCGAAGCCCGTGAATTT TCCAGGATGCAAGGTTGGACTCAAATTTCTGGAGCCCTTCTATATGGCCACAAGACCACCAAGCTTTTG</p>

CrLEA2-15	<p>AATCTGCGTTCAAGGGTACCAGGTGGTTCCACTCAACACTGACCAAACCTGCGGAATTGAGAAGGAGAA CAGCACCGGGATTTACGAGATTGATGTGAAGCTGTACCTCAGGGTGAAGTTCAAGTTGGGAGTGTTCAGA CCAAGACGCTCAAGCCTAAGTTACCTGTGACTTACGCGTGCCTTTCACTTACCTAATGGACCCCTCGCCA GCGCTCGGTGCTTTCCAGACTACCAAGTGGGATGGGATCGTTGA ATGGCCGATAAGCAACCTCAGCTGAACGGTGGTGTTCACGGTCCCTGCCATTTCCCCACCAGCGCAGCAACC ACGCTACCATCGCCACCACCGGGCCGAAGCTGCTGTTGCTGCCTCTCGGAATCTTCTGGAAAGATTCTGG TTGCGCTCATGTCCTGGCAGGCCCTGGCAGGCCTCATCTTACCTGGTGGTTCACCCCGCTCCTTCAAG TTCTACGTCACGGAAGCCAACCTTAACCAATTGCAATACCACAGCAACAACAACACCCCTTAACTACGACAT GGTACTCAACTTCACTGCCCCAACCCCAAAAAAGCTGAGCATCTACTACGACAAAGTGGAGGCTTTAA CATTCTACGAAGGAGCCAGGTTACGCAATTACGATGTCATCAGCCTTCAACTCATTCGCGCAGTATAAG AAGAGCAGCAGCCCATGAGCGGCTTTTCAAAGGGAACAGAGTGGTGGTGGACAATTGACCAGCTTTC TGAGTTAAACAGAGACAGAATGAAAGGGTTTATGATATCTATGTGAGGCTGATCTTCAAGTTCAGGTTCA GACTCGGTGACGTCATATCCAGGGACTTCAAGCCCAAGGTCAAATGTCACCTCAAAGTTCCTTAGCTTCT ACCACCACAACCTCTGTTTACGCCCCAAGTGGCAGCTCGATTTCTAG</p>
CrLEA2-16	<p>ATGTCGGTGAAGGAGTGTGACCACCACAAGGGGAAGAAGCACAATACTTCCGGCGCATCTTCTGGGGCAT AGTGATCTTCGTGTTTATCGTGTGCTGGTAAACAATTCTGATAATATGGGCAATCCTTAAAGCCTACGAAGCCAA CCTTCATCCTCCAAGACGTACCGTTTACGCTTCAACGCAAGCATCCCCAACCTCCTCACCTCCAATTTT CAGGTGACACTCTCCTCTCGTAATCCCAACGACAAAATCGGCATCTACTATGACCGTCTCAATACATATGT CACTTACCAGAACAGCAGGTACCTACCGCACTTCCATTCCTCCTTACCAAGGTCACAAGGAAGAGG ACGCTGGTACCGTTTGTTCGGTACCGCTGACCAAGGTCACCGCTGCTCCCTATAAATTTCACTTCCGCTCAA GACCAGTCTAACGGTAACGTCCTCGTTATCGTTAAAATGACGGCAAGGTCGGTGGAGGTCGGTGCCTT TATCTCCGGCCATTACAACCTCTATGTACGCTGCCTGCTTTCATCACATTTGGCCCTCGGAGTAACGGAA TTGCCATTGGCGATAACGCTGTTAAGTATCAATGGTTCAGCGTTGCACCGTTGGCGTTTGA</p>
CrLEA2-17	<p>ATGGAAGGACAAAATTTCCGGTACCCCAACCGTGCAGTGGCAGTGCACATGCATCAATCTTCTTCTGTT AGTCGCCATCACTCTCCTCGTCTTGGCTCGTCTACCGTCCCAAGCCTCGCTTCGTGGTGGTGGCGG CCGCCATCTACGGCCTCAACACAACCACCCCTCCCTCATGTCTGCCACCATGACGCTACCGTCTCATT AGGAACCCAAACAGGCGCTCTCCGTTTACTATGACAGATTCTCCGCTTCGTTTCTCAGGAACCAAGC CATAACGCCCTCAGGTTGCGTGCACCGCTGCACCAGGACAAGCAGCAGCGTCACTATCGCCGTTGA TCGGAGGCACGGCGTTCCGGTGTGGTGGAGGTGTCAAATGGGTTGATGGTGGACGAGGCTTATGGGGT GTGGTCTGAAGCTGACTTTTACGGGAAGGTTGAGGTGGAGGCTGGAGCCATAAACTGCACACTACGG ACTGTATGTCAACTGCAACTTATTGATGGGTTTGAAGAAAGGTTTTGTTGGTCCAGTTCCTCTCCTCGGAG CTCAACCTTGGCATGTCGATTTATGA</p>
CrLEA2-18	<p>ATGGATGTTTCCGCTTCTAATTCGATTGCTTCTGGTGGAAAGAACTTCATCCCGGATTTTCTTTTAAAAA ATGCTGCTTCTTCTGCTTATCTTCTTTTGTATCATGCATGGTGGTGGATTAGCCACTTTTTTTGTGTA TCCTCATCGTTAGACCCCAAAACCGGTTTTCTCTGTTAGAGAGGTTCAAATAAATTTTACAAGATTGAT GATCGTTCTAATCTGACACTGTGGTTCATCTGTAATCTCCTTAAACCCTCAAGAAAATATAATAA GTTTTGGTATAGGTTTTAGTCCATCAAGGTTCTTGTATCAAGAAGGCTTGATATAGGAATATTCGAG TTCCATGGTTTTTTCAACCTCCTCAGACTGAAAATGTGACCGTACCATCTCGTGTCTATTGCAATGTGTT AATCTCAGCAAAATGTGCGCAACACATCTTACAAGAAATGTCAAAGCAAAACAGGCGCGCATCAAGAT CACAGGGGATGCGAGATCCAGTGTGGTACTTTCATATAAAAATTTTTGATAGTAAAGTTAGCTTGC TTCTTCTTTTTTCTTCTCCAATTTTTAGACTCAACTATATTTTGGAGTACAATACTTAATTTCTACT AAAAAACACTACTATATCTTTTTCATTGAAATTTAAACCTATACATCTAACTCCTAAAGGAATACCTATTG CTTAATCAACTAAGTGTGATCCATTGGTTTTGGTCTCGCTGTTAGTTAGCACAATAATGAAGCTAGAAAA TCCGAAATGAAATGAAAAAATTTACAAAAATAAGGTAACAAAGAAAGTTCCCTTATTGCAATTTTTTTGT TTGTATTGATTTATGTCACGCATTAATTTAGTATTATCATTATTTAAATATCCACCGGCATCAATCATA GACCTATATATACATAAAGGTGAGGGAATATATTTGCTGATTGATTTTTGCGAGATTGCACTAGATTGTG GTATGAATTTAATAAAGAGGTTTGGTTTTCACAAATGAAGCGTTTGGTGGCAAAATTAGCAAGAGTGC TTGGTATTGACTATTAATTTGTTGAACCTGTTCGTTTATGCTTTTATTTGATAGGCTTAGTAAAGTATGAT GAAAGCCTTATATACCTATAAAGTTTTGTTTACGGGTTGAGTTCTCAGTATTCAAAGGCATCTCTATGA AATGTGCTTCATCTGCTACATATAA</p>
CrLEA2-19	<p>ATGTCGTCATTAGCACAAAAACAAGAAATCATGACAGAGCACAATAAATGAGGATCAAGAGCAAGTGGT GGTGAATTTCAAAAAAAGCTCAAGAGAAGAAAAGTGTGTGTAATTACCACAGGAGTAGTGTGTTACTTCT TTGTGGTGCATATAGTGGGCTTGTCTTGTGTTGAACTTGCTCAAGCCTAAAGATCCAAGGGCAGAC CTTGTCTTCTGCCACTTTGGAGGGTATAGCACCCTCGTGCACACTTCTGCTATTGACATACAAATCAATGT TACTCTTGATCTCAAGATTCAAGTTGAGAACAGAAACCATGTTAGTTTCAAGCATCAAGGAGGAAAGAGTG TTTTGTTATATGAGGAAAGAGGTTGGAGAGACTCAGTTATACCTCGGTGATTTCCAAAGGTTTCT ACTATACTTCTTGTAGACTCACCTTTCAGGCAGAGAAACTTGTCTCCAATTTTTCTGGTTTGGTTGAGGA CTTGTATGGGAGGACAAATCTCCATGGGAGCTGTTACTAGGATTCCCTGGGAGAGTTACCTTCTTGGATTCA TAAAAAACATATTTATGCTAAGTCCAATGGCCAATTCACCTGTTAGTGTCTTCTGACTTCAAGATCATTAGC CAAGCTTGCAAGAAATAAGGCCAAACTATGA</p>
CrLEA2-20	<p>ATGATAGAAAAATATGGGCACCGCAAAAAGAGTAACATGTGCCTGGTGGTAAACATGTATTGCAGTATAGC AATTCGGCGGTAGCAACGATCTTAGTATCAACGATGTTAAACCAAGGCAACCTATAACCAAAGTGGAAAG GCATAAGGCTTGATGACATGAATATGAACATGAATATGTTTAAAAATGAGGATGGATATTAACGTGACATTG AAAGTGGATATGTCGGTGGAGAACAACAATAAGTTTGGATTGTGTACAATGATAGCCTTGCCTCAACTCAA CTATGGAGGGGAATTAATTTGGGGAAGCCCCAATACCCAATGGAGAGATATATCTGAGGAAACTAAAGGAA TGAACCTTGACACTAACCATTATGGCTGATCGCATGTTCTCCAATTTCAAGCTTTCAAAGATGTTACAACG GGTTCATTGCCCCCTCAACACTATTGTTAACTTTCTGGCCAAGTCATCATCTTGGGCCCTCATCAATTTTCA TGTGGGTTCCACCTTATCTTGTGATTTCAACCTCAATGTTTCCAATAGAACCAATTGACCACAAAGAGTGT ACCATGACACAAAGATTGA</p>
CrLEA2-21	<p>ATGAGAGTGGGTTTGGGTGTGAAGTGTGCTTGGGTGTGATCGGTGTGAGTCTGATATTGGCAGCGTTTAA AATGTCGGAGTGTGTTGGACAAGCCAAAACTATGTTTACAGAGAAAGTGGCAACATGCCAAAACCTGAGG CCGCTGTCGCTGACGTGGATTTCAAGCGCTGAGTGCAGAGGGCGCTGAGTACTTGGCCAAAGGCTCTGTT TCCAACTCTTATCCTCTCCCATTTCAATCTGTGAGATCAAGTACTCCCTCAAAGTGTGCGAGGTTGCG ATTTCTATTTCTTTTAACTTTTTTCTGTTCTTAAGCGAGGAAAACGGAAAGGTCAGAAAGTTTATTAAT AAAGATATAAAGTAATATATCTTAGAAATTTAAACTAATTCAAATCAATAATATATCTTTCTTAGACCAA ATCGGAATTTTATTTATTTGATGAATGTTGGGATAATTGGATTGTTTTCGATTGGTTTTGTGTTGGGT</p>

CrLEA2-22

GATGAAAGGGAGATAGCATCAGGGACAATACCAGATCCAGGGTCGTTGAAGGCCAAAAGACACAACAATGCT
AGATGTGCCAGTGAAGGTGCCTCATAGCATATTGTTAAAGCTTGGCAAGGGACATTTGGTAGAGATTGGGACA
TAGACTATCAATTGGATCTTGTCTTAATTAATGACCTTCCGTGGTTGGCAACTTCAGTATTCCTCTTTCT
CAGCAGGGAGAGATCAAACCCCCACCATCTCTGATATGTTTACCTAA
ATGTGCAAAAACCGTAGGCAGATTATGGCCTTACTCTTGGTCATTATCCCCGTAACGGTGACCGTTACGGC
CTTTCTTTTTTGTCTCATTGTGCGACCCAAACGTCGTTAAATTTACCGTGACCGATGCTACCCCTCGCCCAAT
TCAGTTACACTAATAACACCCTTTACTACGATCTCACCTCATCGTGAAGTTCGCAACCCCAACACAAG
ATCAGAATCCACTATAACTACATGGGAAGTTGTGTTATACCAAAATGTGAAGTTCTGTTCCGTGATCTT
AGGAACCTACATTACGCCACACAAGAACACTGCCATGTTGACTCCTGTTTTTAAAGGTCAACAAGTCATGT
CCCTCAACAAAGACCACATTTTGGAGACTTACAATAATGAGAAGCGTTCTGGGATTTACCACATCGATTTT
AACTTTACTTGAAGTTAAGTTCGATTTGGGTGTGTACAAAATAACAATATGAAGTCCACGGTGACTTG
TAACCTACAACCTCCTTCAATCTTACAATGGAACCTCAACCGCTGGTAGGTTTCAACTTACCCGCTGCA
ACTTCGATTACAACATATTTGTTTTATTTCTGA
ATGGCTGATTATAAGCAACCCCACTAAACGGTGGTATTATGGCCCTTCCATTCTCCAGCGGAGCCACC
ACGCCAACCGCTCACCCGCGGAGAAAGATGCTGTTGCTGCCCTTTCAGCTTCTTCGGAAGTTTCTCCTCG
CAATCGCTGTCTCATTGGCCTCGCCATCCTCATCTTCTGGCTTGTAGTTCAACCCGCGGCTTCAAGTTG
CACGTGACGGAAGCGAGTCTCACTCAATTCACACTACCTCAACACTCTCCAGTACAATCTCGTCTCAA
CTTACGGCCCGGAAACCCCTAACAAAAACTCAACATCTACTATGACAAAAGTGGAGGGTCAGTGTCTACG
ACAGCGTCAGGTTTCGCTTCAACGGACGTTATCACAGGGAAAACTCGTTCGCTCAATACAGAAGAGCACG
AACCGCATGAGCGGGCTTTTCTCGGGGAAACATGTTGTTGTTCTTGATGCCCTGATTTGAAGGATGATAA
GAGGAAAGGGGTTTTGACATTGATGTGAAGCTCTATTTTACCATTAGGTTACGGCTCGGTGACTTCATAG
GTGGTGACACCATGGCCAAGGCTAAATGTGAGCTTGAGGTTCCCTTTCAGGTTCAAGGGGACTGAGGTTACT
CGTTTTCAACCCAGGTGTGATGTCGATTTTGGAGGTCCTATTTACGCTCTTCCCCTCTAATTTAA
TTTTCTCATTCCTTCGATTCCTTGGTTGTCATTTTCTACTTTCAGGTTTGTGCAATTTGCAATTTT
GTAAAAAAGAAAAGAAAAGTATATGGTCTGTCATTTTTCTTTGCCGTAGCTTTTTCTTTTTATGTGG
AATCTTGTATTGAAATACAAATTTATAACAGTAGATATTTTCATCTTAAATATTTATTTTTATTTTTATT
TTATATTTATAAATATTTAATTTAGAGAATGTATATGAATAATGGGATTTTTTATTTGGTTAAATACA
TTTTTAGTTTTTATAAAGTGGACTACTTTTTTAGTTAATTTTTTAAATTAATTAATTTCTATTTTTAAAG
TTTTAGTAAATTTAGTTTTTGTAGATTTTATTTTACTTTAATTTTTTAAATTTCTTTTATTTTCTAAATTT
TTCAAATTTATAATGAAATTTGAAATAAAAAATAAAAAATTTAGTGATAATCTAATAAAATTTAAATAAAT
GTAAAAATATGATATTAGAGTTTGAAGTTGGTAATATGATATTTGGATACAAGTTTCATTTTTAATTTGGTA
AATTTGAAAAAAAAGACAGTAAATTTATTTAATAAATAAAAAATTTAAATAAATAAATAGAAATTTAAGA
ATTTTAAATAGAAAAATGGTATAAAGAATTTAAATTTAAATATGTTTGTAAAATAATTTAAAGAAATTA
ACATATAATTAATTTTTATTTTAAAAAGATAACGCTGAAAGGATGGTATAAAGAAAATAGTGTGTGGAT
ATCATTTATTTGACTTTTTATATATGTACAAAAATGATGTCATGTGCATTAAAAAATATATAAATTTGATAA
ATAAAGTGATGGTGAAGTCAAAATGAAATTTGAAACAACCTGCCACACATGGTTTGGATATTTTCCCAACA
CTCAAGAAAATTTAAATTTCAAACTTAACTCAATAAAAAATTAAAAAAAAACCTTTTACTTTAAGTC
AACCAAGATTTTCAGATAAATGTTTTTCAAGCAAAAGATAAAATTTTATATCATACTTAAATATACAAT
ATAACAATTAAGAATTTGATGTAGTAAAAATAAATAAATCTTTTTTTTAGGTAATTTACATTTTCATTGA
AACCCAAAATAGATCAATTAATAAAGAACGTTGGACATTTATCCAGCACATGAAGATGTTAATGCTTAT
CCTTTTAGTTTTTTATTTTTAAAAATTTTTTGTAAATAAAGTTTAAAAACTGTTTTTTTTAAGAAAGTGA
AAGAGAGTAAGTAAAAAATAAATAGAAAATATAAACTAACAAAAATAAATAAATACTGAAACAGTTGGA
TTTTTAATTTTTAAAAAATAAATTTATCAAAATTTTTTATTTATAAATAAAAAATTTAAAAAAAAG
AAATTAACAAGTTCTAAGTGATTCAGTCTCCTTTTCCCAATCAATGGTATGGGATTTTCTGCCCA
TAGTGTCCAATAACTCATACAATTTGAAATGTCTACTAAATTTTCCAAATGGCTCTATATTGAGATGAA
TATAAATATCTTTTAAAGTATTTTCAAGTATGAAGTTTTTCTTATCTTGAAGTAAATCCTTTCCCTGAT
ACATACAAAGACATTTTAGGGATAAATTTTTTACATGAAACAATCATAGGTTACTCGAGTTAAAAAT
ATTTTTTCGTTCTTTTATTTTTTAAAAATTTTTTATACTATATTAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAAGTTAAAAATTTACATAATTTTTTATTTATTTCTTAATGTTTCATCATTTAGTTTTTATGTTCAATTA
TATTCATACAAGATAAAGGTATAATGAAATAAAGAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TATTGAAAGCTGAAGTTAAAAAATAAAGTAATTTAAGACTCATATAATAGGATAAAGACCCTTTTCAA
TTATTTTTTCCCAATTTGAAGAAATGTACATAGTTGTTGAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
GTTCTATGATTTTCTTAGCTAAAAAATAATGATGGCCATTTCTGTTAAGTGAGTAAAAAATTTCTTAGGTA
TCAATTTCCCACAATACTTCTATTTGATAATGGATATGTATAAATAAAGTGGGACGTAGACATGCTAGTGT
GAAATTTCTTTAGTTCTACGGTCTTGGCAAACTAATTTGAAATGTTCAATATCTCAATAAATAAATAAATA
TGTCAACTAAATCCTAAATGTCCTCATCACTCTAAATTTGAGATATATACAATAATTTATAAGTATTTATTA
AAAAGTTGATTTTTTCTTATCTTGAAGTAAATCATTCTTCTCATATATGTAATAACATTTATTTAGGG
ATAATCTTTTTTAAACATGAGACAATCATATATTTGTATGAAAAAATACTTATTTTATTTCTTTTTATTA
TTAATTTTTAAAAATTTTTTATACATATAAAAAAAGTAATTTTTTAAATTTCAAAATTTATATAAATTTATTA
ATTTATTTTTCAATCTCTCATCGTTAATTTCTCTCTTCAATCTCTCAATAAATTTCTCCACCCTTAAAGACT
GCTCCATTAAGCCGTCACCGTGGTTGTTTTGACTGGAAACCACAGAATTTATGTCAAAATGTCAACACATA
ACTCGACATGAAGCAGCAATCAAGCATAAAAAAGTCAAAGCCGCTTAGTTTCTGTTATACAAGAAATAA
AGATGTTTCAAACGCATCTTTATCTTCAATATATACACGTGACCCCTCTTAGCTCAAACAGAAAG
CATTTAACTACACAACCGTCGCAATGACTCAACAACATGACCGACAAACAACCGCAATGATGAACATTGG
AAACACGACCCCTCAGTTCCGCCAACGGAGCAATCACGGCACCTTGGCAGAAGATGCTGTTACTGCCTCT
TCCGAACCTTCTGGGTCAATCTCGTCTCCATCATCATCTTCAATTTGCCTCATAATCTCGTGTCTGATCAT
ATCATCCAACCCGTTTCTTCAAGTTCCAGCTGACGGAAGCAAGCTCACCCGTTCAATTTACACTACCCGCTAA
CACCTCCGTTACAATCTTGTCTCAACTTCACTGCCGAAACCCAAACAAAAAGCTCAACATCTACTACG
ACGAAGTGGAGGGTACGTGCTCTATCACGGCGTCAAGTTTGGCTTCAACGGACGTTATCACGTGGCAAAAC
TCGTTCCGTTCAATCACGAAGAGCAGAACCCGATGAGCGGCGTGTCTCGGGGCAACCGGTGATTTGTGCT
TGATCAATAATCGGCTCAGATTTGGAAGAGATAAGAGAAGTGGGATTTTTTACATTTGATGTAGGCTCT
ACTTACCATTAGGTTACAGCTTGGTGACTTCATATGGAATAGTGATATCAAGCCCAAGCAAGTGTGGG
CTTAAGATTCCTTTAGTTTCAATGGGACTACGGTGAATGAGTTTCCGCCCAACAGTGCATGTTGATTT
CTGA

CrLEA2-23

CrLEA2-24

ATGTGCGTGAAGGAGTGCATCTTCAAGGGGAAGAGGAAGATCTTCTTCCGCAATATCTGGGAAAT

AATTGCTTCTCTTTTCATCGTGCTCGTTACAATCCTTATAATTTGGGCAATCTAAGACCCTCAAACCTT
 CCTTCATTCTCCAAGACGTACCGTTTATGCCTTCAACGCCACCGTTCCCAATCTGTAAACCTCAATTTT
 CAAGTCACACTGTCTTACCGAACCACAAACGATCACATAGGCGTCTATTAGACCTTTGGATACCTATTG
 CACTTACCAGAGCCAGCAAATTACTTACCGCACCGCAATTCCTCCCTCCTATCAAGGCCACAAAGAGATCG
 ACGTTTGGTGCCTGTTGTTACCGGACCAACGTCCCGTCGCGCCTTCAATTAGCCGGTCTTAGTCAG
 GATCAGTCCAACGGTAACATCCTCGTCACCATTAATAATTGACGGCAGAGTTTCGTTGGAAGGTTGGCGCTT
 CATCTCTGGCCGTTACCACCTCTACGTCCGGTCCCTGCTTTCATCAATTTTGGGACCCGGAATAACGGAA
 TTTCCGTTGGTGAAAACGGCGCCATTAAGTACCAGCTTGTTCAGTCATGCTCCGTTAGCGTTTGA
 ATGGCAGATCATCAGAGACAAGGATCCACCTATGGAGGTAGGAGCACCACCACCAACCATCCCAT
 GGTACCTCCAGGTTCTCAAGATCAGAAAAGGGTAACCTTTACACCGTCCACCACAACATCATGCTAGGC
 CAGCAATATACCCTTCAACAAAAGGAACTGCTTTTGAAGTGCATATGTTGACTCTATGCTTGGTT
 TTCTCCTGCTCATTATCTTGGCAGCAACTGTTGGAATCCTTTACCTAGTTTTCAAACCAAACTTCCCAA
 TTACTCAGTTGAAACACTGAGGATAAGTGATCTTAGGCTCAACTTTGATTTGAGTCTGTATGCAAAGTTG
 ATGTGAAGATCAGCAAAATAACCAAAATAAAAGATTGGTATTTACTATGAGGAAGGTGGGAAATGAGT
 GTGTGGTACAGAAAGACAAGACTTTGTGAAGGTCATTACCAAAGTCTACCAGGTCATCAGAACAAAAC
 AGTGCTGAATGTGCTTGGACTGGTCAAGTGCATCTGGAGCACCTTAATGGAGCACCTAAGCAGCAAC
 AGCAAACAGGACGCATTCCATTGGATCTCAAAGTGCATGCACCAGTTGCCATCAAACCTGGGAGGTTCAAG
 CTGAGGAAGGTCAGAGTCTTGGGTGAATGCTTGTGGTTGTGGATAGCTTATCATCTAATAATCTCATAAC
 CATCAAGGCTAGCAACTGCAAACTCAATGAACTTTAA
 ATGGCAGCAATGACCACATACCCGTTCACTCATGTGCGGGGACCGAACCCGAAACCCATGAAACGACACCG
 TACCCTCGGTACTACGTTTATCGGGTCCATGAAAGCCTCACAACCCGCTGTCCAAGATAATCTGCGCCA
 CTTTCTTGGGCTACTTGGCATTGTGGGCTCATACCTTCACTCCTTGGCTCAGCTCCGCCCCACCGG
 CCCAGGTTTCATATCCATGAATCAACATGCCGGGCTGACCCAAACAATCCGGGTTGAAATGCCCGGAT
 AACCTTCAATGTAACGCCCCGAACTCCAACAGAACATCGGGTTTACTAGCAGTCAAGATGGAGCGG
 TTTATTACCGGGACAGAAAATCGGGTCGACATCGTTACTTAATCCGTTTATCAAGAGCCCAAGAACAG
 ACGGAGGTGACCGGTGATCTCAGTGGTCCACGTTGACCGTTAGTAGTCAACATTGGGCAGAAATCCAAAG
 CGATAGGGCTGATGGTAGCGTGGTGTCCGCTTGGAAAGTACGCTCTGTGATCAGATTCAAGATATCAACGT
 GGGCAGCAAGCGCCACACGATGCACGCTAACTGATGTGATGTGGGCGTGGGACCCGATGGTTCCCTTGTCC
 AATTACAAAGACAAGAGGTGCCCGTTATTTCTCTGA
 ATGAAACCAATCACAACATAACAATGCTCGCAAGACCGATTCCGAGGTTAGTAGCCTCAGTCAGTCGTC
 CCCGGCAGGTCCTCCCGACGGGCGTCTACTATGTGCAAGCCCATCAGTGACTCTCCAACGACCGCG
 AGAAGACAACCAATTCATTTCCAGTCCAGCCGCTGCAAAGCCATGGGGTCCCCCTCCCACTCCCATCC
 AATTCATCTTTAGGCCCGCATTTCTCGGAATCTGCCTCCACCCGCTTCTCGGGCTCCGAAAGCAACGA
 GTCACACCGCAAGGCCCCATGGAGGCCCTGGAAGGATCAGTTCACGCCATCGAAGAGGAAGGCCCTCCTCG
 ATGCCATGACGTCGACAACATGGCTTCCTCGTCGCTGCTATTTTCTCGCATTTGTTGTGGGCTTTGTA
 GTGCTTCTCTGTTTTCTCCCTCATCTGTGGGGCGCAAGCCGCCCCAGAAACCCGATTAACGCTTAA
 GGTCCATTTCTCAACCAACTTTGTAATAATTAATTGATTTTATTTATTTATTTATAAATCATGTGTGTG
 CTTTGACAGAGTATTACCTTTGATCAATTTGTGATCAAGCGGGTGCAGATGTGTGAGGAGTGGCCACAAG
 CTTGGTATCCATGAATCCTCAGTGAACCTTCCGTAACACGGTACATTTTTCGGAGTCCATGTGA
 CATCAACTCCTCTAAATCTCAATTTATCAGCTTACTCTGCCACCGGAAGTGAAGCTTATATTAATGG
 TTGTGACTCTTGAATAATTAATAATTTGGTTTATAATGTGAGATTTGATATGCAGATGCCAAAGTTTATC
 AATCTAGGAAAGCCAGAGATCTGTAGGGTGTGGTGAAGGGAGTCAATTTCCGCTGTACGGAGGGGGA
 GCCAACCTGAACAGCGTGAATGGTGCAGTGAAGCGGTACCATTGAAATTTAGCGGTGATGGTAAAGGTC
 AAGACTTATGTTTTGGGGAATTTGGTGAAGCCAGTTCTACAAGAAGATAGATTGCTCCGTCGTTATGG
 ATCCGAAGAAGATGGGCAAAACCCATTTCCGTCGATGACCAAGTGCATTTATCAGTAA
 ATGACCAATAGAGGGGGAGAGAGAGAGAAATGACCACAACAGGTAAACCAACCACACCCACATCC
 ACAGCCACAGCCACAGCCACAGCCACAGCCACAGCCAAACCGTGAAGCAAGCAAAAGGCCAGCACCAGCAT
 CAGCAACAGAAACACCGGCACATAATTCGGCTTCTTCAAATGGAAATGGTTACAGTCAAGTCAACCAACG
 ACGCCGTCCTCGTTCGTCGCTCGGCGTCTTTAAAGGGTGTGTTGCTGTCTGTCTCCTGCTGTCTCGTT
 GCTGGCACTGTTGGTGTAGCGGTGGTGCCTGGTAATAATCCTAGCGGTGAAGCCGAAAGCCACAGTTCG
 ATCTTCAGCAAGTTGGGGTGCAGTACATGGGCATAACACCAATCCTCCCTCCACCGCTCCCTCTCCCTC
 ACCATACGCTCCTCTTCAACCGCCTTAACCCAAACAGGTGCGCATCAAGTACAGCAGTACAGGCTTAC
 CGTCATGTACCGCGCATCCCCCTCGGCAAGCCTCCGTTCCCGGCTTCTACCAAGACTCTCACAGCGTCC
 GACAGTCTGTCGCCACCATCGCCGTCGATCGGGTCAATTTGCTTCAAGCCGATGCGCCGATTTGATCCGA
 GACGCTTCCCTCAATGACCGCGTCGACCTTCGTCCTCGGCGATGTTGGTGCAAGATCCCGTGTCAATGAA
 CTTCCGATTCCTGTTGTTTCAGTTACTCTTACCTTTTCCCTTCTCAAATACATTTCTCTTCCCGGAAT
 CTCCACATTTCTTCCAACAACAATTTCCCAATTCATCTCACATTTCCCTTTTCTTTATTAATCAATTA
 AACTAATTAATCAACTTAAAGTATTTTATATCTCTTACGCTTTTCTTCTACTCTCTCTCTCTCTCTC
 TCTTAATCTACAATCTTCCGCTGTGTTGTTTACAGACAGAGAGAATGAGTGTGGCGGAGGGTGGCTCCTCTAC
 CTGTAACCTGCGAATTCACACTACCTGTGTGCGACTCTGCTTTTCTTTACTACTCTCTTTCTTTCTTTT
 TCCCTCTCGCTAACGTGCGCCCCGAGGACACTGCTACTATTTCACTCCCTCTCCCTCCTCTGTCTCA
 TAACGTGCGCGAAAGTTATTTGTTTTAATAAAGGATATATTGTTATTTATATTACTGATAGTGAT
 GTTTTAAAACTTTATTTGCTATTTTGTACCAAAATTTATCTTCAACATACTAACACTTACTCGTACACCT
 TCTTAACCTCCCATCTCCTAAGATTTGATGCATTTTCTATTTTTTGGGCACATTTTTTCAGTTCTGTCTGC
 AGCAGCACCGCTGCATCGCATTTGTCATATTTTTGGAGACATCTTTCGGGGGTGTAACCTTCCACTTTTGT
 GTTTTGGCCCTTTTCTTATGGTTTTTGGTTATTTTTATTTCCCTGTCTATGTTGCGCAATGCTGCCCTC
 TTTATGAAAGGAATTTTTTCCATCTCTGGCTACTATTTTGGCTCTCATCCCTATTTTTTCTTAACTTTT
 ATAGTTTTCTTTCGATGAGTCAATGATATAGTAGATTAACCTTTTATAAAAAATTTGATATATATTT
 TTTTTTCTGTTAGTTATAAAAAATTTAGAACTATAGTTTATAAAAAATCGAATCCTGGGGCTGTCTTTTT
 TTTTTGGCCCTTAGTTATGGTTTCTGTTTAAAGTCTTTTTTTTACGGTCTTTTATGCATTTGTCTGGATA
 GCATGTTGAGACATTTCAAATAGGTTCCGGTGTGTGTGCTTGTAGAATTTATTTTTTCACTTGTATGGGG
 GACTTCTCACTTTTTTTGGGAGGAGGGGGATAACTATAGAATCCTTAATTTTCAGGGGTTCCGATATTGT
 TTTTTAAAAATGTACTCCTTAAATAGGGGTGAAATGGGAATTTGGAATAAAAAATAAACCGTGGAAATTTGG
 GGGTTAGGGTCAACTTTAGCCAATACCGAATGATTAGAATGAGCGAAGAAAATGATAAAATGTTAGGTC
 CCACCAGAGTTACGCTGGGTCCAGGACGCTGGATTTCGTAGTCCAGAGTACCAACCACTACACTATGGTGT
 CAACACCCTTACTATACTGGCTGAAGCTCAATAATGTTTCAATTTTGGTGTGTGCTTAAATGCCCTTTTAT

CrLEA2-25

CrLEA2-26

CrLEA2-27

CrLEA2-28

CATCTTAATGCTTCTCTCATCATCTTCTGGATAGTAATCTCACCTCAAGTGTCAAATTCATGTAAGTGC
ACGCCACCCTCACACAATTCACCTCACAACCAACAACACCTTACATTACAACTTGAAGGTCACACATCACA
GTCAGAAACCCCAACAACAGCTGAAAGTATATTTATAGAGCTATCAGCAGAACTAGCTTGGTCAAAAGATAA
TGACATTGGTTGGTGAGTTTGACACCCCTTGACCAAGGCCACAAGAACCAACCTTCTTCAAGCAGTGT
TTATAGGACAAAGTGTGATTAGCTCCAAGCTAAACAACCTTGATGAGTATAAGGAAGAAACAAGTGTGGGA
ATCTACAATGATTTGGCTGTGGATTGGATCTTACAATCAGAGCTAAGTTTGGAAAGGTTTCAAGAGCAGTCA
TTATAATCCCAATTTGTGCAGTGTCTGCTTGAAGTCTCTTGTATTCCAATGCTAAAACAACACCTC
CTTTCAGTGTCACAAAATGCAGCACTGGTTATTTCTTTAAAGATCGTGATGCTGATGCAGAGGCTGA
ATGTGTTGCAAAACCCCGCAGCACCTTCTGCTGCATCTACTGCACCTTCTACACTCTCATGATCATCTTTTT
CCTTCTGTGTATCTTCTGGATAATCATCTCACCTCAAATGTCAAGTCCACATAACTGAGGCCCTCCC
TCACACAATTCACCTCACAACAACAACACCTTATATTACAACCTGAAGGTCAACATCAGTGTAGAAAC
CCCAACAACAACATCATAGTATACTATAGGAGAAACAAGCAATAGCTTGGTCAAAAGCAATGACTTTGG
TTGGGTAAGTTTAAACCCCTTGTATCAAGGTCACAAAATAACCACCTTCTTCAAGTAGAGTTTAAAGGGC
AAAGTGTGATTAAGCTCAAAGCTCAACAACCTTGGTGTGATCAAAAGAAACAAGTGTGGGATTACAAT
GATTTGGCTGTGGATTGGACCTTAGAATCAGAGCTAAGTATGGAAGGTTCAAAGTAGTCTTTCAATCC
ACCAATTTGTGCAGTGTCTGCTTGAAGTCTCTGATTTCTAATGGTAAAACCAACCTTCTTTAGTG
TTACCAATGTAAAAGTGGTCTTTCTTTGTGGACCGTGATGCTAATGCAGGAAGAGCCTGATATACATTC
CTCTATACTCTTAAAATCTTAGTTTACACAATCAATTTTAAACAATTTTTTTTCCATTACTCAATTTAC
ATAGTTGTATGAAGTGTACATGGATATAAATATAATAAAAAACAATCCTAGATCATGTTATGTACCAC
TTCTATTTGGTCTAATTTCTTTGGTGTTTAATTAATCTTGTCTAGCTAATTAAGCAATCTGTGTATGA
TCAATATTATATATATAGTGCAGAGTTCATAAATGTGAATTCACACATACGCCGATTATATAGAATATATT
CGATATTGATGGCGTCCCACTCAACCAAAAACCTAAGTCTCAACCAGACATATAGGATGGTTTTCAAAG
GGTATAAGAACTTTTTTTTTAAAAAAAATGACAATTTTAAACAACAATAATTTTTTTTTAAATTTATTA
TTTTATTTAAAAATTTATATTTCACCTTTTTTGTGATACAAAATTAATTTATGTAATAAAAAAT
TGTATTTTTTATGGAGAATGAAACCAATACATTTAACTTAATTTCTGTAATGTTATAAAGGTTAAAAGA
ATAAATTTAATAGATATTAATAGCTAATTAATAGAAATAGAAATAGAAAACAACCTATAAATAGGAG
TTTGATATTATAAAAAATTTATTTAATAATTAATAATTTTTATTTAAAAATTAATAGTAAGTAA
AAAAATTTAGGATCTAGAACCAGACTTCTCAGCTTGATAAAGAATTTTGTATGTTGACATGAATGAGTTT
AAGAAGAAAAAATTAACAACCTGAATTTTTATGTAACCTAATCGTTTGAAGATGATTTGACTCATTTAC
ACATCATTTTTATTTTTATTTCTTAAAGATGAGTTGATTTCAAGTTTATAAATTTATGTTGCCAGTTTGT
AATAAAGCTAGAGAACCCTCTATATGATAAGGATCAATATCATGCATTGGATTAAGCATTCAATTAACA
ACTAAACATTAATTTATATATAGGCTATTTGTTAATAATTTTAAAAATGAATTAACCTTAAACCCGCCACCC
TTTTTGATAAATTTCTGTATATATAAATAACTACTCAAGTTGCTCATGTTTCAACTCTTTTTAGAAC
AACCGAATGATATGATCTATTTCAATATATATATATATATATATATATATATTTCAATTTGAAGATTCTG
AATTGCTAATTTCTGTGGAATTTTTTATAACTTGCTTGTTTAACCGTTTTCAAATTAGAATGATTATC
AAACAAAATTAACATTTAAAGTATTTTTTTCAATTTTTAGGAAATCAGTTTGAACATTTATAAAAAAGT
ATACAAGCGCTAATAGGCAATGATTCATTTATTTCAATGGACATTTAAATATATACCAGATGGGGTTGCC
CTCCTCATTACGCGTAGGAAGAGACTAAAATTTGTTTAAAGCAGATTCTATCGTAAAAATAGATAAAAA
GACCTAAAGTTCAAGGTAATAATTTCCAAATATGCATATACTTTTAAACCAATTTATGCATTGGGAATGC
CAAAATATAAATTTAATTTAATTTACTATATTTCTGCATATAATTTTCTGACTTACTTACTTACTTAC
TTTTAATGTTTAAAAATTTTTCTTTATTTCTTTTTCTTTTTATTTCTATATTTTTCTTTTTATATACCCA
TTAAATTTTATATATACTTTTTATCTTTCTTTTCTTAAATTAACCTTCCACGTTATAGAAAGTCCCTA
CTCCTTTATAATGATACCAAGACAAGTTAATCACTAGAAAAAGAAAAGAGTTAACTAAGTATGCTGAGA
TATGTTCCCTGCTATTTAAAGTCTTAGCAATGCGGTGCTGATTTAATAAACAACCTTAAACCGTCAAGT
TTTTCAAACAGAAAAATGAAGAGAAAATGCTCCCTAAACACACAAGCATAATCCACACTTATTTTTATGCCT
ACTTGTCCATCCTATATAAATTTACTAGGATATTAGGAAGCAAGATGCAGAAAGTTCTCAACTTCTACAAT
TATTAAGAATTTGAATATCCAACCTTAAGCTTACTAATTAATAAATAATTTTTTTTTATTTGAGA
TTGAAGTGTGATGTAAGTTTAAATTAAGTCCCATATTGAAAACTGAAAGAAAGAAATTTAATAA
ATGCACCATTTGAGCCCAACCTTCTTAGATGCTGCCAACATATTTCTCCAAATTTGAGTAAAGCTTGA
ACACAAGAAAGAAGTGAATGAACACGAAATGATACCAACAATTTCTAATGATTTTCAAAATATAATATTT
TATAGTACTTTTATATCCTCAACGGAATTAAGGGTTCCATGTTAATCAAAGCTTTGAATAGTCTCCAATC
TTCATTACTCAGCTTCAAACTCAAAGTCAATGCCTCTCTGTACCTTGTATAATGCAAGTAACTCAACAA
GAAAAAGCTAAGCAACAACATACACCAAAACCATTAAACATCAACCATCAACCAATAACCCCTACAAAT
ACCTATCAACATTTGACACATCAATCACAATAAGCTTCTCCTACCAATCATCACACACATCTATCCAT
CACAAATCTCTCACCATGTGTTGCAGATCGGGCTTTAGCTTCTGTTGCTTTTGTGCTCATCTACAGCACA
TTCTACATGTTTATGTTCTCTTCCACTTTCCCTCATCATTTTTTGGATAGTAACTCACCTCAAGTGT
CAAGTTCATGTAACGATGCTCCTCACACAATTCACCTCACAAACAACAACCTTATATTACAACCT
TGAAAGTCAACATCAGTTAGAAACCCCAACAATAACATCATAGTGTACTACAGGGGTATCACAGCAATA
GCTTGGTACAAGATAATGACTTTGGTGGGTGAGTTAACACCCCTTTGACCAAGGCCAAAAATACAAC
CTTCCCTCAAGCAGTGTTTAAAGGCCAAAGTGTGATTAAGCTTAAAAACAACAACCTTGGTGTGATCAAA
AAGAGACAAGTGTGGGATTACAATGATTTGGCTGTGGATTGGACCTTAGAATAAGATCTAAGTATGGA
AGGTTCAAAAAGTAGTCGTTTTCAATCCACCTATTGTGCAGTGTCTGCTGAGAGTTCCTTTGATTTCTAA
TTCTAAAACAGCACCTCCTTTCAGTGTACCAATGCAGCACTGGCTATTTCTTTGCGGATCGTGATGCAG
GAGACTGATATAAATCCTATATACCCCTAAGTCTATTTGCAATCCATTTTTTTTATTACTCAATCTGCAAA
CTTGATATGGGTAGAATTTAATTTCAAGAGATCATTAAAGTTATGGTCTTCTTCTCAGTTATATATATAT
ATAGCCTCCTACCGCACTTTTTA
TTTTTCTTTAAAAATTTCAATCTTTCTTTAAAAATTTCAATTTCTGGGACCAACTAATAAATTTTGGCAGAACTA
GTATTCTAAGTTATAGTAATAAATCTTAGTAGTCATAGTTTATTTAATTTGATGAATATATCTAATCACTAA
TTTTTATACACTTCCACCGTACATCTTCAATCAACATCTTTTACTTTTCTTTTTTAAATCATAGAACATTT
ATCTGTCACATCTATATATATATATATTTTTTAAAAATTTATAGGACGTATATACACCAATTTGATACCCAATCC
TTCTTAGATGCTGCCGTCCAGTTCTAAACATATTTCTCAATAGCCGATAAAGCTTGAACACAAAAGAAAG
TGCTGAAGACGAAATGATACCAACAATTTCTAATACATATTTAATAAATAATTTATAGTACATTTATA
TCCTCAACCAAAATTCATCAAGAGTTCCTTGTAAATCAAAATATATATTTTTATAGTGAAGAAATCAACAA
GAAAAAGCTAAGCAACACACCATACACCAGAACCATTAAACCACGACCTTAAACCCCTACAAATACCTGTA
AACATTTGACACATCAATTAACAATAAGCTTCTCCTTCCAATCATCACACACTACTATCTATCCATCACAAA
TCACCTCACCATGTTGTGAGATCGGGCTTTAGCTTCTGTTGCTTTTTCTGCATCTACAACACATTTCTAC

ACCTTTATATTCCTCTTCACTTTCCCTCATCATCTTTTGGATAATAATCTCACCCCTCAAGTGTCAAGTT
CCATGTAACTGATGCCTCCCTCACACAATCAACCTCACAAATAACAACACCTTATATTAACAACCTGGAAGG
TCAACATCACAGTTAGAAACCCCAACAAGAGAGCATAGTGTACTACAGTTGTATCACAGCAATAGCTTTGG
TACAAAGATAATGACTTTGGTCTTGTGAGTTTAAACCCCTTTGACCAAGGCCACAAGAATAACAACCTTCC
TCAAGCAGTGTTTAAAGGGCAAAGTGTGTTTAAAGCTCAAAGCTAAACAACCTTGGTGAGTACACAGAGAAA
CAAGTGCTAGGATTTACAATGATTTGGCTGTGGATTTGGATCTTAGAATCAGGTTTAAAGGAAGGAGGTTT
AAAAGTAGTCGTTTCAATCCACCAATGTGTCAGTGGCTCGCTTGA
ATGACTGGGAAGGACGAGTTTCTCTCGTACTCGCCCTTCCCTCCAATCCAATCCATATTTCTAATAACCC
TAATCCTAACCCTAACCCTAACCCCTACCATTACCCCAAAACGTCGTCGTTCTCCTTCCCTATCGGT
CACCTTCCCTCCGTCGCGCTCGTCGCTGCATCCTCTACTCCGCTGCGCTCTCATCTTCTTCCCTCCGTC
GCCGCGTCTCATCTTCTACCACTCCGACCCGGAGATCCGCTCGTCCGACTCCGACTCAACCACATTGG
AATCCGAACCTTCCGAGGCCCAATTCGACCTCTCTTTCTCCATCACCGTCAAGGTTTCGCAACAGAGACT
TCCTTCCCTATCCTACGATCCCTCTCCGTCCTCCGTCGGTTACCCTGGCCGCCAGCTAGGTTTCGTCACC
TCCTCCGCGCCGGCCGATAGGGCGCGTAGCTCCTCCTACGTTGACGCCACGCTCACCGTCAATGGATT
CGAGGTTATCTACGATGCTTTCTACTTGTCAAGACATCGCCAGAGGTTATCCCGTTCGATACCGATA
CTCGAGTTGAAGGGAATTTGGGGCTTTTATTTCTTCAATATTCCTTTGAAGGTGCCTCATCTGTGAATTTCA
GTTACAATTTATTTATTTTAAATTTCAATTTTCGATCTGAGTAGCTTGGGGTTTTTCCCTTGATTGTGTT
CACATTTCAATTCGTTTGTAGATAGCTTGTTTTTATGATTTTAAATTCATTGACATGATTAATGTGAATG
TTTTGTGATTTGATAGCTTTATATCTAAAAAGTGTATGCTCAATCCAGGCTACTGTGTCATGTGAAGTGT
ATGTCAATAAACCAGCAGACAATTTGTCAGTCAAACCTGCTACCCCTGAGTGCCTCATCTGTGCTCTTC
CATCATACCATAGTTTGGCTATTCATTAACCATGCTCATGGACTCATCTTTTCAATTTATGTATAGAAAT
AATCCTTTTGTGCTTCCATTTATTTGCTGAATGGCTACTTGTTTTTATGTGCAAAATGCAATGTACCCAT
GCTTTTGTATCTTCCGTGTGAACATTTTCAATCTGTATTCAGTTTTTATTTCCCTTACCATAACAACA
TTACATCATTTGGTTCAGTCTGAACATAAAAAACAATTTGTGATCTTTTAGAAGTTTGAAGGACACT
AAAAGAATAAGTTATTTTCTTCAAATAAGCTAAGCCAAACATGCACTTGCCTTTGATAACCTTAGATG
GTTACATTAGCCACCCTAATTTGTAAGAGAGTTAAACCTCAGGGCGAAGCCAATATGAAAAAAGATGGC
CAATATTGAGCAGTCTTTTCTTTGTTAGGCTAGAAAACCTGCATTTTCCGGCATTATGCTATTTGCTGT
TAGCTGGAACATAACAAGAATTTGAAGCTTTAGTTTTACTTTTAAATCATGCTTGCCTTCTTCCGTC
ATGTTTTGAAGATACAACAAGCAAAGGTATAAAATGTTGCCATACTATATGTAGCAACTATGTATATTA
ACACGAGCACTTATCTTACTTTCTTACCATAGAAATCTTGTTTGTCTTAGCTATAATGCATAACTTATGTT
CTAATACCAAAATAAGAAAACAGAAATGTTGAGAACTGCTTAAATTAACCTAAATTAATGCTTAA
GATTCCTTATATGCAAACTGTGATCATTGAGCGCATCATTTTCAATATATATAGATTGAACACATTTGA
TTCACACTTTGGTTGTAATTTGTAATTTGAAAGTAGTATAGAATCCTTTTCTTTCCCTTCTTATATGC
TATGATATTTGCTGGCCATGTTTGTACTCTTTATTTCACTGGCTAATCTATTGTTTTCTAGCTGCAT
GCTTGAAGTAGAGATACATTTCTATAAACTGTTTTTCCATGGCTTAAGAAATCCCGCATAACAGACT
TAAAACCTTAAATGAATATCGTCCCTTATTAGGTAGGAGCTTATTGGCTTAAATAGGCTTCTTTCTT
GAAATTAATCCTGGAATACTGTGTCGAGGGTTTGTGTTTTCATAGACCTCGGCACCATTCACTTTCAT
CTACAGTTGCTTTTATGAGGTGAGTTAAATATGCTATTAGCAGTTCGTTTCCCTACTTTCAAGTTTTG
GAAATGCAGATCATCTGGCTATTAGGTTTTGTTTTATAATTTAACTATTTTATAATGCATGTTTTTCA
TAATATATAAGAATTTGCTAATCATTATTCATCTGCTTCACTGCTTCACTGGGTGATCCGCTGGATCAGACA
CATATATTGGAGTTGCAGATACATGA
ATGCACGCCAAGACCGATTCTGATGTCACGAGTTGTGATCCATCATCGCCAAGATCTCCAAAACGCGCCCT
TTACTATGTGCAGAGTCCCTCGAGAGAGTCTCATGATGGTGATAAATCTTCCCTATGCATGCCACTCCAG
CATGTAATAGCCCAATGGAGTCCCTTCAACCACTCGATGGTCAACCTTCCGTCACCAATCTTCCAGC
AGGGTCTCCGGTTCTACAACCTCTTCTTGGGGAAGGAAAGGGGACCGTAAACGCAATGATAAAGAGTGGCC
TGAAATGCAAGGTGATAGAGGAAGAGGGTGTAAATGGTGATTTTACCCTGATAATAAAGGCTTCTCAAGGA
GGACTCAGATCTTCAATGCTATGATTTGTTTTGTCTTGTATTTCCGGTGTGTTCTGTTTGTATCTTTGGGT
GCTAGCAGGCTTACAACCTCAACTCAGTGTCAAGGTATAGTTAGATTTTCTTGTCTTTTATACTAGG
AATTTCCACTTGCTTTACATTTATTTATTTTATTTAATAAACAATGGTTGACTTAGAAAGGTGTAGAA
TAATATCTTGTCTTGTGATTTGTAATCGGAGAACAAGCCTTTTATTTTAAATATAGTTAAAGAAA
AAGATAGGGATTTGAGATGGGAAGACTATGAATCAGAACCTAATATGGTGTAATTTATAAACAAGGACTTG
ATAGTTGAAGTCACTCGGTCGACAGAATTTTGTAGTGAAGACTGAAGAGTCAAGGCTTCAATTTGCTTTT
GGAATTTGAGTATTTGAAAGAAATGTTGCCATATAGATTTTCTGTTGTCACTTCAATGGTGTACAC
AACATGCAACTTGTGACTCCTTATGATTCTTCCATTTTATTTTAAAAAATTTCCCATTTTCT
ACCTGACAATTTAGAATTTGCTTGTCTTCCCATCTATCTTCTATTGGCTATATGTTATCGATGCAAGGAGA
AACAAAGTTCTTTTCTTGGAACTCAAACATATCATGCTTTTATTTATTTCAATTTCTTTTACAT
TATTAATGAACCTTTCCAGTGGCTGATGATTCATTTTCCAGAGTTTGCAGTACACAACCTTCTACTTTG
GAGAAGGGACAGACATGACAGGAGTTCCAACCTAAGATGCTGACAGTGAATTTGCTCAATGAGAATGATGGTG
CATAACCTGCAACCTTTTTTGGCATTCATGTCAACTCCAAGGCAGTGGCTTATGATTTCTGAGATCAC
AGTTGCAACTGGTGAGGTAAGAATTAATCCCAATTTCTAACAACCTGACCCCTACTTCAATTTAGGCTTTGTT
TTTTTTTTATAGTTGGAGAATCAATTTCTATCACTTTTCAATAAAAAACACACATACAATGAAAAATATTT
GTTAAGATTAATTTATGCAAGCATTTCATCATATTTCAATGGTTCAAAATCAATTTCTACTCAACTTTAAA
CCAACAGGTAATTTATGTCCTCTAATGTTGACAATGATCGTCACTCCTACTGTTAAATCCATGTGCAG
CTGAAGAATCATTATCAGCAGAGAAAGAGTGCAGGACAGTGTGTTGTGAACCTGCAAGGAAGCAAGGTTCC
ATTATATGGTGTGGTGCAAGCTTAGCTGGTTGGTGGACAAAGGAAAAATACCAATGACGCTTGTCTTTG
AAGTAAAGTCAAGGGAAATGTTGTTGGGAAGTGGTGAGGTCCAAACATAGACAGCATGTTTCTTGTCTCA
GTGGCTATTGATTTCCACAACAACAACCCATCAAACCTCAAAAACAATGCATGTACATACGATTTGA
ATGAACAGATAACAATAGGATCCAAAATTTCTTGTGTGACACCACTGCATTTTCCCAAAAAACAAGA
TTTTCAAAGGTAATCCCAATTTGTTCTTATTACCCGGAACCAACTATGGCTAAAAAGAACTCAAATCT
GCATTTCTGTGCTGAGTTTCTTTATAATTTGTCATCACTGTGTTTCTGACCTTAAATTTGACCATATTT
AAACCAAAAAACCCAGATATTTTCTCACCCCTGTTGACCTCAAAAACCTTTCAGTTATTTGTCATCCAAAT
AACTAATGCACCACCTGGCATGGTGGTCAACAATAGTGAATCCAAACTATGGAAGCTTCAGGTACATAAAT
CCACTGGTTATCTTGAATATCGTAATACTACAGTAGCCAAAGTTCCTTGGAGACAAAATCTGTTCTCGC
CGTACCAGGACCAATGTGAGCACTTCTGCAGGATTTATGACAGAAAAATGATTGATGATCCAAAATTTG
GTCAGAAATGAAGTGGGACCTTCAATTTGACAGCAAAGGCCACATTTGCTGGGAAAGTGAATGTTTCA
ATATTTTCAAGCTTAAAGCCACGGTTCATATTTCAATGTGATATCTTATTAACATAATGCTATTGATTCT

CrLEA2-36

CrLEA2-37

CrLEA2-38

	GGTTCACCTGCGTGCCAACTCAAGTTATGA
CrLEA2-39	<p>ATGCTAGCAAGGACTGCGGCCACCACGAAGAGGAGCGCCGGCAGCTTCTCCGCCGATAGTTGGTGCCAT CGTAGCCTTCATAGTCTTAATCCTCCTCATAATCTTCTTAATCTGGATCATCCTCCGACCCACAAAACCCC GATTCATTATCCAAGACGCCACCCTCTACACCTTCAACTTCTCATCCACCTCACCCCTGTGAATCTCCCC ACACCAACATCCTCACCCACCAATGCAAGTACGCTTGCAGCACACAACCCCAACCCGAGCAT TTACTACCACAATCTCTATGCCTATGCCTCTTATCGTAACCAACAGATCTCCCTCGCCACTTCCATTCCCA ACACCTATCAAGGCCACAAGGACTTCATCATTTGGTCTCCGTTTACCTACGGTAACGCCCTTCCGGTTTCG CCGTTTCTGTTGAGTGTCTGCAGCTCGACCAGAGTACCGGTACCCTTTTGGTCAACGTCAAGGTCAATGG AAGAGTCAAGTGGAAAGTTGGGACTTGGATCTCCGGGAGGTACCATATTTATGTCAACTGCTCCGCGTATA TTAGGTTCCGCGGAGATCGGAGTAATGCCATCGCGGGGTGACTCCGGCGGTGAAGTTTACGCTTTTGCAG AGTTGTAGTGTGATGTTTAG</p> <p>ATGTTGAGCAACATACTTACCTGGACGGGGCCAAATGGGTGATCCAGAAGGCCATGGCCTAGGGAAGTAAC CTCCATTGCCTTTGGAGGGTGTCTTCTAAGGTCTGCTCAAGTAGCAGAGCCTACGTCATAATTTGTGG CAGTGGGGGCTGCGTTTCGCGGGCCCTACCTTGAAAGTTAAAAATTTGTGTAATTTATAGATGTGTT ATTAAGATATTTATATGTTTAAATTAATGATTTATATGATTTTCAACTTATTTTGTTCGAAAGTACAAT AAGCAGCCTATTAACACTACTTCAACGTTTCTTTTCTAAAACCTACTATAATTAACAAAAATTTAAT ATAATTTGATGTGGCAAAATTTAAAAATTTGAAACTGAAATTTAAATTTAAATTTACTTTT AATTTTGTGTTGTTTAAATTTTTTTTCTTCTAATAAATAAATAAGAAATAAATCATTATCTGTATTTTT TTACACCCTTGGAAAGAAGACAACAGTTTGGGATGAGTTGCTTCTTCACTTGAATGAACGTTGAAATTTG ACTCAGGAGCACGTGGTGTGATAAAAGTGGGGCGTTATCGTAAATGATAGATCTCCGTGTGATCTTT GGTCTCAATGTCTCTTCTGATTTCTGAAATCCCCCAACCTCATTACAGTCTTCTGTTTCCAAGTGGC GATGGGCAAAAAGTAAATGGAGTTGGAGCTCGGCGTTTGTGGGAGCAGCTCAGCGGTAGCAGCAACAG CGATACTATCAGCGAAACCAAGGACCAACTTTTCACTCATATCAATCAATTTCACTTCCCTCAAGCTC AACCTCCCCCTCCTCGACGAGAGCTCCTCCTCACCGTCCACGTACCAATCCCAACATCGCTCCGATTC CTACTCCTCCACCACCATGTCTATTTTACGAGGGTTCCTTCTCCGCTCAGGTTCAAGCGCGCT CACAGCCTCCGCGTTCTTGGCAGCTCCTCCGCTCCCGCTCGCTCCATGCGCTGCAACTCGCTCACCAC GCCACTCGCTTTGTTACAGCAGTTGCGCGCCGCGAGATGGTCTTACGCGCGCTGTTGATATGCGGGCAC CGCCAAGGTTCTTTGGTGGGACCACAACCTCAAGGTCCACGTGGATAGCCGCGTCAACGTCGATCCCGTCT TTCTTGACGTCATTGATCAGGAAAGTACCTCGGAACTTGAAGTCTTACCGCAGCGTAA</p>
CrLEA2-40	<p>ATGGGAGGAAGAATGCACACTAAGTCCGACTCAGAGGTCACCAGCAACAGCATCGACCCTCATCTCGTC GCCGCGCGTTCCCTCCCGCGCGCCACTCTATTAGCTCAAAGCCCTCAAATCATGAGGTTGAGAAGA TGTCTTACGGTTCAAGCCCCCTCGGTTCCCTCACCACCATATCCATTACTACCTCTTCCCCCATTCAC CATTCCCGCAATCTCCACCTCTCGTTTCTGCTTCTCTCAAAAACCTCGCCCTTCTCCTCCCTCG GAAGAACTCCACCTCACCTCACACGGCGTGCAGCAGCAGCAAGACGACGACGACGACGACGACCTTCAG ATTCTCCCGCAACCTGCGCTTGTACCTCTGCTTCTTCTGCTTTTCTGCTTCTGCTTTTACCTATTTCTCT CTCATCTCTGGGCTACCAGCAAGACCTACAAGCCTCAACTCGCTATCAAGGTAACAACAACATAACAATC AAATCAATATTTTCTTTCCCTTTGCTTCTTCAATGCTCTTAAATTAATGAATCAATCTGTTGTTGCTCCG ATAATACGATCATGATTAATTTCTAAGAATGAATTAATATTTGTGGGCTCCTTTGGAACAATAAATTT TTTTTGTACGGGAGAACAGAGCATAGTGTTCGAGAAGTGAACGTACAATCGGGAACGATGGAACGTTGG GTGCCAACAGATATGTTATCGTTGAACCTAACGGTCAGAATTTGTACAGAAATCCTGGCACTTTCTTCGG TGTTCAGTCACTTCCACACCTCTCAGCTTACCTATTACCAGCTTGCATAGCTCCGGTCCAGGTATATA TTTTTCAATTAATTTCTTATTTCTATAAAAAATACATTCATTGCTTGTAGTGGGTTTCCGTTTATGTA GAAAAAGTTATATAGTTAAGTGTGCTTGTTTAAGAAAAATGAAAGCAAAGAAATGAAGTGAAGATT GAAGGTTACTTATTGATGGTTTCGCAAGGCCAAAGGTGGGGACAATAGGTGGGACAAATTTATGCATC GATAACTAGTCTGTGGGACATCCACAGGCTTACTGAACAACCTCAATTTTATGGTCCCTCTTTATTGGAC TCTGTCTAAAAGCTGCCACCTGCTTCTCTTCTACATCTTCTTACGTTGTTGGGACCCCACTAACACG CTTACACTTACACCAATTTTTTAAATACAAATCTTTATGATCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTCAAT TGCCATTTCCACACACACTTATTGCATAGACATATACAGCAGCTCGTGGTAACTGGTAACTGGTAACT GGCACCCTCAGTACTGACTTTCACATTAATTTATGCTTACATTACCATTACCATTACCATTACCGGAAT TTCTAGGTTTATTGCCAATAAACACTGTTTAAATTTTTCAGTACTTTTTTCAATTTAAACATCTATAAC CAATGTGGATAATCCCGTTACCCACCACACTCCACAGACATCCAAAGTCTCCGCTGCACCAACACGCTTC AACCGGCTCCTCTACCTACTGCCTTGTTTAACTGCTCGCTGTATCACACCTTATTGTTCTTCGAATAT TTTTAAAAAACTATATTTTTTAAATTTTTTCTCCATACATATCTAAAACCGTACATTTCAAATGAAGA CATACAGCTGTTATTTAATGATTTTCAAAAACATGTTTCAATATACAAACTCAATAACAATCATGCTCA TTCATAGCGTAAGTGTATAATAATCTTTGAGCTTTCTAGATACGGCATAGGGGCTTCTTTTTCACAC TATTATATAGTCTTGGAAATTAACAACCTTTTACGATTTTATTTACAGAAAAATATGATAATTTTTTT TTTTTGAATAATTTGCTTAGAAATATATGATTAATAATTTCTTTTATAATTTCTATTTTATATGAAC TTATGTTAAAGAAATATTTATCAACTATGATATTAATCAATTTAAATATTTATATGGAATAATTTAG AATAAAATTTGAATGTACAACATATTAATATTTTACTACTTTTCTCATACGCTTGATAAATAATTAGAG AGAACACAGAAGTAAGAGGATAGGTGGAGAATATAGCATGTTTTGTTGGATATTTGGGATGAAGATCAT ATGCGTATGCATTTGACACAGTAGAAGGGGTGTTAGTGTATCTTGCACACAGTTGAAACGGTTGTGC TGTTGAGGACAGTTTATCTGTTATATAATAGTTTTTCTTATTTCTGGTAAGTTCCCTTTTGTCTCCT TGCGTGTGCTCTCTCTTCTTCTGCTGTACATAAATACCTTCTGTATCTCACAATAACATGAATGAAAGTCA TTCTTCTTCTCAGCTATGATATTTATGCTAACAGGGGACACTCTGCATTTGCAACATGAACCTGTTGATG GTACTAATTTGACAAGATTTTATTTTCTACTGGCTAATAGATGCAGAAGTTCTATCAGTCAAGGAAGAT CAGCGAAGTGTAGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG AAATATAAAGAGCATATCGACAGTGTGCTTGCATTTGCACTGAACTGACATTTGCAGTGAAGTCAAGGCTT TCATCTTGGGAAGATGGTTAAGTCTAAATTTCTATCGAAGAAATCAGATGTTCTGTCACTTTGCTATGGCAAC AACTTGGAAACCTCTTAAATTTGAAGGATTCGTGTGCTACAAGTGA</p>
CrLEA2-41	<p>ATGTCATCTGATCCTTATGCCCATCAAAGATATGCTCCTCCGCAACCAAGGCTATGATCAGGGCCTCC TCCTTATGGGTATGGCCGTAAGCCTCCACGTTACCATCACCACAGTGGTTCTGGTTGTTTATGTTGATGCC TAAAGTTCTTCTGTTGCTGCTTCTATAGTTGCTGCGGTTGCTGTATTTGCGCCTTCTTATCTTCAATCTC ATTTTGGTGATCATTATATGGTTTTATATATCTTCTTAAAGCCTGACATACCTTCTCAATATTTCAAGG AATTGATATCAACACTTTTGAATTTAAAAATTTGATAAATAAGCTCTTTTCTAAATTTCCATTTGTGGAAG CGGATAATCAAATGAAGGATTTGGTTGAATTTTATAGATAATGAAGTTAGGTTATGATTTAGGGTCC CAACTTTGCTTGGGGCTTCCCTCCTTTCTTGAACAGAGAGGAACGTAACACGTTCAATGTAACATT</p>
CrLEA2-42	CAACTTTGCTTGGGGCTTCCCTCCTTTCTTGAACAGAGAGGAACGTAACACGTTCAATGTAACATT

GAAGGGGAGAGTGAGTTTGGCCCTGAAATGCAACAGCACCTTAATGCAAGAACAGGATAAAGGGACAATTC
ATTTGTTAATAGCAGTGAGGCTTCCCATAGGCTTGTGGTTGATGACCTTATTCATCTGAGGAAGTTCGTG
GTTAATATAAATTTGTCATGATTATGATCACTTGGAAACAAAACAAAAGCCTAATATTTTGAGGAAAGA
CTTCATCTACGGAATCGAGTTTGA
ATGGTTTCTAGAGGGGGCAAATTTGCATCGGCGTGTCTTAATATTTGGTTATCGCTATTGGCAGTGTGAT
TGCGACATTTGTCAGTCAATCTTTAAGATCAGAGATCCTGTGATCAGTATCCACCAGTTGGTCTCGAAA
ACTTAAAGTTTCTCTTAATTTTTCGTCGAATGTGAGTCTAGGCATGATTTCCATATGGGGAATCCAAAC
TATGCAAGCTTCGAATTCAAAATTCGATCAGTCATGTCAATTTTCATAAGAACGTTGAGCTGATTTCC
AATTCAGGGAGAGGTAGTCCAGCGCGTGTACCATTAATGTGACCCTTCCGCGGTTTGTATGGTAGAAA
AGTTGATACTTGATCCCGATTTTTTCCAGATATTTCAACTGGGTATTTGAATTTGACATCAACCTCCGTA
CTTCCCTGGAATAGCGCGTGTGCTTAAGATTATCAAAATGAAGGCCACCATTATAGTTTCAATGTAACATCTC
TATGGAAATACATACTAAGGCTGTTTCTTCTAATTCATAGCCAACTCAAGCTTTAAACAAGCAGGAAATTT
CGATTGAAGTCAGAGATCAATGTTTGAATTTTTATGGAGTCAATCATTGGTATTTGGTAGATGTGATAAA
AATTTATTTATTTGTTTTAGTTTATCTTTATTTCTTTATGTAAGCTTTGATTTCTCCAAATGGGAAGC
TTCTGCATTTGTCTTCATACAAATATCCTTTTCTAGACATAAATTAATACTTTTATATATCAATGTA
TAAATATTTGATATCAAAAGGAAAAATTTATCTTTCATACAAATATCTTTTCTAAAGAAATATAAATTTT
TTTTATATCAATATATAAATATATATATAAAAAAGAAATGAACATTTTACATATATCTACTTTAAAAG
AGAAAGAAAGAGAAAACAAATAATGGATAGATAAAATGAATAATATAATGAGAAATAAAATGTTAAATA
AGTGTTCATTTATTTTTTATTAATAATTTACTTTTTACAAAAATTTATCCATGTATAATAATAAATCTTT
CATATAAATCCTATTTACTATAGATAAATAAATAAATAATTTATTTTTTATTTTCAATCCATATAATTTGC
TTTTTTTTATGCCTTTTTATAGAATATTAAGAAAATGTGTAAAAAACATTAATGAGAATATATGTAACA
TGCTATTTTCAATTGACGCGTATATGCTGTTGTTTAGTTTATATGTTGTTGTCATTTCTTAATTTTAT
TGGCATTAAAGCTATCAAGGAATAGTAAATAAAATAATGAAAACATATTTCTAATTTTTAAAAATATAGTAA
ATAGATCAGTTTAAAGTTTACTAATATATAGTTGACTCTTTTATTTATTTAAAAATTTTCTATTTCTT
GGTTTACGCATAATTTAAT
AATCAAAAAAACAAGGAGTGCCAAAGATCGTCTATATATATATATTTGTTGGCGAAATATACAAATA
ACAAAGGAGTGCCAAAGATCGTCAAAATGTATCCCACGAGAAATTTCAAAAGTATAAATCTAATCAATTA
TGACCATTTAAACAACAAATAGAAAACATCAATGAATATATAAGATCAATGGGTTAAGGAAATAAATGAAG
AAGAGAAAAACAACATAAGCAACAATGAATATGAAGCATATGACATCTGTTAAACTTATGTAATCTC
TAACATATTAATTTATTTATAACTTACAGTTGTTCAATTAACATTAATACTCAACAGTTATATAATG
TTAATATTTTTTATTAATCTATTAATCCAGAATAATGAGGCAAAATAACATTAATACTAATAAAGAAATCA
CATAAATGTTAATTTAATAATTAATAAATTAATAAATTAAGTGAACATTAATAAATTTTAAAAAATTT
GAATTTATTTTTTAAATTAGTTTTAATCAATTAAGATAATATCAAAATGATAAAAAAATTTAATAAATA
AAAAAATAAAAAAATAATCAATAGAAACCAATAAATTTACATGAAATCAGGAAATATAAAGGTTGAAGTT
AGAATATCCGCCATAATAGGATTTGTTATTAATAAATAAAAAAATCAGTAACCACTGATCAAAAGCTTTA
TAAGAATTCATATATATAAATAAAGGCAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAAAAGTACGAAAATAAATAAATTTTTAAAAACAAGATTCATCATAATCTAATTTATAGATAATTAGT
GTCACAAATTTATTTAAAAAACTTAAAAATAAATTTATTTTTAAAAAATTAATAAATTTTAAAA
TGAAGTTGACGAATCGTTTATATGTTTGTAAAAAATATATCTTTAATTAATTAATAAAAAATATAAATTA
AATTTCAAAAAAATTTTTGATTTTTTATTTTTCTTTAGATTACTGAAACAAATTTTAAAAAATAAAT
TAATTTTTGTAATTTTTAAAAATAAATAAAGAAATAAATAAATTTATTTAATTTGATGAATTTCTTA
CGCATCCTCAATAAATAAGGAAATCAAAATTAACATAATTTTTTTGAAAACTTTGATAAATTTTAGTT
TTTTGAAAAATTTTTAAAGTTTTAAAACTTTAGAAAAAATAAAGGTTAAAAAATAAATAAATAAAT
TTTTGTGCTTCTTGAAGAGGTAGTTTTTCTTAAAAATAAAGTATTCATTTTAAAAAATAAATAAAT
CAAAATTTAATGATAAATAATTTTTATTTGTAATAAATAAAGAAATTTTTTATATTTTTTAAAAAGAA
CTAATTTTTAAAAATATATTTACTTTTACACAAGGTTCAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AAGTTAAAAATAAATTTATTTAGTTGACTTGACCAATCTATAAATTAATTTAAAAAATAAATAAAT
ATTAATAAAAAATAAAGATAAATTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
AAATTTTTATAAATGAATTAATTAATGATGAATCAATTTATTTATTTATTTTATAAATAAATAAATA
TTTTAAAAATTTCAAGAAATATATGTTTGAATTTGAAAAGATGGATTTAATTTTTATATGAGATA
AAATTTTTAATTTTTAATTTTTAAAAATTTATCTATTTAAAAATTTGATATAAATTTTTTTGAAATTT
TTTTTAAAAATTTTGAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
TTTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AAGATACCATCACCTAATTTATTTTTTATATAATTTAATAACGTTAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TATTTTAACTCCTCTAATCAATTAATCAATCTGAATAATATATCATTTAATTTAATTTAAAGTTCTA
ATTTTATTTATTTTTCTCAGTTAATTTTTGTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTTTATTTTTAATTTATTTTTATTTTTATTTTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT
CGCATTTTCATGAATACACCATTGATATCTTTTTCCATAGTTAAGTATCAATTCATGCAAAAGGA
TACAACAACAATAATTTGATTTGTTTATTTATTTTTATCTTGCTAATTTTTATTTTTTTTTAATTA
TATGGATATTTTATATATTTTTTATTATACGATGAAAAATTTACGTAGATATATATTTTTTTAATTA
TAAATAACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTTTCTAATTTCAAAAAATATTTAAAAATTTAATATCATTTTTTATATAAATAAATAAATAAATAAATA
AATTCATTTTAACTTTAAGCTTAAAAAATTTGTTAATTTTTTAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATATTTAAAGACAAAATAATATATACGAATTTAAAGACAAAATTTAGATACCAAAAACATTTAGTTTTT
TTATAATTTTTATTCATTTCACTTCTCCCTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATCGAATTTGTTAATTAATAATCGGTTAAAAATTTAGTAATTTGATTTGATCTTTCAAAATCCTTATTT
GGATTACCTTATAATTTTGTAAAGTAGGCAACTACCTTGTAGCTATGTTAGTTAGATAAATGGTATATTT
TTATCCCACTTAATTTATAAATTAACAAAATCGTTAATTTCTCATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATATAATTTAAATAGAAACACAGAATCGTTATAAAGAAGGAAATGGAGTTCAATTTGATATATTTGTAAGTT
TAGTGATGATTTGAGGATAGTTACATGTAGAGATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
ATTACAATTTCTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
AAGAATTTAATAAAGAAATTTGCGCTCCAAATCATATAAGGCATATCAAAACAAGATAAATAAATAA
ATAAAGATAAAGAACGAGTGTGTTATCAAAATAATGATAGATTTGTGACGTGTAACAAGTATTTCTT
TTGTAATGTAATTAGAGTTTTCTCTCATTGACCAACTGAAATTTAGATAAATAAATAAATAAATAAATA
AATTTATCATTTCTTATTTGATATGTAATTTACTATTTCTACATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAAATAATCATAAATTTATGTTATCATTTAACTAATTTTTTCAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATA

TTATGCAACAATCTGTGTGTACCATTCTTTATCATCACAATTTTTTGAAATTATAAAATTTTATAATACA
ATTATCACTTATTTATATCTATCCAAAATAAAATTTAAATATTTATATAAAAAATTAAGATTTTAAAAAT
AAATTAATAATATTAATATAGATATAAAAAATTTAAATTTATATATAACACTTACCCTCCAATATTT
TTAATATTAATAATTTTATGTTAATCCTATGTCATCTTAAACTCATATACACATAAAGAATTAATAATA
TAATAATAATATTTTATTAATTTATTAATTTATACCTTTATGAAATTTGTTTTCATCGAAAATTA
ACCTTCCAAAATTTTTAAATCTTTTTTTTTAAATTTCTTTTCAAGTAAAATAGTCAAAACTATTTTT
TTCAAAATTTAATTTAATTTTTTAAAAAAATTTCTTCAAATTTTAAATTTATTTTCTAAAAACAAA
TTATATTTCTAAAATTTAATTTTAAACAAAATTTTTTCTAGGTTTTTCAAATAATTTCTAAAACAAAATCA
AATTAATAGAACTATGTTGAATCTTAAATTTCTATCAAATCAGAAAATATGTAAGAATGAAATAAAAATA
AAAACAAAATTTTCAGCACTATTTATATATATATATATATATAAATAAATATATATTATAAATATTTA
AGCGTTATATAAATAATTAATAATTTTTTAAACTACTCATTTAACATTAGATACCCTTCTTCTAAGA
TGATGCATCTATTCTTCTTAAACAAAATTTCAAATGATTTAAGTTGCAATAAAGAAAATACCTTTTTGT
TTTTTAAATAATTTTAAAGAAGATCAGCATACACTTTTGCACAAAATTTCAATAAATCTTTATATTTT
AAAAAATATAAATAAATGTAACATTTAATTAATTTTACTTGTATCATGCAAACTTAAAAATATATTT
TTTTAATTTTTTAAAAAAGAATATTTTAAATTTTTTAAATGAAAGTTAAAAAATAAATAAATGTAAC
TAATAATATAAATGGAATAATTTATAAATAAATAAATAAATAAATTAACAAAATAATCTATCTCTTT
AAAAGGTTTAAATCGAACTTAAAAATAACTTAGGAGCATCCTTAAAGATAAATATATGTTTTTTTA
TATTTGTTTTTATGCTATCTTAAATTTAATGAAATGATATATATAAAGGGATGAGAGGTTTATTCTAATGA
AATTTATAAATAAATTTAAATTTTAACTTTTTTATATGAGACTTCTTATTACTTTTGTGTACATGTT
TTCATTTTTTATTTTAAACAAATAGATAAATAAATAATGACTGTTGATTTGATTTAATCTTTTAAAT
TAAAAAATTAATAATTTTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTCAAAATTTAACTTAATACCTACCGAGTAGTGTGAACCTTAAATGAGTAAAGTTGTAATTTTTTTTT
CAAAAAATTAATTTAATATATTTTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAATAGGAGTAACATAATTTTTTTTCTAAAAAAGATGCTCATTTTTATTTATTTTAAATCTTTTAAAT
ATTACTTATGTTTGTTCACGGGTTAATAATTTGTTCCATAGCCATGCGCTCTTAGATCTGTTTTTTT
TTTTTTTTTTTCATTTTTACTTGATAACTAAAGTTTACAATATTTAGTATTTTTAGAATAAAAAGGGAG
GAGATTCGAATTTAAATCTTATGTAACCTGATTAATCTTTAATTTTTATATAGAACAATTTTATTAAT
CTTACGAATTAAGTTTAAATATTAACAATAAACAAGCAAGAAATCAACATTTGCTTTTAAACATTAATCT
GAATAAATAAATAAATATGTAATAATTTAGTATCTCATTTCAATAGACGAAAAGAAAAGTAAAAATTTA
CTAAGAGTTACCACACTTTCATCTATGGGTGCAATTTATTTTACAAGTGACAGTTTATAAATTTCTAAG
CTTTCCAAAATTTGAAAAAGAAAAGAAAATCAACATCGTGGTGTTCATCATCTGTGAGACTGAGGAT
GTTTGGATGTAATGTCACATGAAATTAATAAACAATGATACAAGTCCCTTAAACATTAATCTTTAAAA
ACATGGATAGGATGAAAATGAATGCACCCGAATCCAAGTACACCATAAATAAACAACCGCAGTGGAAATTT
CTTAATGATTTTTTTTTATTTGTTTAGTTTGTCTTTTGTGATGCTAACCTTGCAGAGAACAAACCTAGAA
GTGTCAAAAATGATTTAATTTATAAATAGGTTTGGTGTATTTCTATAAATCTTTTGTGTCTTACAA
AGTATGATTAATTAATAAATAATGATTTTATTATTTTAAAAAATAGAAAAAATAATTAATCTCTCTA
TTTTAATAAATAAATAATGATTTTCAAACCTAAGAAGAAGATTTTACAATAAGAAGAACATTTCCACATA
TTTTTAAATATATTTTAACTTTTTTCATAATGATGATTTAGTTTTGTTTAAAAAGTTAAAAAATAATTTTA
AAAGTTAATTAACATAAATAAATTTAATTTTATCAAATTTATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AATAAAGAATAAGTATGTTAATAAATTTTTTATATATGCGAATTTCAAACCTTAACTTTTAACTTTGCT
TGCCACTTAACTTTGTTTGAATAAATTTTAAATTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AATTTAAATTTTACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TATGCTATGATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
AAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTTTTAAAGTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATATTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTTGATATTTATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTTTAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
GTTAGAAATTTTAAATTTATTTACCAATGTTAATTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TCAGGATTTACATAACTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTAATTTTATATGGAATTTACACTTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
AAAATTAACAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ACTTTGCTGTAGTTAGGGATTAGAACTTGATGTAAGGTAAGGTAAGGTAAGGTAAGGTAAGGTAAGGTA
GCTGCAAAATGAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
GGTTAACATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTTTAAATTAACATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAATCTAACCGATAAGTTACATTTATCTAGATCTTATATTTTTTACTGTTGCATATATGCAAAATACAATA
AGATAACATATTCCTTTGAACATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATGACTGTTTAGTTTTGTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATCTTGAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTAATTAAACTCAGTTTCACTGCTCAAGCAAGTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTTTTCATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTATGTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
GAATTTTATTAATGATTTTAAATATCTTATCATTTATGTTGATAAGCAGTTTTAATTTTTTTAATATTA
AAATATATTTGATAAAGTTAAAGTTTTTATGAGAAATATGTTAAATATGTTAATTTTTTTATCTTCA

TAATAATATTATATTTTCATCTTTTTTCATAAAAAATATTAGCAAACAATATAGTTAAAAAATTAACAATTTT
 TTTTTTAAAAAATCTGGGAATGTTTTTTTAAACATTTCCAACCAACTATAGAAAAATTAATATTTTAAATTAAG
 ATTGAAGTATAAAAAGAAATCTTCCCTACCAACATCTTCCCTACCAATCATCTTTTCATAAAAAGGGTATATCAT
 ATATTTTTTAAATTTTATCATTAACATAAACTTAGTATATTTATATGCGTTAATTTTCAACACAATATAATA
 TAATTTTTTTACACTATTAACATAAACTAAGATAAGTATGATTTTTTGGAAATAATTTTAAAAAAT
 TATTTTTTAAATAATATTTTTTTTTATGGATGATAATCTAAATTTCTTTTTTACCAATATCATTGGATTA
 CAATTAATTTATTTATTTTTTATTTGGATGATCATCAACTAAGAATTTACTTAAAAAATATTTTCATTTGA
 TAACTTTTTGAAGATATCAATTTTAGTAAATTTAACCGTTAAATAATAAATTTCTATATATAGATTAAGT
 TTACAAATTTTATAAAAATAAAAAATAATTTGATAATCTATTAATAAATTTAATTTAATATATAATAT
 ATTTTAAAAATAAATAAATATCAATCATAAAAATATATATAAATAAATTTAATATGTTTGAATTAACATATTA
 ACACCATATTTTCAATGATGAAACACATTAATTTGAATTTTATAAGAAAAATCCAGTGGATTTTTTTAT
 TTTTCCAAAAATATTCCTAATTTTTATCTCGTCCAAATATATAATAAATTTTATATTTTAAATTAATC
 TATACTATATAGAGCCGTAATTTTCATTATTTTAAACAGATTTTTAAGGTAGGATTTGGTTAAGGGAT
 TTTAATTTTTTAAATAAATTTTTTAAATATATATATATATATAGTGTCAATGTTTAAAAATTAATAAAT
 AATTAATATTTAGCATGTTTGTAAATCAGCTCATTCAAAATCATTTTTTTCATTTATTTTATACATT
 TAAACAATGGAATAAAAAGACCCGACCTTTATAAGAAAAATATTAGTAATAATGAGAGTTGGATAGTGA
 AAAATAGTTTTTTTTAACATAAACTCATTAATGACATTTGGTTCAAAAATTTGTACAAATATTTTAAAT
 TTTGTATAAATAAACCAATCCTATTAATTAACAAATTTTCATTTTATAATTTCTTTTTAAAAATCTTAATATT
 AATTTCTGATCATATTTCCGAACAAATCAACTATCTACTAATGAAAAACAAGAAAAACAACCTAATATTAG
 TGAATCCAAACGTCCGATAACTATTAGTAAATTAATTAATAACCTAATGTAAACGTTTATTTTAAATTAATC
 CCAGTGCAAGTTTGTGAATTTTCTGGTTTTCTGGTGTGTTGCTCCGCTGCCATTTATGGTTATGATAGTA
 TTAATTTGTACATAATTTGTTCTTGTGTTATACATAAATTTGTATGGTCAAAATGCAAGTAACCTAGGGCCA
 GATTAATGTAACCTGATGACTCATAATACGAATTTTCATATAAGATAAATTAGACTAAACAAGAAAAATAA
 TTTTTTCATCCTTTTTTATTTTTTATTAATTTTTTATTTTTTATTTTCATTTTCATTTCAAGCATAACCAATC
 GATTAGATTAGGATATAAATAGTTGTGTCACCTGGCTGGATTTATGTTTCATTTCTTTATTTGGATGATATAAA
 AATAATGAAGAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
 AAAATTTTAAATGAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
 AAAAAATAATTTAATAATTTATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
 TAATAAAGATTTAAAAATATATATGGTCTTGAATAAATTTCTTTCTATTTTCATATAAAAAATAAATAATC
 TAAATAAAAAAATTCATTTCTTTCTTTTCTCCTATTTTCTCCTTCTCATTCTTCCATCCAAACTTACC
 AACCTCTCTATCTCTTTTATATGATAAAAAATAAGTTTTATTTTATTTATATATATATATATATATATAT
 AAAAGGAAAAATAAATTTTGAATATAAATTTCTTATATAAATTTCTTATATAAATTTACTTAATGATAAATAA
 TGTATACATAAAAAATTTTAAACACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
 AAATTTCTCAAAATAGTTGTTTGTGATTTTTTTTTAATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
 TGTAAATATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
 AATAATATAGTATTATAATATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
 AATAAATAAATGGTGTATGCCCTAATTTCTTAAACACTTGACGTGCGCAGTTCTACTTATCTTGTACTCGAA
 GTGCGTCAAACGTATCTATTTATGAACCGAAAAATTTACAGATAACGTGACTATGATATAAATAAATAAATA
 GATGAAAAATAAATTTTGTGATTTATAGTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
 TTTCAAGTTAAAAATGATTTTGTCTTCAATGAAACATTTTTCATACATAATATAAATAAATAAATAAATAAATA
 TCCCAAAATCGCCGTTTCAATTTGTTTTTAAATCTCCTGAATACCCAGAATCAAAACCATGGTTAATAGACG
 CGGCAAAAGTTGCATTTGGCGTGTCTTACTGTTGGTGTGATGGTTATGCGCATCGTGATTTGGCCATGTTTC
 TAACAATATTGAAGCCGAGGGAACCTGTGATCAGTGTCCACCCTGTTGGTCTCGAAGGCTTTAAACTTTCT
 CTTACTTTTTTCCCTCAAAATGTGACCGTACGATGTTGATCACCCTGAGGGAATTCAAACTAATAAATAAATA
 ATACAAAAATTCATCACTTATGTCAGTTTTCTGATACAGTTGTAGCTGATGTTTCAATCCAGGGAGAGT
 TTGTTCCAGCGCGTGGCGCCATTAATGTGACCCTTCCGAGATTGATGTAAGAAAGTTAATACTTTGAT
 CCCAAATTTTGGTCAGATATTTTAGGTGGCCATTTGAATTTGACATCAACAGCTACACTGCCTGGGGTAGC
 GCATGCTTAACTTTATCAAAATTTGAAGCCACGGCTTATAGCTCATGTACCATCTCTTTGAAAAATACGTA
 CTAAGAATATTTCTTCAATTTGCATATCCAAATCAAGCTTTGA
 ATGGCTACTAGAAGCGTCAAAATTTGCTTGTCTGTCTCTACTTTTCTTGTATCATTTGTTACCATTGTGAT
 TGTGACATTTGTTCTGACTCTTTTAAACCAAGGATCTTAACATCACTGTCCACCCTCTTGGCCTTGAAA
 ACCTTCAATTTTCCCTTTTACCCTTGTGACACTAAATGTGCTCTTAGGTATGTTGATCACCATAGGGAAT
 CCTAACTATGGAAGCTTCGAGTACAAAACTCCACTGGTTATATCAAAATTTTCATGACACTGTTGTAGCCCA
 AGTTCCAATGGAGGAGAGTTAGTCCCAGCGCTAGCACCATTAATGTGAACACTACAGCAGATTTTATGG
 TTGGAAGATGATAAATGATCTAATTTTGGACTGATGTTTTAACTGGGACTTTGAATATGACATCAACA
 TCTACACTTCCCTGGGGAAGCGCTATGCTCAAGATTTATCAAAATTCAGGCAACGGCTTATAGCTCATGTGA
 CATCTCTTTTAAATAAACCTCCAAGCATGTTGATACCAAAATGCATATCCAAATTCAGGCTTTGA
 ATGACAAAGGACTGCGGCCACCATGATGAGGAGCGGCAACAACCTCCTCCGCGCATATTCGCGGCCATCCT
 TGGTTTCATTTATCCTCATACCTCGTAATCTTCCCTAATCTGGATCATCTCCGACCCCAAAACCCCGTT
 TCATTTCTTGAAGACGCCACCGTCTACGCCCTCAACCTCTCCTCCACCGGCGCATATCTTACCACCGCC
 CCCACACCCAACTCTCACTCTCAATGCAAGTTACTCTTACCCTCTCAATCCCAATTTCTCGCATCGG
 CATTATTTACCACAACCTCCACGTCTACGCCCTCCTACCAGCGCCAGCAAGTTTCCCTCGCCACCGAGCTGC
 CACCGACCTACCAGGGCCACCGTACACCACCGTGTGGTCCGCGTTTCTGTACGGAAACCGCGTCCGCGTT
 TCCCTCAGTGTGGAGGTGCTGGAGCAGGCAAAACCTCAGGGGAGTGTGGTCAACGTCAAGGTCAA
 CGGTAGAGTAAAAATGGAAGGTGGGGACTTGGGTTTTCTGGAAGGTACCATATCTATGCCAACTGCCCGCGT
 ATATTAGGCTCGCCGGAGATCGGGATACCGGCATCGGAGTTGCGGCGCCGCGGTTAAGTTTCAGCTTTTC
 CAAATTTGCGTTGTTGATGTTTGA
 ATGACTGACAGAGTCTACCCTTCTGCAAGCCCGCCCAACGGAACCGGCGCCGCGCTAATCCATCTTT
 CCGGCGACAAAGGCTCAACTCTATGGCGCCACCCGCCCTACCTACCGTCCCAACCTCACACCGCGCC
 GTAGCCGACGCCGATGCTGCTGCAGTTTCTGCTTCTGGCTCATCTCATCTCTTAACTCTCTCTCTCTCT
 CTCGGCGTCCGCGGACCGTCTTCTACCTCTATACCGCCCCACCGTCTCTCTTACCCTGACCTGCTGCT
 GAAACTGTGCTACCTGAACCTCACACCTCCTCTCTCTCAGTCCAGATTCGACTGACCTCAACGTGAGCG
 CCACCAACCTAACAAAGATCTCTTCCGCTACGACATCACCTCCATCTCCATTTCTGTCCGGCGATGTG
 GACGTCGGCGACGGCACCATTTCCGCGTTCAGCAGCGAAAGAAGACACGACGCTGCTAAAGGCTTCAAT
 CTCAGCAGTGGACAGGCACTGACGAGTACGATGCGTCCGCGTTGAAGGCAACATGAAGAGCAAGAGTGA
 GATTGCCATTGGAAGTGAATTTGGAGACAAAGGTGAAGGCAAGATGGGAACCTGAAGACTCCAAGGTA

CrLEA2-44

CrLEA2-45

CrLEA2-46

CrLEA2-47	<p> GGAATCAGAGTGTGTTTGGCAGCGAATAAGAGTCTCTTCCACCAGGTAAGAAGCCTGCAACAGCGTCCAC CAAAAATGTTAAGTGCACGTCAATGTTTCGATTCAAGATCGGAAGTGGACCGTTTGA ATGCTGTCTGCAAAAATCGAATCAGATATTACTAGCTTAGTCCATCTTCAAGTCCAAAGCG GCCTGTGTACTATGTGCAAGTCCCTCAAGAGATTACATGATGGAGACAAGTCACTTCAATGCAGGCTA CTCCAATATCAAACAGTCCATGGAGTCTCTTCTCACCCCTCTTTTGGGGTCACTCTAGAAACTTCTCT GCTAGCAGGTTTTTCAGGGATTTTCAGGTCTCTTCTGGAAGGAAAGGTAGTAGGAAGAGGAAATGATAAGGG GTGGCCTGAGTGTGATGTGATTCTAGAAGAAGCCTTATCATGAATTTACAGCAAGGCCTTTACTAGGC GCTTCCAAGCCTTGATTGCTGTGTTTACTTTTGTGGTGTCTTCCACCGTGTTTTGCTTGATCATTGGGGT GCTAGCAGGCCTTACAAAAGTGGGTTACTGTTAAGGTAACATAATTTTCTTTTCTCAGTTTTGAAAGGAC TAGTAATTCGTGTTTTATTTTAGACCATTAAATACTTGCTTACTAGTACTCATACATCATGTACATCTG CGGTGGGAGTAAAAATTTTGTACCTTTCTTGGTCAATCACATTTCTCAAAAGTCAATCAAGATGATG AATCATAATCAGAATCTTTTTCATAAATCTTTTATGAATCCATTTTAGATGCTGCAATAGTAACAC GAGGCTCTCCATGTCAGAAATGTATTTTCAACTGAAAGAAGTGTATAGTCTTTATAAATTGACAAAT AAGTTTATCTATTAATGTATTTTATTTATTTTCTGTATCTGTCAATGGGTTTTGTGTATTTCCGGAAATTC AATTTTATTTCAAATAGCACATGGGATATGATTACTGTAATCTTCAACAAACAATATGATTACTATAAG TCCCTAAAAAGCTTGCCTAGCATTATATATATAATAGTGTTTCAAAGGCAATTTACTCAATAATC TTAATTCCTAAATTTGATTGGATACCCCACTTTTAACTGACATTAGTAATAAGCAGTATGCCACCG CTTACGATGTAACAAAGACCCGGAAGCAATGAATTTATGAAAGTATTGCTGCAATTCAGGATCTCA TAAACTAATGCTAGGATCAAAGGAGTCTGTAAAATTTGTGCTTACAACGTCTCAATTACTTGTACT TACAGCTACTACATTCACAAATACATAACTGCTTGGATGATGTTGACATTTGGATTGTTACAGTACA TAATCTCTATGTTGGAGAGGTTTTAGACTTACAGGTGTCCCAACAAAAAGTGTGACAGTGAATGGCACTT TACGCATGAGCATCTACAACCCCTGTACATTTTTTGGCATCCACGTCATTCACACCCCAATCTTATC TTCTCAGACATCACCGTTGCAACTGGCAAGGTAACAATTTCTTCTCATCTGCCCTTCTCTGTCAAAAC AAGCAATTCATCAAGCATGACATGACAAACCAACTTTCACTCTCACTCAACAATGAGCTTCCCTAATC ACCAAGGATGTTACAAACTGTATAAACGTTCAATTAACATTGAAAATATATAAAGTACATCTACATTCAG TCCTGTGTTGGCATGCAATTTGTAAGTGACATGTTGTTCTCTGCTCAATGTAACCTTTGTGACGCTAAAGAAAT ACTATCAACCCAGAAAAAGTCAACCGTATTGATCAGTGAATGTAGAAGGTAACAAGGTTCCCTGTATGGG GCAGGATCCACCATAAACAGTATCAAAACTGGTGTGAAGTCCACTCACATTAACCTTTGAAATCCGTTT CCGTGGAATGTAGTAGGTAAGCTGGTAAGGTCAAAGCATATAAGGAAATCACTTGTCCATTGGTCATCA ACTCTTCTGGATCAAACCTATCAAGTTCAAAGGAATGCATGCACATATGAATGA </p>
CrLEA2-48	<p> ATGATGTGTTGGATATACGTACCATCTTCGACGTTCAAACTGCAATAGCAAAAATACAGAGAGCGTCCA AAGGAAAGCCATGAAAATCTCAAAGCTGCTTACGACCTTCTCCTACGGAACCTCATCAGCATCAAACG ACATCGTTTTATTACGCCGTTGTGTACTGACGCTCACCTGCACGCTGGGTCTGGTCTCTCCTCACCCACC ATCTACGCTTCTTGCCCGTCAAGTCTGATCTGAAGATCGTAGGGTTCAGGCTGAAGCGGGTCAAGCTGCA CCCCTTCCCTCCCGTAACCGTGGACATATCCATGCTCATCAGCTGAGAGTGCACAACACTGATATGACT CCTTGGATTTGGAGCCGTTAACGTGATCGTTGCCACAGGGGGTGGGCTCGGGCAGTGACATCCAGC CATGGGCACGTGAGAGCCAGGGGATCTTCTACGTGGATGCTGACGTGGAATTTTCTGGAATCAGTGTGCT TCCGCGAGATGGTATGGTGTGTTGAGGACGTTGTTAAGGGTATCGTACCCTTTGATACTGTTAGCCAGGTTA GGGGCAATTTGGGGCTTCTCTTCTTCACTTCCCTATGAAGGTAACCTTACTTAAATTAACATAATAC CATTTTATCAATAAATCAAATTTCAATTAATAGGCTAATACTTTGAATTTGCGCAATTTCTCTGTCTGTAA TATGATAACATCCCACAGTCAAGGCTATCGTGTGAGGTTGTGGTGTGATACAAAACCAGACGATTTGTCG CCAACATTTGACCCGCGGGTAAAGCTTACACTGCTATTGAGTTTCCCTAATTTAGGAGTGCATGTGATGATG TGATAACAATTTGTTGATAATTTAACTTGTCAATTTTCAACCAATGTGCATGCTTATGTTAGAATGAATAT GTTTGTATTTCACTTCAGAGATGA </p>
CrLEA2-49	<p> ATGAGGTGTTCCAAAGGTTGAAAATCTGTGCTGTGCTCTGCCATTCTTCTAATTTATATTGGTTGTGGT ACTTGTGATCTTGTCTTCCAGGTTTTCAAGCCCAAGACCCCGATATTATCTACAGTCAAGTAAAGCTTG AAAGGATCGAAATTTGGCTTCCCAAGTCCAGAAAATAAATGTGTCAATAGGCTTAGGCTCAGGTTGAAAC CCCAATCATGGAAGCTTTACTTACCAAAACAGCACTGCTTATCTTAAATATCAGAGGGAATATTGTGGCTGA GGCTCCTATACATGAGGACACAATTCCTGCTCGTGGAGATCATAACATAAGCACATCTTTGGATATTTTTG CAGATATCAGAAAATTTAAGGATTTACCGAGTGATTTTTTAAGGGGCGTTATAAATTTTACTCAACAACC ACCTTACAAGGCAAAGTCAAATAATGACACTCTTCAAGTTCAAAGGCACTAGTTACTCCACCTGTGATCT CTCTTTACTCGTACATGACAAAAGCATCAATTTCTACCTGCAACACAAAAATCAAATTATAA </p>
CrLEA2-50	<p> ATGACCAAGCCACAGAGCCGACCAACCTAGCTTCATGTTTCTGCTGCCACAATCTTTTGTATTTTCTTGT AATCGTCTGCTTCTGCTGTTTACTTTACGGTTTTCAAGCCCAAGATCCCAAAATCTCCGTGAGCGCGGTT AGCTCCCTTCTTTTCCGCTACTAACGGCACCGTCAATTTCACTTTTCCCAATAGGCTTCCGTTAGGAAC CCTAATCGAGGCACCTTCTGCACTATGACAGCTCACTCCAGCTTCTACTATGGCAGACAGGTGCGGGTT CATGTTTATTTCCCGCGGCAAGATGACGCGCGGCAAGTCAAGTACATGGCGGCCAGGTTACCGTTCAAG CATTTCCGTTGGGCTTTGGCCCCACTTTTATTAACGGGCCAATTAATGTGGGGCCACAGTGGAGATCGAG TCGAGAATATCGATGGCGGGACAGTGGAGTGTGACCTTTCAGTCACTCAGTCACTGAGGCAAGGCTCT ATGCAGGGTCCCCATCGCCGTTCCCGATGGAACCGTCTTAGGTTTTCACTGCTAA </p>
CrLEA2-52	<p> ATGTCAGAAACAGTACCGAGTCCCGGTCAAGTCCAGAACGAGGAGTATATATACACACAACATCAGA GAAATTAATCGCCATGTTCCCAATACGCAAGAAGAAGAAAAAGCAGCAAATGTGTGGTGTACCGTTTGG TTACCATTTGCTACCTATTTGGGGGTTGATGTTTCTCATCTATCTTTTGGTGGTGGCAGATCCAAATTT GAATTGATATCAGCTAGGTTGGTGGACAATATTAATCATACCGTTATTTTACGATCATCTCTTTTAAATTT GAGCATGATTTGGCGTGTGAGCCTGTGGAACCCAACTTTGGTCTGCTTCTATTACGACAACACTACAGTGA GTGTGATGATGGGGATTTTAGTATTTGGTCTTCCGAATTTGGGAGGTGCGATTCTGGAGGCTAGAGAAATC AAAGAATTCATTCATCGTAAATATGAGGTTCAAGTGGAGGATTTGGTGAATCTTACCAATGATATCAGTTC </p>

CrLEA2-53	<p>ATGCATGCTCAAACCTCAGAAGCCACTCGGATTTAAGTGGTATAGGGTACGTGCTCAAGTTTATAAAGAAGA GGAAGACCATACAAATGGACTGCACATATGAATCTTGACTTAACTCTTCTCACTTCGCCTACTCCAATGC TAA</p> <p>ATGGAAATGGCGACAAAACATTTCTTCGTCAAGACATCACACAATTCACCAAGAGACAGCCATTTACAAACC CATAACCAAGAACGAAGCAGCAATGGTTTCGTGTCCTTTTTCGCTTTGTGCATCTTATGTGCAGTTT TATTGGTCTTTGCATCCGTGTTGCGCGTGCAGGAGTCCAGAGGTCAAACCTAAGATCAGTACCTTTGAAACAA ATCAATTATAGACTTCGCCAGCACCTTCCCTTCAACGCCACTCTGCATCACCTTTCTCAGAATTAGGAACCC AAATTACGGTGCCTTCAGTTATGAGAATAGCAGGTGACTGTGCTGATGCGGGTGAAAAATTTGGTGATA AGGGAATCGGCAGTGACAGAGTTAGTTACAGAGAAAACCAAAATGAATGTTACCGTGAATGTGAGGTCC TCTAAGCTACCCGTTACTGGGAATCTTTTCGGGTGCCATTAATTCAGGAATGTTGAATCTCACCGGTTATGT CAAAATTTAGTGGCAGGTTTCATCTTCTCAAGATAATCAACAGCAGAAAGACCATACAAATTTGCTTGCACATA TGAATCTCAACTTGACCTCCACGCAATTAAGGGTATCCAATGCTAA</p> <p>ATGCCGTCCCATCATGACCATGGCCATGTGGCTGAGCATCATCATCATCATCGAAGCCCAATACCCAG AAGACTAAATACTCCTCACAAATGATAGCACCATCCCTTAATCTGGCTAGCAGCCATTTCTGCAACATCA TAGCCATAGGTGTTGTAATTCAGGCATAGTAGTTTTCATTGGTTATATGGTGTATCCACCAAGAATCCCC ATCATAAGCATCACCAATGCTCATCTAGACCTTCTCAGAAGCAGACTATGCTGGTCTTCAACAAACCAACT TCGCATCATTTGGTGGCACAGAAATGGAATGCTAAGGCTCATGCAACTTTTCTGACATAAAGTTCAATG TTAGTACCAAGGGCAAGGCATAGCAGTGTAGTTGCTGACCCCTTTTGTATGTTCCAAAGAACAAATTCAAAG ACACTCCCTTATGTGGTTCAATCTGCTCCTATACCCTTAAACCCTGATCAGATGGAGGAAGTGGATGTTTC TTGGAAACGAGATATCATTGGATTTGACATTAAGGGTAGCCAAAGAACACGGTGGAGAGTAGGACCTTTAG GTTCTGTTAGATTCTGGTGCACCTTTGGAGTGTCAACTCAAGTTTACCCTTCCAATGGTAGTTACATTTCC AAACGCTGCACCTCTGAATCAAAATGA</p>
CrLEA2-54	<p>ATGTCAACATCTGATAAACCAGAAGTAGTGAAAGGGAAAGTAAAGATGGAAAACAAAAGGAAGATAATGA TGAGAAGGGTGGATTTCTTGATTCAGTGAAGGGTTTCATTCAAGACATTTGGTGGAGAGATTGAGGAAACTA TAGGATTTGGGAAGCCAACATGCAGATGTTACAGGAATACACATTCATCAATCAATCTTGAGAAGGTAGAA CTTGTGTTGATGTTCTCATAAAGAACCAGAACTCTGTGCCGATTCCCCTAATGACATAAACTACTTGGT TGAGAGTGATGGGAGGAACTAGTTTCAGGATGATACCGGATTCAGGTACAATCCATGCACATGGAGAGG AGCAGTGAAAATTCCTCTTACTTTGGTTTATGATGACATAAAGAATACATATAATGATATAAACCCTGGA AGCATAAATTCCTTATAAGGTGAAGGTTGATCTCATTTGTTGATGTTCTGTCTTTGGAGGGCTCACCTACC TTTGGAGAAAACCTGGAGAAATTCCTGTCCATACAGCCTGATGTTGATCTTTGAGAAAATTCAGTTTGAGA GGTTCCTTTTGAAGAGACTGTTGCAATTCCTCATTTGAAGTTGGATAACAAGAATGACTTTGATCTTGGT CTCAACTCGCTCGATTATGAGGTGGCTTGGTGTGATTTAGCATTGGAGGTGCAGAACTTCAACAACTCGC AAAGATTGTGAAAACCTGGGATCACGACATTTGATGTTCCAATACCTTCAGACCTAAGGATTTTGGTTCG CACTTTGGGACATGATTAGAGGAAGGGGTACAGGATACAGTATTAAGGACATATTTGATGTTGACACTCCT TTTGGAGCAATGAATTTGCCATTACCAAGAAGGTGGTACTACCCGCTCAAGAAGAAAAGGAAGATGG TGAAGATGATGAGGAGGTTTGTAACTTCTATTATCTATGTTTCTTATTTTCTTATTTTCTTTTGGATTTG ATACCAGTGATTTATACATTTGATGTTGGAATATTGTCCTTTAATCATAAGGGCATAGTACATTTCTACCCT TTGAAGTTCAACAAACTTCATCTGAAGTTTATTTTATTTTACATTACTCTTACTCCCTTATTTCTTAC AACTTCATAAAAATTTGAGAAAGGTTCTATAATCTAGAAAGATATAAAGGTTATGTTGTTAGATAAAATTA AGCAAGATTTGTGTAGGTTTAAAAAAGCTATCAGATAAAAATTTTATATCTCTTTGAGGATTAATGATAAA TTTGCCTTAAATCATAAATGACAATAGCTAATCTTCTTACTTATGTTTATGCGTATGTTTGGCTTGTGAT ACCGGAAAGTTTCAATTCAAAATAGATTTTAACTGGCCTAGTTTGGACGGCATCAGTATATAAATCTGTCTA GGATGTCATTTGCAACCCTGACAATAAGAATTTGATCAGTCCCTTGACGTTTACTTTTAAATTCACCTACT ATTTCTTGAATTTGTGTCCTGATGAGAACTTTGATACCACCTGCTATCTTCTTAACTTCTTTGAAATTTG ACTAAAACCTGCATTCATTACTGTAGGAGCCTGATTGGAATTCAGTTTATGATTTCTGTTTGGCAGAAATTC AATATCGACATAGTGGAGATGCTCAGAAAACAGTCAAATAATATTTTCTGCTTAGTTGGAATCCGAGAA CCGATTTAATGAATAATTTGTTGACTGAATCTCATAATAAAAAAGAAATCTTAAAATGAAAAGGGAT GCTTCTCAAACCTCCTTACTCAAAGGAGAAAGGAAAGCAGGTTGGAATCATTTGCATCTTATATCCAGTT TGGTGTTTTGCCTGAGGATCTTGGTGTGAATCTTAAAAAGCAGGTGCAAGGTAACAGGTTAACTACAAT GTGAGGGGAACCTTTAAAATGAGAATAACTATGGGCTTCTCCATTTATCTTATTGGCTGCATAGCAGATG CCAGATAGAGATGACTAGTCCACCAACTGGGGTCTTGATAGCTAGGAACTGCATCACAAGAGATGA</p>
CrLEA2-55	<p>ATGCTTGCACTTCCACCACCCACCACCACCACCTACTACCATCACCACCATCCCTAGCCATAAGGCA AACCAAGCAAGTTTCTCCTGGCCAATTTGCAAAATCAAAACAGCCATAAGACAAAATTCCTCAAGAATTAG AAGCACCAGATTATACTACAACAAAGTCAAATTAGGCCACTACCAAGATTAAGGCAACCTCCATTTCAAAGG ACCAACCAATAATATGGTTTGGTGCAGTGTGTGCTCATTTTTCAGCCTTGTGCTCATCTTCTTTGGAGT TGCAACTTTGATCATCTTCCCTGCCATCAAACCAAGAAATCCAACCTTTGACATCCCAATGCAACCTCA ATGGATTGATTTTACTCACCAGAACTTCAATGGTGAATTCCTCCTTGTAAATATACCATCCC AACAGGAAAATGGATGTGAGGTTTGGTCTTTGGATGTTGATCTTTTCTTCTCAGATAGGATCATATCAAC ACAGTCAATTCAGCCCTTTACTCAAAGGAGAAAGGAAAGCAGGTTGGAATCATTTGCATCTTATATCCAGTT TGGTGTTTTGCCTGAGGATCTTGGTGTGAATCTTAAAAAGCAGGTGCAAGGTAACAGGTTAACTACAAT GTGAGGGGAACCTTTAAAATGAGAATAACTATGGGCTTCTCCATTTATCTTATTGGCTGCATAGCAGATG CCAGATAGAGATGACTAGTCCACCAACTGGGGTCTTGATAGCTAGGAACTGCATCACAAGAGATGA</p>
CrLEA2-56	<p>ATGTCAGATCATCAAAGAATTCATCCTGTTTATGATGTGGAGGCACCACACAGACCCCTTGTGCCCAGTAA CATTGGTAAATCAGATAAAGATGTTCAACCTCTTCTCAACGCACCATTCCCTGTGATGCATTCAAAGCCAC CAAAGAAAAGAACTGTTGCTGCAGGGTCTATGTTGGACATTAAGCGTATTTGGTATCTTATAAATGCT CTTGGCCATCACCAATGGGATACTATTCCTTGTGTTTAGGCCAAAGCTTCCCAAAATCAGTGGACCACT GAGAATAAGCCAATTCAAATGTTTCTGCAACAATAAGCCTTTATGCTACCTTCAATGTGCAATCAGTCA GAAATCCAACAAGAAAATTTGGGATATACTATGAGGGTGGAAAGCCACATAAGTGTGTTGATATGGACACA CAACTATGTGAAGGTTCTTGGCAAGTTTACCAAGGTCACAGGAACATCAGTGTCTTAACTGTTTTT GACTGGTCAAGCACAGGATGCAACTGGCTTACAAAGTAGAATTCAGGAGCAGCTGCAGCAGACAAATAATA TTCCCTTAACTTAAAGTTAATCTGCCTGTGAGGTTAAGCTTGGTAAATTTGAAGCTTCTCAAAGTCAAA TTCAGAGTTAGGTGCAGGCTTGTGGTGGATAAATTTGGTGTAAATATGATATTAAGAAATTTCAAAGTAGT GTGTAAGTTCAGGCTTAGGCTATGA</p>
CrLEA2-57	<p>ATGTCAGATCATCAAAGAATTCATCCTGTTTATGATGTGGAGGCACCACACAGACCCCTTGGTGCCAAAGTAA CATTGGTAAATCAGATAAAGATGTTCAACCTCTTCTCAACGCACCATTCCCTGTGATGCATTCAAAGCCAC</p>
CrLEA2-58	<p>ATGTCAGATCATCAAAGAATTCATCCTGTTTATGATGTGGAGGCACCACACAGACCCCTTGGTGCCAAAGTAA CATTGGTAAATCAGATAAAGATGTTCAACCTCTTCTCAACGCACCATTCCCTGTGATGCATTCAAAGCCAC</p>

CrLEA2-59	<p>CAAAGAAAAGAACTGTTGTGTCAGGGTCTATGTTGGACATTAAGCGTATTTGGTATTCTTATAATTGCT CTTGCCATCACCATTGGGATACTATTCCTTGTGTTTAGGCCAAAGCTTCCCAAATACCTAGTGGACCAACT GAGATAAGCCAATTCAATGTTTTCGACAACAATAGCCTTTATGCTACCTTCAATGTGACACTACTGCAAA GAAATCCAAACAAGAAAATTGGGATATACTATGAGGGTGGAAAGCCACATAAGTGTGTTGATATGACACACA CAACTATGTGAAGGGTCTTTGCCAAAGTTTACCAAGGTACAGGAACATCACAGTCTTAACTGTGTTTT GACTGGTCAAGCACAGGATGCAACTGGCTTACAAAAGTAGAATTCAGGAGCAGCTGCAGCAGACAAAATAATA TTCCCTTAACTTAAAGTTAATCTGCCTGTGAGGGTTAAGCTTGGTAAATGAAGCTCTTCAAAGTCAAAA TTCAGAGTTAGGTGACGGCTTGTGGTGGATAAATTTGGTGTATAAATGATATTAATAATTTCAAAGTAGTAG GTGTAAGTTCAGGCTTAGGCTATGA</p> <p>ATGACTGATCCAGTTCATCTGAAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAAACGTCGCCGCCTCATGA AGCTGCCGTACCTCAAATTCCTCCTCTCTGGCGGCAACCTACGTCATCCGTATCCCCAAGGACCAAGTCT ACCGGTTCCCTCCGCGGAAAATGCTCTTTCGCTACGCCAATACAGCCCGCGGAAAAATCGTCGATCCCGG TGCTGCTGTTGCCTCTGCTGTTTCCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCGTTCTCCCGCCATTGCCCTCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAAGGCGCCCGACTATGCAATCGAGCGCGTGGCCGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTACAGCGGCATTATCACCGGAGTTTGACGTCAGTGTTCGGGCAGACAAACGAT AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAAGTTCCCTTGAATGTTTACAACGACCTAGGCTCTG TGATGGTGCATTGCCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTTACGATGTTGAGATCGGTTTTGAGGGGTA ACGGCATCGCACTCACGACATCGGACCAGACAGCATTGGTGAATGACGTTGCCAAACAGAGCGTCCCGTTA ACGTTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACTGTTAAAA TACCTGTGATGTGACTGTAGATCAGTTAACGATGAAGGCTAGGATGTTAACAAGGACTGTAGATACCGTGT TGGCTCTTTGGTGA</p>
CrLEA2-60	<p>ATGGCCGACCGAGTTCATCCAAAAACTCGCCCCACAATCCAACGACGCACAAAACGTCGCCGCCTCATGA AGCTGCCGTACCCACAAAACCCCTCGTCGCCGGCGGCAACCTACGTTATTCGTATCCCCAAGGACCAAGTCT ACCGGTTCCCTCCGCGGAAAATGCTCATCTACTACGCCAATACACCCCGCGGAAAATTCGTCGATCCCG TGCTGCTGTTGCCTCTGCTGGTTTCCATCTCCATCGTCTTCTCCCTCGTCGTTCTCCCGCCATTGCCCTCCG CGTCTTCTACTTCGTTTTCCGACCAAAGGCGCCCGACTATACAATCGAGCGCGTCCCGGTGAAGGGAATGA ACCTCACGTCGCCGTCGTTACAGCGGCATTATCACCGGAGTTTGACGTCAGTGTTCGGGCAGACAAACG AATAGCAAGATCGGAATCTACTACGAGGATGGAAAGTTCCCTTGAATGTTTACAACGACCTAGGCTCTG TGACGGCTCATTACCGCGTTTTATCAGCCGTCAAACAACGTTACGATGTTGAGATCGGTTTTGAGGGGTA ACGACATCGCACTCACGGCATCGGACCAGACGGCGCTGGTGAATGACGTTGCCAAACAGAGCGTCCCGTTA ACATTGAAGCTGAGGGCACCGGTGAAAATTAAGTGGGATCTGTTAAGACGTTGGAAGATCACTGTTAGTAT TGACTGTGATGTGACGGTAGATCAGTTAACGCGGAAGGCTAGGATGTTAACAAGGATGTAGATACCGAT TGGCTCTTTGGTGA</p>
CrLEA3-1	<p>ATGGCCCGCTCTCTCTCACAAACCCGCTTGGTTTTCATCGTTGCCCAATCTATCTCCCTAATACCTGT TTATCGGTCAGTTCATTTTTTGAATATATTTTCAATTCATTTCACTTAAATACCTTACTGCCTGTCTC TGCTCGCCCTCATAAAATTTAGCAATTTAGCACTTTTGTAAATTTTTGGTAAATTAATCCAAAGGAAATAGT TAATTTTTATTGGCAATATGACGTTTGTGCCCTACATGGTTGTAATTTAATGAAGAGTAAATAAATATTTT CTGAGTCCCTTTTCTAT TGATTATATGATAGGCGAGGTTATTCAGCCGCTCAGATGTTTTAGGAAGATGGATGGGTATTATTG CACGACGAGTGGAAATGTTGGGAAGGACAGAGGAGAAGCCGTGAACAAGAGATGGTTTCGGAGGCTACTCG GCTTGGGCCCTGACCCAGTAACGGGTTATATCGGCCCAACAACACCCCTGAAATTTAGCGCGGTGGA TCTTTCGCCAGATGCTTCTCAACCACAAGCTTAGATCACCCCACTAG</p>
CrLEA3-2	<p>ATGGCTAATTTCTCTCAGGTAAGTCTAGCTCTATTTCTTTTGTGTTTGTATGTCGCAATATTTTTGGTGA CAAACACTATATACACTGTTAGCATTTAATTCAAATCAATTTTCACTTAAATACTCTTATTAATTTAAT TACTGATATGAAACATCAATTTGTAATTTGGGCATAAAATGTATCTAAACTTCTCATTATTTTTCTCCTTT ATTTAATTTTTTTTTATACTACGAACTTAT TAATATCAAGACAATGATGCGGAAGCGATGTTATGGTGTGTAGCGGAATGTTTAAAGGTTGGAGATGGA AAGCAGATGGTGAAGGCGAAGGACAGCATCCCCAATGGTAATTCAAATAAGATGAAATCTTTTGGATGA GAGATCCTAAGAGTGGAAATTTGATTTCCAGAGAATCATTTTGGCGAAGTTGATGCTGCCGAGCTGAGGAAC AAGTTTCTGCCAAGACACAAAACTTCCCAATCACTTAAGTAA</p>
CrLEA3-3	<p>ATGGCTCGCTCTTTCACTAACGCCAAGATTTCTCTGCTGTGCTCCTTGATGGATTCCTTAGCGTTTTTAC CAGGTACCGTAATTTGATTGATCTTTGTTGTTATGAATATTAAGGTAATTTAGGGAATGGCATGATTT ATAATATATGGTTTTTATACAGACGTGGGTACGCGGTAGCAACACAAAGCGCAACAAAGGGGAGGAACGGCC TCTATAAGCGCAAGGTGGCACCCAAAGGCTGTGGAAGACAAAGTGCCCTCAACAACAAGTTTTCTGGGT GCCAGATCCTGTTACTGGTTACTACAACCCGAGAACATCAACGAAATGACGTTGCTGAATTTGCCCGAGA CCCTTCTACGCAAAAAATTCACAACACTGA</p>
CrLEA3-4	<p>ATGGCTCGCTCTTTCCGCAACGCCAAGGTTCTCTCTGCGCTCGTAGCCGACGGATTCTCCAACACTCTTAC CAGGTAAAAACAGAGACGGGTTATCTATTTTTAAATTCAAACTTCTTCCCTTATGTGCTATGCGATTT CGCAAGTTTTAATCCGAAGAGGATTCTTGTGTAACGGTTTTTATTTAATTTAAATTTGAAATTTGACTCGGTA TGATTTTGTGTTGAGAGCAGACGTGTTACGCGGGCGGACACAAAGCGCAACAAAGGGGAGGAGCTGCCTC CATTAGCGGCAAGATAGCCCCAAAATCAGGGGAAGACAAAGTGGCCGCTACTGAAAAGGTGCTGTTGGGTTCC CAGACCCCGTTACTGGTACTACAACCCAGAGAACACCAAGAAATGATGTTGCTGAGCTGCGAGCAACG CTTCTCGGCAAAAAATTCACCTCTAA</p>
CrLEA3-5	<p>ATGGTTAGAAGCGGCATCACAAAGCAAAACATGTTGCTTCTCCGTTAAAATGAACTTAATTTAATTAACCTC CTTAATGATCAATTCAAAGTTGTTGTCACCTTAAATACTTCAATCGGTGCCCCCAATGGATCCCATTCT TTTTATTTAGCAGTTAATTTGTTTGAATCAATATTTCTTAACCATGATTAATTTGTCATTTACATGTT AATTAATGATTTGAGAGATTTTTTATAGCCAAAACCCCTTTTTCAGATTTTTCATTGTGTTGAAAACCTTGA AGATACATAACAACGCAATGTGAAGTTCATGAGGGGAAGTGGAGAGCAAAAGTGGACTGGAGCAAGT GTTACCTGCTGTACAGAAAACCTGAGGAAATTTCAAAGAGTAGTGGGAAGATGGAAAACTCAGAAATGT GGGTCCACATCCAGCACAGGAATTTATTTCCCAAAAGGCATGAATGGGTGATGGATGATGTTCCAGAG GATGCAGCTCGTTAAGTACAGACTCACTGGTTAGAAATATTTGATGGTGTGGACAATCCCAATACCAAAAC TTGA</p>
CrLEA3-6	<p>ATGGCATGCTCTTTTCGCACAAGCCAAACGCGTCTCGCTTTTCGCTCTTCACTCGGTTGCTTCTACTTTCATG CAATTAACGCCAGTCTTGTTCCTTCTTGCATGTTCTTTAACAATTTTTATCAATATCTCATGTGGGAT TCAGTCTTTTTTTTTCTATAACATACATATTAATAAAAACATAACATTTTTGCACGTTCTGTTAATTTTTAT ATTTTAAAAATAAAATAGAGAATTTTTTATTTCTCTGCTATCGCAATTAATTTGTTGTTAGTGTGAAT</p>

CrLEA4-1	<p>TGGTGTGTATGGTTATGGATGTATTTATATAATGTATGTATGCATGTGTATTGGCGGTGTACAGGGCAG GGTATGCAGTGTATGCTGATGCTTCGGTGAGAGGGGGATTGGATAGGATTGGGAGTGGAGGTAGGAGTAGG AGTGGATCAACGGTGGTGGGAAGGTTGAAGAGAAGAGTGTGTCCAAAAGTGGTGGGAGTCTTCAGGAG TTGGGCCCCAGACCCAGTACCGGGTACTACAGGCCCATCAATCACACCAATGAGATTGACCCGGTGGAGC TCCGAGAGATGCTTCTGAATCACAGAGTCAGATCTTCATCCCCTTAA ATGGCGTTCGAGGCAAGAATCAAGGAAGACAGAGCGGAAGCAGCAGCAAAGCTAGCTGCGAAAGACATTGG CCATGTGAACAGAACAAACGAGCGTGAGGAAAGTTACACACTGCATTCGGATATTCACCTTAAGGAAGCAC GAGCGGAGGCAGCAGCGAAGCTTGCTGCTAAGGATCTTGAAGACGTTAACAGAGCAAGAGAGAGTGCATTT CGTGA AAAACACGTTATTTGTGATGAGCAGAAACCCGGTGTGATAGGGTCCATGTTTAGAGCCCGCAAAGA AGCTGTGGTTGGCAAGCCTCACGAGGGTGTGGAAGTGAGGGATAGAGGTACCTCACCTGGGTTTTATGATT ACCCACCCAGAAGACCACCGAAACAAAGGATGCAACGAAGCAAAGCTGGGGAATATGCAGATTTATACG TCTCAGAAAGCGAAAAGAAGCAAAGACAAAGCAGGGGAGTACAAGAACTATGCTGCAGATAAAATGAAGGA AGCTGGAGATGCGACAATGAACAAAGCTAAGGAAGCTAAAGACCGCAGCAGTGCAGAAAGCAGGTGAGTATA AAGACTATACAGCTGAGAAGACAAAAGAGGGACGGAGAGTGCAGCGGGGAAAGCTGGGGAGCTGAAGGAT TCTGCTGCTGATGCAGCCAAAAGGGCTATGGGTTTTCTCGCTGGCAAGAAAGAGGAAACAAAGTTTTCAA GAGTTGAATATTTAATCATAATGTAAATGTTTAAATTTATTTGATAAATTAAGATGATGTGATTTGCTGAGG AAAAGCTGAGCGGAACAGAGGAAGAGCGATGAGGAAAATGGAACATGTGAAGGTGGAAGATAGGAAATAT GGAGGAGGAGGAGGAGGAAAGATGGAGATAAAAGTGAAGAGTCTCGGCCAGGGCAATGGTGGATGTGCT ACGGGCTGCAGATAAGGCTCTGAACAATGTGGACGGTTGGATGAAGAAGGTGTGATTATGTGGAGCGTG GTCGTGAGAAAATGTGA</p>
CrLEA4-2	<p>ATGGCGTCAAGGCAACAACCCGAGGACAGAGCCGAGGCTGCAGCCAAAGTTGCTTCTAAAGAACTCGAGCA AGTTAAACAAGCCAGAGACCATAATTTGGCTATCGAGGACCAACAACAACATGACCAAGAAAAGCGTGGTG TAATTAGCTCCGTTCTAAGAGCAGTGCAAGGAACCTACGAGAACGCAAAGGGAGCAGTGGTTGGCAAAAA GACCTGCGGATCCCTATACCACAGAGGTAGTTTCATCATGTTAACGTTGAGGATAAGATGAAAGTAAAGC AGAAGTTAGAGACATATCGCCAAACAAAGCAGGTTCTAAAGTTGGAGAGTATGCAGATTACGCATCTCAGA AAGCCAAGGAAACAAAGGATGCAACGGCGCAAAGGGCGGAGAGTACGCCGATTATGCATCTCAGAAAGCA AAGGAAGCTAAGGATAAGACAATGGAGAAAGGTGGAGAATACAAAGACTATGCCCGAGAGAAAGCGAAGGA AGCGAAAAGTGCACAATGAATAAGGCAGGGGAGTATAAGGATTAACCCGCTGAGAAAACGAAAGAGGAA AGGACACAACGATGGGGAAGCTTGGAGAGTTAAAGGACTCTGCTACTGATGCTGCTAAGAGAGCTGTGGAT TACTTGAGCGGAAAGAAAGAGGAAACAAAAGAGAAAGGCTGCAGAAAAGCTGCAGAGCGACCAAAAAATGAAC GTCGGAGACTGCTGAGACGGCGAAGAAGAAAGCTACGGAGATGAAGATGCGGCAAAAGGAAAAGCTGCAG AAACCACCGAGGCGACCAAAAAATGAAGCTTCCGAGACTGCTGAGACGGCAAAGAAAGAAAGCTGCGGAGATG AAAGATGCGGCGAAGGACAAAGCTGCAGAAAACCCGAGGCGACCAAAAAATAAAGCTTCCGAGACTGCTGA GACGGCGAAGAAGAAAGCTACGGAGATGAAGATGCGGCGAAGGACAAAGCTGCAGAAATCCACCGAGGCG CTAAGCAGAAAAGCTGCAGAGGCCAAGGACAAGCAAGGCTCACCTTAAATTTAATTTAATTAACCATATTA ATCAGTTATAACAAAAGTGAATGAAATCAGTTTATAACTACCTGATACAGTATGTCACACAGATGTCGACATA GTAACACGCTGTTTTAACATATTTTAAATGTTTTGATGTGGATGCAGGAAAATGTGAGTGGAGGAGGGGAA GAAGATACTAGAAGGAAAATGGAAGAACTCAAGGTGCACGGGAAAGGATACGGGTGAGGAACTGAGCGGCG TGTTGGAGATAAGGTGGTGTGAGAGTCAAGAAAGTCAACCGGAGCGGTGGCGGAAAGCTGAAAGCCA CGGATCAGATGACGGGGCAGACCTTCAATGATGTGGGAAGGATGGATGATGAAGGGGTCAATCAATGTGGAG CGACGTAACAAATAA</p>
CrLEA5-1	<p>ATGGCATCAAAACAACAAAATCGACAAGAACTTGACGAGAGGGCAAAGCAAGGAGAACTGTAGTTCTCTGG TGGCACTGGTGGCAAGAGCCTTGAGGCTCAACAACATCTTGTGAAGGTTATCATCAATCTATCAAAATATT ATAACCTTAATCTTTTTTCACTTTTTCGTTTTCATATTTATGTATATATATATATATATATATATATATAT ACTTTTTTACATCATTATTTATTTATTAATTTATTTCTGTCTTTTTGTTTTTATATCACTGTTATTTATT AAATTTATAATTTTTTATTTTATCTTAAATATTTATACATTTTTAATACTCTATTTACGTCATATTTAT TACCATTCAATTTATTTTAAAGATACTATTACAATTTTATATTACTATTTTATTAATTTATTTTCT TTTTTATCTCTAAAGAATGTACATAATTACATCATCATTTGTTATTTTTCTTTTACGTTTACGTCACGT TCTTCCAATTTATTTTTTATTTTATGTCACTGGTCTTCCAAATTTATTTCTTATATTTTTTTTTATCTTT TATTAGATACTAATACATTTATCATTTTTCTATTTTATCTTTTTCTTTTTGTCTACTGATCTTCATATA TTTTTTCTCTATATTTTTCTGTCAAGAT TGTTGTGAGTGAATGAAGTATCTGTGTTTTGCTCTTTTTGGTTGGTAATAATGTTGTTATTTTGTG ATTGTGTAATAACAGGAAGGAGCAGAGGAGGGCAAACAAGGAAGGAGCAGCTGGGAACAGAAAGGTACCA AGAGATGGGTCGCAAGGTGGATTGAGTTCTATGGACAAATCAGGTGGAGAACGTTGCTCAAGAAGAAAGCA TTGACATTGATGAGTCTAAGTTCACTACTGCTTCTAGGAAGTGA</p>
CrLEA5-2	<p>ATGAACCTTTCTTCTTCACTGTGTGAGCAATCATAAAGTTTTTCCCTTGCTAACACTCGTAATTATCA TCCTCATTCAAGTTCCTTGCAAAGGCAAAAAAGAGTCTTGAAGAAAAGGTTTGTAGTGTGAATAACATGG CATCTCAGCAACAAAACCGTGAAGAGCTTGATGAGAAGGCAAGGCATGGTGAAGCTGGTTCCTGGAGGC ACTGGTGGGAAGAGTCTAGAAGCTCAAGAAAACCTTGCTGAAGGCGTTGATTCACCCCTATATCTTGCAA GAACACACATATGTTAACCTTTTTTTGTTTCAATGAAGTAATGTGTTATTTATGATGTGTAGGAAGGAGCCGT GGAGGGCAAACAAGGAAGCAGCAGCTAGGATCAGAAGGTTATCATGAGATAGGAACCAAAGGAGGGCAAAC AAGGAAGGAACAGATGGGAACAGAAAGGTCACAAAGAGATGGGGCGCAAAGGAGGGCTTAGCACTATGGACA AGTCTGGTGGAGAGCGTGTGAAGAGGAAGGCATTGACATTGATGAGTCTAAGTTTAGGAATCACTAA ATGGCAAACAACGGGAAGCAAGTGAACACAAAACAGGAGAGTGCCTAATCGCAAAGAGAAAGGAAGAT AGAAATGTTGCCTTTGGAAATTAGTCCATCGCTTAAATACAATGATGTACAAAAGAAATACAATCGCAATG CTTATGACACACAACGCCATCTTACGCCAAAACCAACCAAGCAGGTGGAACACACATTTGCTCTACT CCCTCAGATGCTCCATTGAAATTAACCACTAAATAG</p>
CrLEA6-1	<p>ATGGAGAATCAAACCTGAGAAAAGGCAGAGTGAATCAGGTAAGAAGGACTTCGGATGAAGGATAGTCC TTACCTGCAATACAAGGATGTGGAGGACTATAAGCGTCAAGGTTATGGCACCCATGGTCAACAAGAACCAA ACCCAAATCAAGGAGCTGGTGCCACTGAGGCACCCACTCTCTGTTGCTGCTGTTTCCCTGAAATCTGAA TTCAAAGCCACTGATGCCATTAATCGCAAGGGAGTCCCTTAATTAACAATATCTACCGTTCCCTTTATGTAA TAACAAATACTTTTTCTATTCCTTGTTTTTCTTTAGTTGTTGTTAGATCATACATGTTTTAAATTTGCA TTTTAGTATTACCCCAAAAAATAGAATAACATTTGCATTTAGTATGTTGTTATTTGCTTATAACAACGTTGC GGATGTTGTAGAATTTGCTATGTAAGAATTGAACGAGCAATATCAATCTTTCTTTTTTCCCTTCTCTC TCAACTCTTAAGGAAATACTATTTATCGTTAGCAGTGGATAGAAAATATCACTTTCTCTATTTGATTTTT CGCTCTGCTGTTGTTTTTACAATTTGGGAAGCTATTTTGAATTTTTTCCCTTTGATGAAAGGATGCTAAG</p>
CrLEA6-2	<p>CGCTCTGCTGTTGTTTTTACAATTTGGGAAGCTATTTTGAATTTTTTCCCTTTGATGAAAGGATGCTAAG</p>

TAAC TAATAA AACTTCCATAGT TGTGAAGTTTAAACATGTTAACAA TGGTATAAATTTTAACTGTATGTGTG
GAAGAGATTTTGTGGTAAAGATAAAGTTTATTTTTATGATGTTTACTATTAATTTTGTGGAGGATAT
TTTAGTATATACATAGAAAGAAAAGAAATGCAAAAGTAATTAATAAATAAATAAATAGCATAATTTGAGACAT
TTAAATAAATAGTTTATATAATTCATAAATAAATAAATAAATTTGATGAGATTTTTTAAATATATATAAATA
TTATTACATAGGATAGAATTTAGTTAAATATTTTTTTCAGTAAAGTCATCTAAGATAAGTTAGTAAGAGAGGT
TAAAAATAAAGTTTGTGAAGTTAGTAAATTTTAAATAATATATGATGAGATGTAACAAGAAAATCAATGTGCG
GTAACCGATTTAGACTTTTCATTTTGTGAATGGATTTCGGAGGAAATGCTAAATTTATATAGATATCATATCA
CTAAAGGTAATAGAGTATGATAGACTTTCTAACCTGCCATATAAGACATAGTTGGAGAAATACAATTTGGTC
TAGAGAATGATACGAAGTTTTTGAAGTCATGTTTTTCTACTGCAATAAAGGCTACAGAGTAGTAGCCATT
TATTTGATGGAACTTTTCGGGAAGGAAACATTTGGCTAAACAGAAATTTCTGATAAAAAAATACAACATAAAC
AGAAATGCAATTAATATTTGTAGTATTAACATAAATTCATTTGATATGCATATAAATTTTCATTTACTAT
GCATATAAATTTCTTATTACTTAAGCACATAGCACCATCCAAAAATATATTGTGAAAAAATATATTTATA
TTTTTGGAAAAATTAATCTAATTAACATAAAGAAATGTTCCCTATAACCTTAAACTTCAAACTTCTGTAT
TACATAAAGGAAAATAAGAACATATACATAAATATATCCCTTAAAAAATATAAATATGTTTCTATTGCA
GCAAAATTAGTTCCGTAAATAAACAAAGAAAAGAAAAGAAAATTTATCTTACGATAAGAGAACATTTCA
AACATTTTTTTCGGGTGAGGTTTTTGTAGATGAAAAAGACTACAATACGAGAAAATAAATTTCCATTTTTTT
GAGAAGTAGAGGAGTAAAAATGGCACAGATTTAATAACACTAGGGGCAGCTATGACATAAATTTGAGAAG
AAAAGGAACAAAAATGAATAAATGAGAGAAATGAGTATTTTCAGTTTGTCTTTCTTAGTATTCAAAAAC
AATTAATTCACAAGGGAACACAAATAAAAAAGTCCATAAATTAAGTTTATTAAGATCGAATACGGTTA
CTAAATAAATAATTTATTTATAAATAAATAAATAAATAAATTTAGTGACCAAAATTAACATTTCCATTTTTTT
TAATTTTACGATCAAAAATTTGATTTTTAATTTAGCAGCAAGTAACCTAATAAATTTTTTTATTTTAAAT
GACATCAGTCATTAATTTGATTTTTTATTGACAATTAATTTATATAATTTACAAATTTGATTTCTAATTA
ATATAATATATATATAGTAAATTTACTGTGATATTTTTTAAATAAAAAATTTACGATATTAATTTTCT
ATGAAAAACAAAATAACATTCGGTTAGAGATATTTATGTGCATTTACATTAATAAATTAAGGATGCTCAATG
TGATTTTTTAATACTTAATATTTAAATTAACATCTAAATTTAATAATTTTATTTTATTTTCTATTTTT
TTCTTTCTATAATATTTTATCTATTTTATAGATGCTTTGTAATAAATTTTTTTAAATAAATAAATAACAT
TCATTTCTACATTCGTTATACGGTAAATAATTTCAAAAGATACATCTTATTCGATAAGTAATGATTTAAAGA
TTAAATAAATCTAAAAAATTTGGTTATTTGATTAATAAATTAAGAAAATTTTAACTTTCAAACTTATTAAG
GAAATGGGAAAAAATGTCACAATAAAGTAAAGAGACATATGATAAACTATTGGAACGGTCATGCA
ATTTATTCGGTATTTTTTATTTATTAATAAATTTTGATAAATTTGTTTTTATATATTTCAAAGTTATTTTTA
AATAAACAATAAATAATTAAGTTAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTTATATTTTTATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
TTGTTGGTTAAAAATTTGTAATTTAATATATTTTTAAATAAATTTAATAAATAAAGATTTTTATATAAAGAT
TAATATATTAATAAATTAACAAAATGAAGAATAATCGAAATATGTAATAATGTCATTTTACTATTTTATAA
AATTTCTATTGATATAAAGATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATAATTTGAAAAGAAAAGTATATAAATGTTATTTTTATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AAAGAAATATTAATAATTTTTTAATAAATTTAAGAATATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
TGCTAATTTGTATACCAAAAATAGAGCAAGATCTTTCTATTTTTAAATTTTGTGTTAAAAAATAAATAA
TATCATTTTTTAAATATTTTTATTTTTATTTTTCTTGTTCATTTTAACTTCCCTTTAAGAGATTA
ATTAGGAGCGGAAAATTTGATTTTTTAAAGAAAATGAAAACGTAATTTGGTTTTGCCTTTCAACATTAAGT
TATACTAGTATGGGATAATACGGTAGAGTTACATTTAAGAAGATACACAATCAAAGTAAAAATACAACATA
TTGATAAATCAAATTTATTTTCATCTAATCAAACTTCAGATATTTTGTAGATATGTTTATATATATTTAATGT
GATGAATATCTAATTTGATGATATATTTTGTGTAATAAATTTAAAAATATAAATAAATAAATAAATAA
TGTTGATTTATTTCTATTTTTCACAAAATTTTTTGATAAATTTTTATTTATTTAATTAATTAAT
ATTTTTTATTTGATAGTTTTAAACCTATAAAAAACAAGCAAAAATATTTGACATTAATAAATAAATAAATA
ATTTTATCAAGTTTTAAAATATTTGACATTCATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTTGAGAGACATGATATTTGGCTTCAATGTTTAAACAATAAAGAAAAGGATGACGACGCTTACAACAAAATG
ATGGGAAAAGGGAAGTACACACTTCTTTCAGTTTAAATCTTTATGATTTGAAATTTCAAACTTTAAGGAT
CAGAATCTTGGCTTTGGTGAGAGTGTATGCGCATATCGAGTGATGCTTCTGAATACAACGAAGGATGAGCA
ATGATGATAAATGATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATTTGATGATGATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAATTTAGATATGTTATCTTAAATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTATATTTAAACAATAAGTAGTAGCTTTGGTTTTAGAAAATAGTTTTCTATTTTTTATCTTTAATAATTTTA
TATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAAACTTTTAAACTTAAACATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAAATCAAAGTTTACCTTAGTAACTTCTATTTTTAGTTTCAAAATTTTATAAATAAATAAATAAATAAATA
TATATATTTGTTTACTTTATTTTTTATCAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
AAATATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TATTCTGATACCATAGATTTATCATCCAGGCTTTGACAGTCATCTAGTTTAAATTTAGCTTTTATTTATTT
TTTTTACGCCAGTTTTATTTTAGCTTTTGTCAATTTTCAATTTGGGAATTCGCTAAATTTGAACCTTTGCTCATGT
GCTTTTGTGAGAAAATGGCCAAATATAAATCTTTTACCTTAAAGAAATAGAAATTAATATTAGGATTAAGAT
TAATTTATTTTTTAAAAAATTAATTAATAAATAAATTTATTTAATAATTTTTTATAGATATTAATTTGCACTAA
TTTAGCTCTTGAATTAATTTTTTATATATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TACTTTAATTTAATAGATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
AGTTTTTAATTTTTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TAATTTACATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATCCTTAAATTTTAGAAGTATTTATAAGACATGTTTTTATACTTAAATTTTTTAAAGTATATTTTTTTTT
ATGGTGGGATAAATTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
TTACCTTCGAAGCCAACTGGGCTTTGAGCCGAACACAATCACAGACTGGGCTCTAACTTAAGTCCAAAGGAA
TTAGGTTTGTATGAAAAGAAAATAAAGGAGAAAGATTCCTATCCTTACGTTAAATGTTATTTGACCAGAAA
AGGTAATAAATAAAGGAAAGACTCGCTTTACAATAAAGATAAATTTAAGATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATGTTAGGATATCCAGTAATGTCCTCAATACAAATACAATGACGAACATCATACAAATTAATCTTACT
TATAGCAATTTCAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
CATGAATGAATCCTTCAATTTGAGGATGGTGTACACACACTTTATATATCTTTTAAATTTCAATTTGCTTACTA
ATAAGACGAAAATTTATCTAATAAATAAAGAAATGTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
GTAATTCATTTCAAATATATACAGAATTCACAGGTGTCACCCACCCGCACTTTGGCGTAAACATTTGACA

CrDHN1	<p>AACCCACTTTCGGTAACTTGCATTTCACAAATTTTACAACAACAAGAATAGCATCTTTTTGTTTTTTT TTAGCCCCGATGCATCTAAAGCTATGGTAGAGAGGTAATGGTTCCACTAGTGGAAAGCTCAAAAAGGGACAA TTTTCTTCTCAGTCCCAACAATAAAATATGACGTAGATAAAAAAGAAAATGAAGACACCCGTTTTGTT GGGTCTCTAGACTGATAAGTGTACTACTTTAGTGTGGTCCAGCACCTCTTACTCTTTTTATATTCC AAGTGTCTTGTATTGTGTACTGTGTACACACATCCACTTCCCTGTTCAAATATCATTAACCTTA TAATCTTATTCATCTTTCCCCCAACCCAGCAGCATCAAACCAAAACCAACCCGTTCTTTCCGTTACAT GGCGACAAGAACGTGAAAGGAAAAATGGAACAAAGCGGAAGAAGAAGAAGATGAGGAAGGAAGAAGCAT TGTCCTTTTTCGATCTTCCGATCAACCTGGAAGCCCAACCGAGAAATCAAGAACCAAAACATGTCAACGAA GCAACACAAGAAGAATCAATTTCCGCTCTTGGAGTGGTTCTTTTCCAAAGAACCAGAAATGTGTGTCCG GGATGAAGTTTTCTTTAAAGGTCAAATTTCCCAATGCGTCTCTCGTTACGACCCGAGGCTGGTTTTATTA CCACAGGATCTCAACATTAAGTCAAGGATTTATCAACAGTCTTGGATCATGCTTCTCTCGGTGATTTT CAAAGTAATAAGTAGCAGTAGAAGCAGTAGTGTGAAAGTCAAAATTCGTCAAGTACAGCACCAGTCCACAC CACCACCACCACCTACAACAACAGCAGCAGCACCACCAGATTTAAACCTAGCGTTAGAAACCAATTTT ACAGCACCCCTAGTCCGAAACCTCAATTAAGAGTATCTGTCCAAAGCAATTAGTTAATCAAGGTAGAAAA TCATCATCAGCATGGGAAATTTCCGTTGGGTGTGGTCCCTGCTCCGAAATAGGATGCAAGACCTCAA GGTTCGCAAGTAGCAACAGTCCGAAACAGGAACTGTGTGAGTCCGAAATAGTAGTACAGCACCAGATG CTTCCAATAGTAATGCGAAAAGTGTGAAAACGAGTAAATGATGGCAACAAGAGCAATCATGTTTTGAAACAG TTAATTTGGCAAAGGCGGTGGTTTTATGAGTGGTTGTGATTGTCTTTGAAACCGTGCAATCGAAATGTT AATGATCAAAGGTGGTAAAAGCACCACAAGGAGGAAAGTACAACGCACGCGGTGAAAGAAAAAGTTGGTGG AATTTGAAGAGCAGAGCAGAGGCAAAAGCAGGAAAGAAAGGTTATGTCAGTCCGCAACGTTTTGAATGG TTAAAGGAGCTTCAAGCCATGATCTGATGATGAGAAGGCTTTGTTATCAAAACCATCATGA ATGGCAAATATCAGAACCAGTACGGTGGCGTTCCACAAAGCAAGGATCTGATTCAGAAGGAAATGGACAC CACCAGGACACCCTGCGGTTGGCGGTGGCAGTGGCAGTACTAAAGTGGTAGGAGATGATTATGATAGAA GCAGCGTGCACACTACGGGTGTGCGGAGCAGCATCAACAAGAAAGGAATAATAGAGAAAAATAAAGAGAAG CTTCTGGAACACATCATCAACAAGTAG</p>
CrDHN2	<p>ATGGCAGAGGAAAAATCAGAACAAGTTTGAACCACTGAGAGCAGTGGGGGAGATCAAGGATCGTGGTCT TTTTGATTTCTCGTAAGAAAAAGGAAGAAGAAAGCCTCAAGAGGAGGTCATCGTCCCGAGTTTGA AGTTCACAGTGTGCAAGAGAAAAAGAACGCAAGGAGAGAAGAAGCACAGTCTCTTAGAAAAGCTTAC CGATCCGACAGCAGCTCAAGCTCTGTAAGTTTTTTCTTATTTATTTATAAAAATAAAGCGCATGCATGTT TAAATCAGTTAGTTTTTAAAAATAATCGTTTTATTTTAAAAAGTTGAAACAAAATGTTGTAAGTTGTTG ATCATGGTGATTAGATTGATAAATCTTTGACGAATATTTATAAAAGAAAAAAAATAAAGTTAATATAAT CATGCTCATGCATTTCACTTTTGAAGAGATCTTTATAGTTATTTATAAATTTAATTAAGAGTTAGATAT TCTTATCTCGTTTAAATCTTAAATTTACATTTAAAAAGCTTTTAAACATAGATATGATTTATTTATTTAA AAATGCTAATGTCTGTTTTGATTGGTATATATGGTATTGTTTGCAGTCCGAGCAGGAGGAGAAGGAGA AGGGGAGAAGAAGAAGAAAAAGAAAGAAAGGAAAGGATTTGAAAGGAGAAGATCGAGGAGAAGATAGGGG ATGATCACAAGCAGCAGGACACAAAGTGTTCAGTTGAGAAAGTTGAGGTGGAAGAAAGTTGAGGTTGAAAA GTTGAAGTTGATCCAGCACACTGAGGAAAAGAGGGTTTCTCGACAAAATTAAGGAGAAGCTACCAGG TCACAAGAAGACAGAGGAGGTTCCACCACCACCAGCCAGCTGCTGCTGATCATCAGAACATGTTGAGG GTGCTCATGAGAAGAAAGTATTTTAGAAGATAAAAAGAGAAGCTTCTGGTTATCACCCCAAGACAGAG GAAAGAAAACAAAAGGAGAGTGGCGGTGACTGA</p>
CrDHN3	<p>ATGCTGTAAGCCCACTACGAGACCAACATGGCAACCCTGTCCAATTCACCGATCAATACGGTAACCCGGT TACATTGACCGATGAGCATGGTCAACCCGTCAGCTCAAGGGCGTGGCAACCCTGGTGGTGAACCCACGG GCACAGCAGGATCTGGATTTGGAACATATGGTACTGGTGCATACCGCGGTGGTGCAGCCACAGGCACAACC ACCGTCGCAGATCTGATCAACCCAGCAGCAGCAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGT TGGAGAGCTTCGTCGTTCCCTAGTTCAGCTCTAGCTCGGTATCATTAATATCATATCGTCGATTAATA ATTTTAAACCATAGCTCTTTTCGTTTCTTTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT CT TACGCCCAATCCGAGTTTATTTCCCTTTTAAATGATTTTTTACACAAAGTTAAGATTCATTTATTTTTC AAGAATAAAGAAAGAAATATATGTTTTTATAACTGAAGTTGTTGAGACTAGAGACCTTTTCAAGTTTCAAT CGTTGCTTTAAAGTCTGTAATCTCCATGACAGATTGTGATGGTCGCGGGAATACCTTTTATAGGCATAT TACTTTATGAAAAATGGTAATTTTTTTTAGTAACATTTATTTATTTATGTTATTTTATAGATTTTTTAA ATAAGGTTATTTTTTAAAAAAAATTTCTCGATTTTTTAAATTTATTTTTTAAAAACTTAAATTTT CTAGGAAACATCAGAAAAATAATATCCTTTGTTGGAATCAATATTTTCTTTGAAATAAAGAAATATTTCC TGTGTATCTAGAAAAATGCTCATTCAAAAATAATGAAAGTTTATTTAGTCAATTTTTTAAATTTTTTTT TTACTAATTTTCAAACTAGTAATGTTCAAAAATTCGAATATAAAAATTTGAACCACTATCCAAAAACG GAAAATATTTAAATATAAATATTTTTTTTGAATATATAAATTTTATATAAATTTTATATAAATTTTAGTT ATAAATTTTATATTTATATATAAATTTTAGATTTGATAAAAATATAAATTTTATGTTTTTCATTTAT TTTTTATTATTAACTTGAAAATGATTTTTATTACTTTAATGTTTATAAATTTTAGATTAATTTTTATGTA TAAATTTTATGTTATTTTCAAAATATCTTTAATTAATAAAGAGGAGAGAAGAAGATATAAAGTTAT TTTTTACCTTATTTAAACATTTTTGTGCTATAATGTTGACAGCTCACCGAATTTGAGTATTTTCCGTA AATCAATCCAAACGAGCATCTTCATCATATATTTTTCTTTCTTTAATTTGAACATGTTACATTTTGT TTTTAACAATTTAAACGTTTTTTATTTATTTATTGATAAATTTTACTTTCAATTTTATTAGTACCTAATC CAATAAATGAGTTGGAGTGAACAAATCATAAGCATCAGATTCCTTTACAACTCACTTTGGGATAGTTG GTATATTGTTATTTTTGAACTTCGTCATCAGCACAATAATTTCTAGGAACAGGTAGTACGTAGTGTGAT GTTAATCTTACTTTGGTTCAACATTTAATTAATACGTAGTCTGAGGATGATGGCCATGGTGGGAGGAGGA AGAAGAAAGGACTGAAGGATAAAAATAAAGAAAAGCTACCAGGGTAGGAGGTGAACGAAAAGATCATGCA CACACACCTACAACCACCACCCTACATCTTTGGTACTGGTGTACCCACCACCAGCCACCACCAGCCAC CCACCCTCATCAGCATGAGAAGAAGGCATAATGGAAAAGATTAAGAAAAATTCCTGGCCATCACACCA ACTGA</p>
CrDHN4	<p>ATGGCAGAGGAGAAGCTGAACAAGAGTCATGAGTACGATACCCTTCCCAATACTGAAACTGAGATCAA AGACCGTGGAGTTTTGATTTCTCGTAAAGAAAGGAAGAAGGAAGCCTCAGGAGGAGGTGCTAGCCA CAAAATTTGACAATAAGGTCAAGCTTTCCAATGAACCCGAGACCAAGCTCCAAAGCAAGAGGAGACAAG AAGCACACCCCTTTAGAGAAGCTCCACCGATCCAACAGTAGCTCCAGCTCTGTAAGTTTTCTTTCAAT TATTTTTTATGAGATTTGGTATGAAAGAACAGTCTAATGAAAATTTGAAGAGAGAGTACTACTCTAGTA TCGAGTGTTTGGATGTTGTAGTTGTAGTGGTATGTGCTGCTCATATGTTTATGCTTCAATTTATTAAT ATATTAATATGCTTGATTTATATGTTTTTGCAGTCCAGTATGAGGAGGAGAAGGAGAAGGTGGGGAG</p>

CrDHN5	<p>AAGAAGAAGAAGAAAAAGAAAAGAAAGGGCTGAAGGAAAAGATAGGAGGTGATGATCAACAAGGAACA GGACTGCTGTTCCAGTTGAGAAAGTGGAGGTTGATTGAGAGCACCCCTGACACTGAGGAAAAAGAGGGTT TCCTTGACAAGATTAAGGAGAAGCTGCCAGTGCAGCACAGAAGGAGAGGAGTGTCCCGACATCATCG GAATATGTTGCTGCACACACTGCTGAGACTCATGAAAGGGAGGCTAAGGACAAGGAGAAGAGGGCCCTTT AGATAAGATCAAGGAGAAGCTTCCGGGTTATCACTCCAAGCCAAATGAAGACAAGAAAAGGAGACCGGATA CTCATTGA</p> <p>ATGGCAAGTTATCAGAGTCAATACGGTGTCAAGGTCGTAAGACCGATCAGTATGGAACCCCTGTGACTCA AACTGACCAATACGGTAACCCCTGTGAGACAAACCCGGTGAACCCGGTAAGCAATATGGAACCCCGGTTACG GAGCTAACACTGCGGACACTGGCTCGGGTATAGAAAGTGAACCCACTGGTGGCTATGGAACCTCGCACTGAG GGTGTAGGCGCGGGTTATGGAACCCACTGGTGGCACCACCCTGGTTATGGTGCCACTGATTATGGAACAC CGGTGGCACCCTACTGGTTATGGTGGCACTGATTATGGCACCACCCTGGTGGCACCCTGGTGGTACCCTGTTATG GAAGTGAACAGGAAGTACCGGTGGCACTGATTATGGAAAGTGAACCCGGTTATGGAATCAACACTGGAGGT GCACATACTGATGCAGGATGTTGGGAGGAGCATCGTCATGGACATGACCAGTCTCATGGTGGGTATGATGC ATCGGGGAGCAACATCATGAGAAGAAAAGGATAATGGATAAGATCAAGGAGAAGCTTCTGGAACTGGAG GACACAACGAGAAGTAG</p>
CrSMP1	<p>ATGCAATCTGCCCGCCGTC AACACCCGACGCTGGCATCGTTGGCCGGCAAGACATATCGGACGTGGCTAG AGAGCAAGGCGTGAGCGTATCCCAAACAAAAGTGGGTGTGAACCGTGTGATCACAGAGTCCGTGGGAGGGC AGGTGGTGGGGCAATTCGTGGAACCTGATGTCCTTATGAATTCCTTGGTATGGCTCTCGAACCAAGATGCC ATAACCATTGGAGAGGCACCTGGAAGCGTCGGCGGTGGCTGGAGCGGGTGATAAGCCTGTGGACCAAAAGCGA CGCCGCTGCTATACAAGCTGCTGAAATGAGAGCCACCGGAAAGAAATGAGACAGAGATGGCGTTGGGTG CGAGGGCCCAATCAGCTGCCACTCACAACTCGCACTCCCTCTTACTTTTATAAAAACCACTTTGTCTCAT GTCTTGGCGGTAACCTAATCCTAACAAACTCATAACAACTCCTAATAATTTATATTAATAGTTGAGTAA TTTTCCATGTGAATGCAGGATGCTAAGGAGAAGTTGCCAACGGACAAGCATGTAACCGGTGAGGATGCAGAG GGTGTCAATGCTGCCGAGCTTAGAAAACCAACCCGACATGAAAACCCCTGACCGGGGTTGCTGCATCCCGT AGCCGCTGCCCGCCATTAAATCAAACCGCTACCTTACAATAATATTATAA</p>
CrSMP2	<p>ATGAGTCAAGAGCAGCCTCGGAGAGAGGAAGCCATCAAATATGGAGATGTGTTCAATGTGGAAGAGAGCT TGGAAGCAAAGCAGTGGCACCCGTCGACGCGAGCGATGATGCAGAAAGCAGAGACTGCTATGATTGGGAAGA CCGAAAAGGGTGGTGTGCTGCAACCATGCAAGCTGCCGCAATGAAAATGAGAGAGATGGCGTTGTTGGA CATAATGATATCACTGAAGTTGTTGCACAGAGTGGTGTGAGTGAATCTGATCTCCAGGGAGGCA AGTTATTTCCGGAGTCAAGTTGGAGGACAGGTTCTTTATAAAAACCTATCTCTTTCTTATTCTTTATTATG TATAGGTAATAATATATTTTTAAAAATTTAAAAATTTAAATTTCTAAAAATAACAGGTTTTGATTGCTTA TTTTTTTTTACATAAATCAATATTTGATAAATGTTTATCATTTTAAATGATAAAATGTAAAAATGATTTAT TTTTAAAAATTTGTTGTTTTAAAAATGGAAGATTAGAATTTAAATTTAAATTTTAAAAATTTAGGGTTAAAA ACATATGCTATCTTTTATGGAGTGGCTGTTTATTTAATCTTGTGTTGGTTAATGGTTTCGTAGGTTGTT CACACACTAGAGGAAAAGGAAAAGAACATTTGTAATTAGTTGAGGTATTAATCTTTCAAGATAATATCA TATACTGTACTAACCTAATTTAAAAAGTGTGTTTTTATATATGAAAAGAAAACAGAGTTTAAATTAAGTTGAT CGTTTTAAAAACTGTGAAAAGCAATTAATAAGCGTGTATTTGTAATTAACGTGTTAGGCACGTGATGGTGG ATGAACACCATGAATCAAAGAAAGATGTTATAATATATTTACCAATTTGATCCTCTCTTTTACATGTACA TTACCAACTAATTAATATAATAATGATACCAATTAACGAACAGGTGGTGGAGCAATTTGGGCAAAAGGTTG CATCGAATACGACAGTATGCCATCTTCTTCTCAAGACTTTGGGCTCAAGAGTTGGTGGTGGATCAACATA GGTGAAGCATTTGGAGGCGACGGTTTTGACGGCGGAAAGAAAGCGGTGGAATGGAGCGATGCGGCGGCGAT TCAAGCAGCGGAAGTGAGAGCCACCGGACGTACCAACATTTGTTCCCGGAGGTGTTGCTGCCGCGGACAA CAGCAGCCACCCGTAATGCTCGAATCAAAAGGACGAGGACAAGACCAAACTCGCAGATGTTTTGTCCGTA CGAAACTGAACCTCACTCGAACCTGTTTTGTTGTCGCTCCCACTGCAATGTGAGGATTAAGTAAAGTTGAT CATGGAGTTCACCTTTAGAATAAATTTAATTTTCTTTTTTATAAAAATTTTAAATTTAAATAAAAAATAT AATAGTTTTATATTTTAAAAATAATAATACATTTTATTTAATACTTATTTTATAAATAAAGAAATATAG GATGATATCAAAGAATAAGTCCGTTTTAGATAAATATATATTTAATTAAGTATTTTAAATATAATTTT TCTTAAATGACAAATTTATTAATAATTTAAGAAGAGGTTATTTGATAAATTTTAAATTTAATAA CATAGCTTAAAGTAAGTTTTTGGACCTGTCTTAATGAGCAAACTTCAAGTGAGATTTTGAATGGTAAGA ATAAATAATCTAGTCATTAATAATTTAAGATTTTACTTTATAGTTTTTACTTTGATTAATAAATCATT TATTTTATTTTTTAACTTAATTTTGTAAAGAAAACCTAAAATGACTTTTTTAAAAATAGAATAACGAAA GTTTTTTTTAAAAATAAAACCAACCGGAAAATTTTAAATTTCTTATCTAAAAATTTTAAATTTTAACTCA GAGACAACCCACTCTCAAGCTTAGGGGCAATTTGCTTCTCCCAAAAATATTTTTGTTTTATATTGTATGT ATATGAATTTATATACACAGCTGTTGCATGATCGTACTGTACGACCTTTTATAGATCCATCAGTATTTAA GGATTAATATAAGTTCTTTTTTAAAAATAATATTACAATTTATATATTTGAGGATGCGACTTCGA AATACCATCAGACAGACCAGCGACGAGGCGAGATGCTGAAGGGTAAACGGGTGCAGAAATGAGAAATGAT CCTAACCTCACTACTCATCCAGGGGGCTGTCGCATCCGTCGCTGCTGCTGCTAGGCTTAAACCAACCAA TAATAACTAA</p>
CrSMP3	<p>ATGAGTCAAGAGCAGCCAAGGCACCCCAACCCGCAAGATCCCATCAAATACGGTGACGTTTTTCGATGT CTCCGGCAGCTCGCAAAGAAGCCCGTTGCACCCGAAGACGCGCCATGATGCAGAGCGCCGAGACCCGTG TCCTCGGCCAGACCAAGCCGGGGAGCAGCTTCCGCCATGCAATCCGCCCCACTCGGAACGAGCAGGCC GGCGTTGTCGGTCAACGAGATGTCATGATGTCACCGGCGACCGTGGTGTACCCTCGGAGACTCAAGT TCCCAGGAGACGCATAATACGGAATCAGTCCGGTGGCAGGTTCCGGTTTTTCAGTGTGTAATGTGTTG TTTTAGGAATTTGAGTTGGATTATCATCTTTTATCTTTGCCAAAACCCATAAAGAAATAATTTTAAATCCT TTTTTTTTCTACAACCTTTTTATTTTTCAAAATAAATAATTTTAAATAATTCGTATCGTATTTTGAATAA TAAATATATATTTTTATAAGTACTTACCAGAAGAATTGATAGTAAGATGTATCAGAGTTTTGACAAGAAAT GGGATATACTGCCGTAATCTCTTTAAGAGTGAATTTATTTCAATTAATAAGCAATATATTTAAAA TAGTAAAAATAAATAAATAACATATATTTAAAAAGTTTACAAAATTAATTTTATAAACAATTTTAAATTC TTAATATTTTTTGTAACTTTATTTTTTGGCAATTTACATTTTAAACAACGTAACAGGATTTGTTTATATTT TTTTTTTTATATTTGAAGGTTGTGGGACAGTATGTTGAGCGGACTCCGGTTCAGGCGGGAGCAGCCGGT CGGTCCGAGACAGTGCATAAACATAGGGGAGGCGCTGGAGGCGACGCGGAGCGGCGGTTGAGAAGCCG GTGGATAAGAGTGACGCGTGGCGGATACAGGCGGCGGAGGTGAGAGCGACGGGCAATGATTTATAACCC GGGAGGGCTTGCTTCTATGGCTCAATCGGCGGCGCCTTCAATGCTGAATGCAACCGTACCCAGGAAAGG TCAAGCTCGCCGATGATTTGACGGGGGCCACCGCAAGTTGCCGGCGACAAGCCGCGCAATTTAAGAT GCTGAAGGAGTGGCGTGTGCTGAGGTGAGGAACAACCCAGATGCGACGGCCACTCTGTTGGCGTGGCAGC CTCTGTGGCTGCAGTGTAGGCTCAATGAAAATGTTAATGTGTGA</p>

CrSMP4	<p>ATGTTTCAACAACCCTATTTTGGAAAGTTCCTCACAATCTCTTTTCGATCAGAACAATGAGTCAATGGCCAGCC CAAGAGACCCCAAGCAGAGGATTCTTTTACTGTGAACCCATCAAAATACGGCGACGTTTTCAAAGTTACCG GCGAGTTGGCGTCCAAGCGATTTCACACAGGAAGCCGCCCATGAAAGCCGCCCATGAAAGCCGCGGATTAGGGCCGCTTA GGGACGCGCAGAAAAGGAAGCCAGCCGTAGTCAATGCAGGCGACTGCGGCAATCAACAGCGCTGCGGTGC CGTTGACGGCAACGGGGTCGCCATCAAGAAGGAAGACGTTAGTGAATGAAACAACAACCGCTGGCAACC GTATCATAACAGAATCTGTGGGTGGCCAGGTCCTCGGGAAGCGTGTGGACACTCACGCGCCTGTGGTCCCC ACGGATTTGGGTTCGCAGTTATAGATGGCGACCCGATAACTATGGAGAAGCTCTGGAAGCAGTGGCCAT AGCGGTTGGGGATAAACCCGGTGAACCAAAACGACGCGCGCTGCATCAGTGCCGCGGAGATTAGGGCCAGCC GCGAGAAGAACGTAAGGGCCGGTGGAGTGGGGCATCGGCACAATCGGCAGCCACTCTCAACAGCCAGCTC ATGCGAGTCCAAGATATGACAAAACCTTTCTGATATATTAACGGTAACAATACTCTTCGACCCAGTCTTCAA TCTAATATTTGACACGGAAGTTACGGAATAAAAAAAAAAAAAACAGTGAATTCAGGAAGAAAAATGAAAT TAAATAAAAACTTAGAAGAAAAAGAAATTTGAAATTTAAATAAAAAAGAGAAGAAATGAAATTTTTTAA TTTGAATATTAATGCTAATCTTTTGAAGAGAAGAAATATTTAACTTTTTTTTTATTTTTCTTCCCTTA AAATCTTTGGTATTGTAATATTAATTTCAATTTTTTATTTTATAAAAAATTAATTTAATCTTTTACTTTAT AAAAAGTTTTATTTCAAATCATTGTTATTTTTGTTGTTAATTTTTGTTAATTTTTTAAATTTTCCAAATAAATAT TTGTCGATTATTTATGGTAATTTCTTTATCTATTTGTTATTTATTTTCAATAATTTTAAATTTTTT TTATAGTTTAAAAATTTTAAACATAAATAAAGTTAATTTAAATAAATAAATAGAGATTCTAATA AAAAATTTATAAAGTTAAATAAAGTGAATAGTATGAATACACCTAAATAGTTAAACATCAGTCAAAAC TTATAAAATCTTGCCTAATACGACGGCGGTAATTAGAAATATTGGCTCTAAAGTAAAGAAATTTCTTTT TTTTTTTCAAAAACCTTTGGAATTTCCAAAGTTGTGCTGGATCGGATCAATTTGAGTGAATGAAAA GCTGGTAGTGTCTATTTTTTCTCTTTACAAGATTTAAATTCGAAATATGAAATAAGGTCCATATTTATCA TTAATCAGCCAGCGGAGGTACGTTGGCTAGAAATTAATTAATGTGTAACACTTTACATACACTTTATAT CAGTTGATTTAAATAAAGTCAAGATATTTAGTGAATTTGAATGAAATTAATTTAATAAATAAAGT TCATAAAAACCTTTGTTATTTGTAATTTGGTATAAAAAATATGACTTCAAGAAGTGTAGTGTCTGATATGT GTCATTACTATTTGAAATGGGATGGTATTGTAGGATGCGACGGATAAGCTGGCCATGGATAAGGGCGGTGA CGCAAGAAGATGCTGAGGCGGTGTATACAGCGGAGATGCGGTTTCCATGGCGGGGGATGCAACGGACGTG ATTTCTGAACCCGGTGGAGTGGCCGATCCATGGCCACTGCAGCAAGCTGAATGAAGAAAAATGA</p>
CrASR1	<p>ATGGCTGAGAGAAAACCCACCACCTCTTCCACCACAACAAGGACGAGGATAGCCCTATAGA AACTGAGAGTGGTTACAACAAGACTTCAAATACACTAGTAATGAACCTTCCGTTGGCTATGACTCTGGTT ACAACAAGCCATCGTATGAGTCTTCTGGTATGCCTATGAACTGGTTATAACAAAACATCATATGACACT TCTGGTGGTGCCTATGAACTGGTTACAATAAAACATCATATGATTTCTTGGTGGTACCTATGAACTGG TTACAACAACAAGCTTATCCACTGATGAGCCTTCTGCTGGCTATGGTGGTGGATAGATACCTGACACCA CTGGTGGTGCCTACACCAAAAAACCGGTGAATATGCTGCGGTTGGTGGCTATGGCGATGATAGTATCGA CGTATGATGTTGACTATAAGAAGGAGGAGAAGCACCACAGCATCTTGAACACCTTGGTGGTGGTGGT TGCAGCAGCTGGTGTCTATGCCTGGTAATTTCTTTACTAATATTTATTTTCTATCTTTTTTCTCTA ATTACGATTACATAAATAGTAAATATTTTACAAAATTAAGTGAAGTGAAGTGAAGGACGAGGATAGCCCTA AATCTAAGCACTTCAATGTTTACATGGCACAACAATATTTCAATTTGTTTCTTAATTTTTGTTTAAATAG AGGCTGCGTGAAGTGAAGTCAACCTTCAAGTTCAAACTCTCGTATATTTGTCATATATATTTGAAAA GGGCTAATCAGTTCTTAAAGAAATCCCAAAAAAATCAATATGTAACATATGATTAATAAATAAATCAAT CCATCTTTTAAATAAATAATCGTTAGTATATTTGTCATTTGATTTCCATATGATTTTTTTTATTAACATA TATTGGCAAGACCCTTATATTTTACGTGAAATTAGGCATAAAAAATTTTACAGAAATAAATCTTATCATG TTAAATTAACATGGCAAAATAGTACATTAATAATTTGATTAATCTCTATTTTAAATAATATAAATAGGT GAGATAAATGCTAAATTTAAATTTTGCCTTATGATACTTGGAAAGCAAAATTTAAAGTGAAGTGAATGGC TTGTTGGTGAATGGTTTGAATATATATAGCATGAGAAGCAAAAGTGAAGAAAGCCAGCAACCTGACCATG GTCACAGGCACAAGATAGAAGAGGAGGTTGCAGCAGCGGCTGCAGTGGGAGCTGGTGGCTTTGCCTTTCAT GAGCATCATGAGAAAAAGGAAGCAAGGAACAAGATGAGGAAGCACAATGGAAAGAAGCACCACCCTGTT TGGCTGA</p>
CrASR2	<p>ATGGCTGAGGAGAAAACCCATCATACCACCATCACTTTCACCATCAAGAATGAAGAACAACCTGTTGA AACTACCCTACTCCGAAACCACATTTGATGTTGCTGGAATGTGGATGACTATAAAAAGGAAGAGAAGC ACCACAAGAATCTAGAACACCTTGGTGAATGGGAGCAGCTGCTGCTGGTCTTATGCTTTGGTGGATAT ATGATCATGATTAAGATTTTTTGGTTTTTTTGTATTGTTATACACTTGTAAATTTGATGTGAGCAATTTTT CATTTGGTTCGATTATTAATTAATTTATTTCTTCTGTAATTTTTAAATTTTGAATATAGTCTAAAAATTT ACTATTTACTTGTGATATTTTTTACAATGATTAACATATATTTACATTTTTTTATTTCTCCGCCCTTTAT TTTTTTTTCTTCAATCACATCACTGATCAGTCTTTTTTTTTAACTTTTTTATGACACTTAATTTTTTT TTTTCTTTTTTAAATATCCAAAAGAAAACCTTCAAAGTCTCTAGATTACTCAGTTCACTAAGATGTT ACATACCCAATGAGTCCCTGCACCATACCTTAGCCTAGTTACATCTCATCACTTACCTTGAACCTTT TCTAAACATTGCAATGAAATTTGATGAGACTAACAATAATAGTTTGAATAAGAAATAAAGTATAACTTGAT TATCATTTTGTATCACTAATTTTTCTACAATTAATAGTTGGTAATTAATAATTTCTTTAAACCTTAAAA TATTATTATCACTTGAATATATGAATTTTTTAAACCGAATCTCCCACTTGAACAAAACCATGTCC ATACAAGTACACATGATTAATTTGTTAATTTCTTTTTTCAATGTAACATTTGTAATCATTTTTCCATTTGG TTATGAGGGGGGATACCAATGTTAAATAAATGGTGAATTAATTTGTTAATCTTTTTTATACATTAGCAT GAGAAGCACAAAGGCAGTAAAGATCCAGAGCATGCCATAGGCACAAGATAGAGGAGGAGATTGCAGCTGT AGCTGCGGTTGGGGCTGGTGGGTTGCAATCCATGAGCATCATGAGAAGAAAGAACCCAAAAACAATATG AGGAAACACATGAAAAGAAGCATCATCACACTTTTTTGGTGA</p>
CrASR3	<p>ATGGCTGAGGAGAAAGCACCACCCTCTTCCACCACCACAAGATGAGGATAAGCCTGGCTATGTTGATGA GGTTGATTATAAAAAGGAAGAGAAACACCACAAGCATCTTGAACCTTGGGGAACCTAGGTGCTGACGCTG CTGGTGTCTTATGCTTTGGTAATTTATATATCTTTGCTGAATACTATTTGTTCCACTCGCTTATCTCAAT TCAACATAATTTATTTTGGTTAGATAATTTCCCTTTTATGATATATTTTAACTTTTAAAGTGAAGT TTCGATAAAAATAAAAATAAATAAAGTGCACAACTTTAGCGATCTAGGGAAATATATCTCGCTCATGCATCT CTGAGACTTGGGCTTGTGTAAGTGTAAATTTCAAAAAATTTTAAATCTTTTATCATTTGCATATAAA AGTTATCATGTGTTTAAATTTGGGACAAGATCTAATTAATCCCTGAAACATGTGTACCAATAATTTCAAT TTAGCTAGCGGAGTATATTTCTGTGCAAAATTTAATCTTGTGAAACTTTGATTTGATAGCTAGAAATAC CAAAGTTGTGATAGATAATATTTTTCATGAGTTGATTTGATTAATGTTAATAAATAACGTTTAA CCATACATCTCGTACACTAGCCAAGTGTGATTTTGTCTTAAATTAATTTGCTGAGTGTGATATCT TCCACTTTTTTCATGACGCTTAAAAATAAATAAATAAATTAATGGATTTATCTTTGTTGCAATATTTTTATGATA GCATGAGAAGCATAAGGCTAAGAAAGAGCCAGAACATGCTCACAAGCACAAGATAGAAGAGGAGATTGCGG</p>

	CAGCAACTGCTGTTGGAGCTGGTGGTTTTGTCTTCCATGAACACCATGAGAAAAAGAAGCTAAGAAGGAA GATGAGGAAGCTCATGGAAAGAAGCACCATCATCTGTTTGGCTGA
	Promoter (ATG upstream1000)
CrLEA1-1	CCGCAACGACAACACTATATCTTCCAATCTACTCTAAAAAATTAGAGGCTTTCAAAACGTTGGCAGCGGTAGCA GTAGACACAAGGCAACCTAAAGATTATTATTGGGAAGCTTTGGCTTGCATGAATAAATTAGAACACTCAT GCTTTAATATTAATTTTTATATTTATATTTATCTCTTGAAAAAATGTCTTGCCTGTCTGTCTGCTGGTAA TTAAGTACATTTTCATTTGATTTTTGTTGATAAATATAAATTTATTCATTTCTATTTTTTATTACTTATTA TATATATATATAAATAAATGCATCCTTATTTTGTACCCATCCCATTCATTCATGAACAATAAATTT TAGTTTTCTCATCTTCTCGTAACCTTTAACTTTTTCTTTTCTTTGAACCTAAAACCATCTTCTCAGTAG CTATCTCTATTTTTGAATGCACCTTCTCTTATATCTCTCCACGCTTCTTTCGTCACACTTCCCTTTCTAA AACCAAGTTAACAATGTTTTTATTTCACAATTTTGTGACTTGAGTTCATTTTCAGACGAATTTATTAATCA CGAGAACTTTAGTATTCTTTATATTTTATTTGACAGAGTAATTTTTAAAAACAACGTTCTTAAACATGCTC AAGCAACCAATCTTCATTTATCTTCAAAATTTTCCAACAAAATGTGGAGTCTATTAATTTTATACGTAT TAGCAAAAGAAATTAATTAAGAAGTTTTAAGAATTTTGAGATACATGAATCGATTCCAACGTTTCGTGACAAA ATTTAATTCATCTTGTATTATTTTTCATAACTAGACACAAAATAACCCCAATACAAGTGGTGTGTTGTC ACGTGTCCTGATTTCCCGAACTGCGACGCGGTCTACTGTTTACACAGAGTTGACACCCGCAACCC GGCAATACGTGTCAGATGTAATTTCAATTAACCTCAGAAAATGACACGAGTAACCCCATTTGACACTTGTG CAGAAG
CrLEA1-2	TAATGAAGTTGTAGGAGCAATATTAAGGAGACACTTGCAATGCATTAGAGTGAAGAAATTTATGCAATACG CTATCATAAAGTGTCTCTCCATTGTTAATTTGTTTATTGGAAATTTTTTAAATGGGTATCCTATTCA TTAGTCTTTTAGTTTAGTAATCCATTGTCTGTTGCTTTTTAAATTTGTGACAATTTACTTATACATAAATGAAC ATGTAAGCATTTTTTTTTTTGAATATCTAGTCATCATTGAAGAATATCTTATTAATGATTTTAAAGTCTT GTTTGAGTAACTTATATTTCTCCTAAATAAATGTTGATCTAATGAAGTTTGATAACCACAATATAGAAAA TCTTAAATCTATTTACATTTGTTTATTGTTTGTGATACACATGATTTTCGTAATCTTAACCTCAGAGTTG CTCAAAATTTTAGGAAAGTAAATCATTTATTTTTGGAGGAAATCATTTAACAACAACGTCAGTTTATTGTT ATGAACCCAAATTTATGCTGAGGGTTCAAAATCCAAAATAAATTTACGATTTAGTCTAAAATGGTTCCAAA ATAAAAAATAAAAAATAAGATACAGAATAAATCAATATGGAATAAATAAATAAAAAACAATAAAAAAG AGAGAAAATTTGGAAAGTTAGTTAAGAGTTATATAAGTTAGTTAAGGTTAGTTAAGAAATTTAGGATAA AAAAAATAAGAGCAAAAAGAGAAAAATAAAAAAGGAAAAATTAATTTAAATAAAGAAATATAAAAAACA TAAAAAATAAATCATAAATGAATAGAACATAAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA ATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA GAAAGGAAAGGAGCCCGCCAAAATTTCTGCTATAAAAAAGGTTGAAATCTGAAAAAATAAATAAATAAATA AGAGCG
CrLEA1-3	TTAACTATGATACAAGTTATAATTTTTCTATTTTTTAAATAATTTAACTTCAACTTATAAAAACCTATTTT AAATATCTAAAAATAAATAATTTTTATTTAAAAATAAATTTATTTATATTTAAAAATAAATAAATAAATTTTAT CATAAAACTGTTTTAAAAATGGTTATTTTTAAATTTGCTTTTTGCTTTTTAAAAAATTTTAAAAAATTTA TTCTTAAAAATTTGTTTTGAGAAGAAAAATGAATGAAAAATTAATAGTACATGAAAAACAAAATAACAAA AATAAAAAATAAAAAAGTAAACAGTTTAAAGTTATTTATTAATAAATGTCAAAGATTTAATTGATTA TGATTTTTAAATTTTTAAATTTTTAAAAAGTATTTTTGAAAAACAAGAAACAAAATAATTTATAAATTTTAT TAAAAAATGATCTTTTAAACATAGTACTAAAACAACACTAGCACTTGAAGGCGAATAATATCTTTTTAAAAAGTG ATAAAAAAGATGAGATAAAACTATAAATTAAGGTATAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TTAAAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TTAAACTTTAATAAATCTGTGTCAAATTTAATTTAATAAATCTTTATCTAAATAAATAAATAAATAAATAA ATTGAGCGATGATTTATGTCAGTTTGTATGAACGTTGGCGGCGAGTTGATGGGAATAGCTCTGCATGTTGA ACAAGTGTGCGGTGCCATGCGCTGGGCTTTGCTTAGCTTGCTTTGCCCTCTTCTCTTTCTTTCCCATATA AATCGTCCCTCACTCCAATCTTATGTCAAAGTGGCCGAACACTCCAACCTGTTTCATAGAAACACATAAAC ACAACG
CrLEA2-1	CCAGGGCCCTCTACCCAAAGTTTTCTCCTTTTTGTCAGTGTTTTTCCCCCTCGTTTTTTTATTGATGCACGT TTGGCCCTTTTCATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA AGTTTAAATTTTTTTTTCGTGAGTGCATAATATAATATGCCACGAGTTCCGATGCAGTTGATGATAACAAAT TCAACAATTTCTTTTTTAAATAGTTTTTGGTGCATAAATTCACAATAATTTAAGTCAATAGGTTACGTTGGG TTTTATCTGATTAATCATCACGGCACCCACATACCACACCCCATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA GAACCTTCTAAACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TTATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AAAAAATTTATTAAGATTTTTATTGTTATTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TTATTTAAATTTCTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TGTTGGGTTAAGACGATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TCATACCAATTTATACATGTGCTTATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA GCACAATCTGTTCTAGACTTTGATGCAAAATAGTATTAGTAGATTTCATATTTCTGTTGGTGCACCAATG TAGCTGTCGCTGTCGCTGTCGGTTTACCTGGTCACCTTCCCATTCACCTTCTCTTCTCTCACTCTG AAAAAT
CrLEA2-2	ATTTTATAGGTAACTTTTATTTTATATATTTAAATTAATAAATTAATTAATTTAATAAATAAATAAATAAATA GATTTTCACATAATTCATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA AAATTTTATATTTATTAATATCAAGTATTTGTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGATTTGAT TTATCTCCATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TATTTGAATGCTATTTTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AGGATTAATCGATCCTTTGATTTGATGCGACTGTACTCAACCGGATTTTATATTTTTTGTGTTGTTTT TGTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA CTGACTCCATTTCTGCCACCACTCCAACAGCGGATAGTCAAAAAGTCCACTTCAAGACAAAATAAATA GTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AATTCATCTTTGTCAATAGCAACAATTTTATTCACATCTGACAGCTAAAGGTAATAAATAAATAAATAAATA AGCAGTAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATACCAAGAAATTTGCAGTTTCTTCTTTTTCTTAAACCATTGTTGGGTTTGGTTTTGCTTCTCTCTCTCT

CrLEA2-3	<p>ATATTATGTGCATCCACATCCACATTCACATCCTGCTCTCAACATAATAAAACACATCAATTCCACCACCG CAGGCC</p> <p>ACTGAAAACAGCCCTTTGTATGGATCTAGGGTAAAATTCAGCCCAATGGGCCAAAATGATTGTTATTTTT CTTAATTCAGTAGTGTAAACCATTTTCATAATGACAAAAATTTAGATGTAATATATATATATTTTTTGTGTTA TTTTTATTACAAAATAGTGTTTTATTATGGTAATCGACATATTAATATCAGTATCTATACAAAATCATG AAAAGCAGTCAATGACGGAAATAAAACCGCCATAAAGATCGGTGTAGCATCTGTTTTGACTGATTCAC CAATTAAGGGAAATCATCGGATGGATATAATGGTGGAGTAAAATTTATGGTAACTGCTAATGTTAGAATTT TACTAGGAACCTGGTCACTTGATTTTTATTTTTTCAACTCCTCCTCCCTCTGCTGAAGTGTAAAGAAAAT CATTTTTCAAATGCCAAGCTGGGACTTCATGACCAAATCAAATATATTTAATTTGTCATACTCACACCAGGC GAAAATCAATAAGATGGTGGTATGAAACTTGGCCTAATTTAATTTGTTATAACTCATTTGCTGATCTATCA TTCTGCATTTCAATATTCATTTTAAATGAGGCCGATGTATCTTTTCCGCAAGGCTACTTCTAGAACTCCT CAAATCACTTGTCTTAAAGTATCATCTCCATTTTAAATAGATATCCCAAATAAATTTTCACTATTCCTTT CCCATCAATCCAAGCAAGACCCACCAATTTAGTCAAAGTCAAGCCGTGCCAATACTGGAAACCGGTATAG GAAAACATCAACCATAGACTGACTCCATTTCTTAAATGCATATAAAAGTCAAGACACGTAGGTATCATA TCAACGTAGAATCAACCATTTGAAAACATTTTATTATGGAAATGGATCTAAATACCCACTACCCCATTAAT GACTAATAAACCATAAATGTATAGTAGCATCAAATGACCACACTAAGTTAAATTTGAACCCACCCACATTT TCAGGT</p>
CrLEA2-4	<p>TTTTTTTTAGTGTACCATGTGATTCATATCCATAGTTACTTTGAAAAGACATTTATACGAGGGGGCCCT TTATGTTTCTAGTAATTTCTGCCTCGATGGACTAATTTACTTTTCCAGCAATAGGCCCTCTTCGCTTCGGC TTCTATTCGCCATTTGTTTTCATCTGTATATAACCAACTATTAACAATGAAAATTAACACGGAACATAATTC TAATGTTATATTCGAAAAAATAAAGTGTATTTCTTGAACCTACATGCAGCTTACATCTTAGTGTCTGAAA GATTTGCCCTGTGTTGGGAGATCTCTTGTTCGTAATGGTTAAACATTTCTTATAATTCATTTCTGCTGTA ACCATATTTATGTACACCTACGAAAAATATAAATTTGTTCCGTAAGTGTGATGAACCATATTTATGTTGAATTT GTACTTTAAATTTGAAAATGCAATGATAAATCAATTAACATTAACCTTTAAAGCGGTGAAATTTACTCACTGA AAATATATAATAACAAAAAATGTTCTGGTAAAAGCTGTATTAATTTAGTATAATAATCGTAATAAACTTT AAATGCAAAGTCAAGCTCTATTTTATTTTATAAAATATGAAGTGTAAAAGCTTTTATAACTGATTTGAGA TTACACTTTGTTGGCCCTTATAAAACAAGGGCAGAATTTGCTACCTAAACAGTATAAAGAAAAGGGGTA GGATTTAAGTGTGCAAGTTTGGTATTTTCTTTTTCTTAAATAAAATAACGGCTAGGATTCGTACTTGT GGGAAGCTTAGGCCATTTAAGAAAATTAACATGCAGTATCTAATGCTTTGAAGTGTGAGAAAGGAAGAT ACCAAACCTTCAAGCCAAATAGTGTAAAAGAACCCAATTTATTTCCCTCATTGCTCAAGCTTCTCAAGCT AAAAACTTTCCTTCAACCATTTATCAGTAGAATCAAGAAGCATGTTTTAGTCCCTGGTTGATGCCATA TTCTCT</p>
CrLEA2-5	<p>TATAGGTGGGATTTATTTATTTTTTATATATTTGAAATCGTTGTTTGTGCAAGTACCTCTTCACATGTGT GTATCACTTTATTTCAACAACCTGAGGTTAGTAAATCCGTTCCAATGTTTTTCTAATAAAAACCTTTAGATT CCATTTATATAGAGAAATGTTAGTATAATATATTTCTTTTAAACATACTAATCAACAATTTTTTAATATG AATAGTTAGTTTTTTTAAATAAAATATAAATTTTTTAAATTTTTAAATTTAAATTTAAATTAAGATTA TAATAAAAAATGTGTTCAAGAGGATATATTTGTTAATATTCCTCTTTATATTTGTAATGAAATGCAGTTTGA TCACCAACAAAAAATAAATCAAGTATCATTGAATGTATCCTGTAAATTTATGTAAGAAATATATCTATTGT TTAATTTACATAAAACAATGAAGTAGGATGACGCAATATAAATAAAAAATAATTTAATTTTCAATTTCTGT TAAAAGTTATTTCTTAAATTAAGATGAAGTATTTTTTACAATATTTTATATATAAATAAATAAATATAT TTTCTATCATATTTATATTTTTTATTTATATAACTTTTGTAAATTTGTATAAATAACAAGAATAGAATTTCT CTTCTCTTTTAAAGTATCTTATAGTTTTTATATGGTATTTGGTATCAATTTATAAAGTCTCAATTTGCTAGAC ACACAAAAGGGCGAATGGAAAAAATAAATAAATAAAGGTTCCAGCTTAAAGTATAACAAGAATAAATAAAT ATCTTAAACAACCTACCATACATACAAACCTTACCTTTTGTAAAGTACCATCACATATGATTTATGATT GTTTAAATACAAAAGTTACTTAATAATCTATTTCAATTTTAAATTTAACGATTGGATAATTTTTTTATTTT TTATAAAAAATACGAAAAAGAATCATAAATCTATAAATATAGAATATTAATATATAGGATGAAAATAAATGT AAGGTA</p>
CrLEA2-6	<p>ATTAAAAATGTTCAAGAAAATATATGTAATATCTTAAATTTGTGACTTGTGTACAGAAGATAAAAAATGA TTAAAAATAAAACATGGAGAAAAAGTGTGACCACAAAATCTTGGAGCTTGTAAATGTCTAGCAGATCATG CTGTCAATTTGAATGCAAGTCTTTATTTGCAATCATATATTTGCGTTTCATTTTGTATTTTTTTAAAAAA TTATACTAAAATATCGAAACACAGTATTAATAATCTGTCCAATTTGATTTGAATTAAGTAAAATATATC AGATGAATAGGCTCTTCTCATCAAAATTTACCAGAGTTAAATTTTTAAGAATTTGAGCTGAAAACATAA ATTAAAAAAGTCCATTAATAATGACGATGGCTCTAATACGATGTTTATTAATAATGATAATGATTGAGA GTGAGAGACGAGAAAAAGATAGAAAAATGGCAAGTATATAGAAAACGTTGGTGAAGAAGGGATGGAAAA CGAGTGGACCAATGTTACTGATAATTTCACTCAATCACATGCTACGAAGGCAACAAATCTCGGAAAGAA ACAGAGTAGAGCGAGCGAGCTGTGTGTAAGATAAGCAAAAATACCACCTGGACACAGCACAAACCTTG ACTTGGCATCCAAGTTTTTATAAACACCAATTAATAAACCACCAAGGTTAGATTAGGATTTAGGATTAG ACAATAGACAGATAGAATAGAATAAACCAAGAAACCAATCAAGTAAATGAAAAGAAGAAATAAATAAAT AAATAAATAAATAAATAAATAAAGAGATTTCCAATATTTGGTGGAGTGGAGCATCCACTTTTGGTTCTGGG TACCTATCTTTCCCTCACCTCACTCTTCTCTTCTTTTCCCTCTACAAAAGCTTCATCTTTTCAACAACC TCTTCTCTCACTCCCTTCCCTTCACTCCCTTCCCTTCACTCCCAATACCACCTGGATCTCATTTCATTTC ACCAA</p>
CrLEA2-7	<p>TAGTATAGATTTTTAAAAAATTAATTTAACTTAAAAAATTTATTTTTTATTTTTTTAATTAATATATATTT TATTTTTTATTTTTAAAAATATTTTCATAAATTTAAGATTTTTCAAACAATAAAAAACATAAAATAAAAAAT CCTCTCCATATAATAACAATAACAACAATAAATAAAGAAAAAATAAATAAATGTAACCTCATAAAAAAAT TCTTTGCCATCATTTTCTCTAACCATAGGTTAGTCTTAGTTGGAAAGAACTCCAAGATTTCTTTTGGGA ATTTCTGAACCAATAACAAAAAGGCCTAGAATGTGATATATTTTTTGGGCTCAACCCAGGATGTGATCTA TCATACTATTAACAAGCATACCTCAACCGAAGGCCGAAACAAAAAGAAGTTCCAAGATAGGGATTTTGTCTT GTTGTCCAATGTTAGGCCTTAGGCTTGTATTTATTTCTTTTAAAAATAAATAAATTTACTCTTAAATGCCATCT TACTTTTTTCCCATTAGGTGTGATGTAGAAAATCAAACCTGTAATATGATGGTTAAACTAAAATTTTACA CTGATAGCAGCTGAGTTACAACTGATTTGATGGGTGCATGATGATAGCATATCTAATTTGATGAGATAT ATGTAAGGTAATTTTGGAAATCTATTTTTTGGGGTTTTTATTTTTGATCTTGACGGAGATCCAATTAGAAC CGGATTTCTTTTTTTAACAAGAAAGAGTTGGATAGAATAAGAAGATGTAATAAATGAATGTTAAAGTGACA AAGTTGACCCGTTAAAAGTAATGATCCCAACCTAATATTTGGGATGTATCTGAGTCTCTCATTATTAACGA AAAGATGTTTACCATTTCTCTCTGAATCGCACATTTGCTGTGTCATGGAAATTTGCATAGACTAACGCCA CTTTGATGCCCATGCAACAACGTCCTTATTTGCTCTCTAATAACGCCCCACATTTACTGCTCCCAT</p>

ACTTCC

AATTTAGTGCTAATTACTTGAAAGTTATTAATATCGAAGTTCATATGAATTATTAAGTAGATTGTGAG
TTC AATT CAGTTGGCACC TTTATTTTGGCTAAAAATGC TCAACAAATTTCTATCTAAAAATATATATAT
TTTCATTTTCAGTAAATTTATGCGGACCAATATTGCGCCAAAAAGAACAGGTTGGATTGGGACAGTTAT
TGCCACAAATTTGGTTCTTAGCATTGTATGGCAGTCTCAATCATCTCATACACAAAAGTTTGACAGTGAC
CAAAGTGTTTTATGAAACAACCGTAAATACCTTAATACCTTAACATGACTAGGTTACATTATAGGCTTTC
TACAGCTCAAGTGTGAAC TTTATGTTGCTGTTAATGTGCCGAATGTTTTCTGGCGATAGGCTAAAAAGCTT
ATGTTGTACACTGAACTTCGCTCCGCAATTCATTGCAAAAGATTAAAGAAAAACAACTTGTAGAGAAA
GTGATTGTGCTTTAAGGTGCACCTAATACC GGTA AACCAAAT TATACGTTAAAAATAGGCCACTTTGTG
TCCCAAAGTGCATGCATATTTCAAGGGGCGTTTTCTTATCTTTTGATGGGTTTTATTGTTTGCATATTACA
TTCGTTCACTAATATGTTTTCTTGCATGTTGTATTAGTAAACCATTACTATATCCTTTTGAAAAGAAGGTG
AACAAAGCCTAAAAATTTGCAATTTTTCAGTAAATTTAGTGCTGAATTTAACCACCCTAATGAGATGCGTG
TGCGTGTGCAATTTTGCAGAGTTTATCATTTTAACTTTGATAAATTAATATAATATAACCACTCAACACAGGGAT
GGCCAGTGGTGCAGTCAAAAGTATGGTAGCAGGCATAAATTTGTTGCTTCTGCTCTCTTTATAAACC
CCTGACCCCTCTTCTTAAAGTTGTAACATCCCTCCTTCAAGCTTCAACTCTCTCTTCTTACTACTATT

CrLEA2-8

TTACAA
TAATATAAATATTATGTCTTACAAAATTTATATTTTTACTATTTTCATTTTAAATTTAAATAGTCTCTTA
ATTAATAATAATAATTTTAAAAACATATTAATTC AATTTCTTAAATTAAC TACATCCTTATACAATCAA
ACATATTAATAATAATTA AAAAATATAAAAAAATATATACTAAAAACATATGCTCATCC TCCATCCAAAT
AATTTTAAAACTTAAAGTAAATCTAATTTGTTTTTATTTGTTAAAAAGAATGATAAAAATTTAAATTT
ATAAATTTTCAACTTTTGCAGACTTAAACAATTAATTAATTAATTAATATAATAAATTTTACTTTAACT
TAATAATAATAATAACAACTTAAATCTAATATAGAATATTTCTAGGTTAACAAAAAATACC GATTTCAAT
TTGGTCTTATTTAATTTACTTTAATAAAAAAATTTCACTAATTAATAC TTTGTTTCATCCATCAAGTATGC
TTAACTTATCTAATTTTTCGAACAACTTTACGTTCAATTTCCATCTTCAATTAATTTCTCGTCCCTGGATC
TATCTTCACTAACATACTAGATTGATGATGTTTTCAAAATTCGTAATAAATTTTATCATTCAATATG
TAAAATTTATGTTATTTACTTATATTTTAACTTTTAGGTGAAACAATTAATAATTTCTCCTTTATATCATT
TTTTATTAATGTCATGATTTGAGTAGATTTAATCTTATCTTAAAAAGTATCTTAATTAGATT CATACAT
CATCTAATTTCTTCACTTTAAAGAGTTTGAAATTTAAAAAATAGTCACTCAAAATTTTATCAAATGAG
ACATCCTCTTACAACATATGTTAATCATGTTATTTGATATAAAGTTGAGTTATACACGTA CTTTAAAG
ATTATATAATAAATATTTAAAAATTTAATAATATCTGTCAATAAATAATACTTAACTTGAATAAAGA
ATAAAC

CrLEA2-9

TATGCTTTCTAATTAATTAATGTGATTGATATGTACAATATACTGTTATTGGTTTGATTGTCAACTTAAT
TGATATGAATCTAAGTGAGATTAAATTTCTTTCCTGAAAAGCTGTAAGTTTGATAAGTTTCATCTTTTTC
ATCTAGTAATTTTGGTATCAGAATCAACTAAATCCCTACTAGCTCAAGTCGATTTCGAGTGATTTATGTGC
ATAAGAGAACAAACTTTTCAAGCTCGTATACAGTGAAGGACTTCATTTATAAGGCAGACAATAAAAAATA
TGCTGCGGAAAGCATGACAAGTACACTTTTAAATAAAAATGTTCTTTGTAACACTAAAATAAATAAATCTT
TATATATATATATATATATATATATATATACACAATATAAAAAATTAATAAATTTGAACATAACTCTTATC
TAAAATTTATTTAATCATCAATTTATTTATGTTTACCAATCTTAAATCATTATACGTAACCTATTTAGAAA
GAACGATTTTAGAAGGAAAGAAGCAAAAGGCTGAAC TTTTATTTAAATAAATAAGCC TACTTGATTTT
TTTTATTTTTTTTTAATTTAATGTATGTGAATTTTGTCTTTTTAAGTGTTTTCAACAATTTAAATTTTTT
ATTTTTTAAAAAATTAACGAATTTAATCTTTCAATTAATTTTTAAAAAATAAATTAATAAATATATATTTTA
AAATCAAGAATAAAAAATTTGTGAGCCCTTTCTTTTCTCCTTTACAAAACCTCCCTCAATCGATCTTAAAAA
AATTTGTAATGTAAATATTTTAAAGAAAATATTTACCCTCCATCCTATATATCTGAATAAATAAGTTT
GATGATTAATTAATAATTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT
AATGAATAAATAACTAATTTATTTGTTAATTTAGGCAGTGTGATTGATATCTACCAAGTATTTAATTAATAT
TCGAGT

CrLEA2-10

TATACCTTCTTCTTCTTTTGTAAAAGCCTATTGACCAGCAAAGCTGTCCTTAAAAAATAAAGGAA
ATTATCATGTAATGCCAAAAAATGAAAATTTATATAAAAAGCATGGTTTGATTTTTGTGTAAC TTTAA
TAATTTTTCTTATTTTTTAATCTAATTTTTACCTACTAAAATACACCACATCACTTTATCCTGGATTAATA
TTAATTTTGAATATTAAGTACTATTTATCTGAAAAAATCTTTAGTTATCTATCAAGTAAATTTAATTTCA
GTTATATTTGAATGCAAAATGTC TAATTTAATTTTTTAAAAAATAAACCATTTAATGGATAGAACA
GAATAATTTATGCCCTATTCATTTCTTCAATTCACAATCATTATATGCCCTATTAATTTTTAAATTTAAGAG
AATTAATTTTACAATGATAAATAAATAAAGAAATATAAATAATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
TGGAGGTAAC TATTTACCAAGCTTAAACTTACGCCATCTAAGCTCAATCAAGTAAATTTACCTAAGGTT
AAGATCTAATTAACAATAATACGAACATAATGTATGAACAGTAGTCCATTTGATTTGATTTAATAATTTAAA
ATAAAAAAATAAATTAGACGGCTTACATTCATATGCAAGTCACTGTATATACCTGACTCAAACCTTTTCAG
CTATCAATGTACATGAATAAAAAAATTTGAATAGGGTGGAAAAGGTTAGTGAATGGCGTTGGAATTTCAA
CATTAGACACAGAAATTCAAATTTGTTGAAATTTGAACTTATGCTACTAAAGTCAACTAATTTTAAAGGAA
ACAGGCCACACTCACACTGCTACCTGCACAGTCACTTACATCAATTCCTTAGGCCTAAAGTGAATGAT
AAATGAAGCAAACCAAAACAGAAATACACACAATTTGTGTTCCCAAACTAACCTGAATTTCAATTTCCAAA
ACAGGC

CrLEA2-11

ATAATTTTTTTTATTTAAATTTGAACTAAACCGTACTGTAAACCTCTCAAGTAACCAAGTATTTGATGGTTT
ATGTTGACACTGCCTATTCATTGTTAACAACATGAAAGAAACGCTACTTAACTTTTCATGTTATCATCTT
ACACTTGATAGTTGATAC TCCCAACAAGAAACAATTTTATTTTCTAATAGATTGAAATGATTTGTT
CTTTTTCTAATCTCTCTAATAATTAATGACACGTCATAAAAAATCTTTCCCTTTTAAATTTGTAACATTT
TATTACTTTTCTTTGTTGAAAGTGGCAAGGAACTGAAC TGAACAGATAAGGAGGAGGATGAATGCAAAATGC
AATGAGATGCATGCAAACTACTCCTTACATATCCATCCACATTTAAGTTACTAACGAAGCCCATCGGCATTG
CTTTTTGTTGTTATCTTATGCATTAGCAATTAAGCCCTCATTATTTTCATAGCTTTTTTATACAACCAA
TCAACTCTATTTGAAAAGAGTTTCTTTAATCTTCCAATGCATCCAATGATCGACCTATCATCTACAAG
ATATAAATGATTCGCATTTGTTAATTTACGTCACTTCTTATTCACATACGTAAGTTAGTAAAAGCAAAGAA
AAAAGAAGCTTGAATAAAGACAAAGCAAGGCATAAAACAGAAAAAAGTAAAACACAT
AGCATCATATACATGAGTGAGGAGTACTTTATTTTGCTTGCTAAAAAGAAAGATATACACGAGTAAAGGT
GTCATGATCAGCCATTTGCTCTAATAACTTTGATTTCAAGTTTCCCGTTAATTTCCATCTAGATTTCTC
TTCACCTTTTCACTATAATTTCTCACTACCCTCAACCCCTCTTTCTTTTCTAGCTGTCAACAAATAACCA
TATTCATATTCATACATACACTTAGACATACACAAACCCCTTAAAGAGATCAACGAGTCTCTCACCATG
GCAGAA

CrLEA2-12

CrLEA2-13	<p>TAAGCCTAACTTTAACTAAGATAAATTTTTATTTAATACCATTGCTCGATAGAAGAGTGTTCAGAACATTT TCAATCATCCCCAAAGTTGTGAACGGGGAGACATCTGTAAATTTCTACGAAACATGTTGGATCAAGCACAC ATGTCATTAAATCAACTGAAACAATGAACAGACTCAAGAATTCCTTCTTTATGTTGCTGCTATTAAT TGTTTTTATCCAATCAATGTGCGATCCATTTGACACAAAACGATGCCATTTCTAAGTAAATAGTTTCAA CTTGATTTAAAATCTATGATTTTGTAAATTTGATTTCTACCGGAGATCCGAAAACGACAGGGATCATA TACCGTTGAAAACAAGAAAGGAAAACGAAAAACACACTTTCTCAAAGAAAATATGTAGCAGAACAAATTT TGTGGGTTTGAGAAGGGGTTTAAATAAAAAGCTTAAATTTGTGAGAAAAGGTCACAAACATGGTAAAGAGGTCA ACCATCAGTTAATGAGAAATAATTTTTCAAAAATGGGAAAATTTTCATAGCAGTTTAAATGATGAATAGGT AGAAAACAAAAGAAGCAATGGAAGGTATACAATCAATCTCAGGGAGAAAATAACAATAAGAAGGTAATA AATCACTTTGGCATTAGCTGGTTGATTATGTGAATGATTTTGAATAATATGATTTGTAAGGAAGTAGAAG TTGCAACTGCTTACCTTGTGTGGAGAATAGAGAGGAAGAAACAATTTGAGTGTGATTGTGTAGAGTGT AGACACAAGTAAAGTGAAGTGGGATTTGGGATGTTGGTATCTGTTGCTTTGGTAATGAAACCCACATTTTC CTCTTACCAAATTCACATAAATGCATCTTTAACTTCAATCCACACAATTTCTCTAAACCCCTTTCTA TCT CCTTTC</p>
CrLEA2-14	<p>TTATTATCACTATAGTTATAAAGACATGGTATGGTTTTTCGTAAATAATAACAGGGGAAGATTGGTTGTTTGA TAAACTGAAAAGGGCAGGGGAGAAATAGTCTTCTTAAGCGAAAACATGTTATAAAGTCTACACCTAAATAC ATGTTATAAAGTGGAGTAGTTACTAAACTAAGATTTCTGCTATTGATCTTCCGCTTGATGCGTTGGCAAT ATTGACATGATATATAAATTAACAATGTAGAAAAGAACTGCTGCTACAAAATATACTAAATTAATTAATTG CCTATTGTAGAAACTCATTTGTTGAAGAAATTTAACCATGGAGAAAATTTGTGGTTCTTTTATGGCATGA GTTATGCAGACTTAATTTATTTCTCTTACTTTAATTTAATTTAATTTAATTTAATTTAATTTAATTTA AATAATATTTTAAATTTTAAATATGAATTTTATAGAAAATAAGTTAATATGTATGATTAAGAAATAATA AAAAAAGCAATGCAAGTGTGAAAAGAAAGCATGGAAGAGTCAATGCCTTCTGAAGTGGAACTGTGG AAGAGTCTCGAAGCAGCAGATTTGAACGCACAATCATCAATTGAGGATGCACACCGCAAAATGGGCAATG TGATACATGCGAAAGCAACCGCTTTTGAACGGAAAACCTCCGAGTCCACACCTTGAGAAGCAGCTTATT CAACACACTTTGCCGTAGCTCCCGAGTTAATTTTAAATTTGTTTTGTAGATTATCACGCGCTTTTTCAA TTTTCTGCTCCACAGGCCACACCAGCATCTCTTATAAATACTACTTCTCCACTCTCGGTTATAAAAT CACACACAAGGAATCTCCCAATCTCTCCATTTCCATTCTCATAACCTCTTTGTTTTGTTTTTATA ATATTCATATTTGATTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTAT TCAACC</p>
CrLEA2-15	<p>ATATAAGAAAATTTAATTTCCCAATAAAAAAATGGAATTTAAATTTACTCACAACTCTAAATGTGTGAGATAG TAGAGAAGGGAGGTGTTAATCAAAGATGAAAAGAAAGAAAAAAGTTGGAATTTCAAAGTTGGCAATGA GATGCCATTATTAGGTTATAACTTCCATTATCTCATAAACTAAGATGAGGAATAATCCTTAATATAATCTT TTAGAAGGCATGCATTAGGATAACTGTAAGATTTTGAATTTGTCAAGTTTGTAAATAATGTCAGATTTATG TCCATATAAAAAGTTGAACCAGAAACAATCCCTAAGAATTTACTTTATATATAAATTTATCAAGTTTATATA TAAAAACATGAATGACGCATTTATATGATATTTATTTGAAAATGGATTAAATGAAAGAAAATGTTAGAA TTAATTTTAAATATTTAAAAATAAATAATTTATCATATTAATAAAAAATAAATAAATAAATTTTAA TAAAAATAATTTGTTATATTTAAATCAATCTTAAAAATGAGGATTTGAATGAGTATATAGCTAATGTAA TTAAATAGATTAACAAAAGAAGTTACGTGGAGGCAATGAGAAGATGAAAAGGGCGTAATTTGGATAAGA TGATGAGAAGCATTAACGATATGGAGAATTAATAAATGGTTACCTGAGCGCTTCTATCTTAAAGGGAGTT TTGTTCCGTACGAATATTTCTTGTTCGTGGTTGTTTTGGGCAAAACCCATTCTACAATTTACATAAAAGTT TGACCAGTCAACACAAGCCGCTATTCCTTTTCATAGGTTGAATTTGAATTAGGCAAAATGCGGAGAACACG CATGAGTACTCGCAAGCGGCTGTTTCCATAGAATCTTCAATGCGCTTCTCTCTATATATACCTCTCCCA CTCGCTTCTCATTACAATTCACAGCATATTTCCCTTCATAATTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT ACAACC</p>
CrLEA2-16	<p>TCCAAATGATACATAAGGATAGTGAATTCACGAAAAGAAATTAATCTTGACAGTATACTTAAACGAAATTTA AATAAAATAAATAATTTAAACCTTTACATATAAATTACAGTATCAAATTTTATCTCTGTTCTACTTCTCA CGATTTCCACCAGTATCTTGTATTTTGGCCACCACACTCTGCTGAGAAATGATAACGAAACAAAGTACAG AAGCGGGAGGGAGCCACATGCATTTATTAGGTGGCAATTTCAAAACATGCAGCCGAAGAGACATTTGTTTGC AAATAACACGCTAACAAGTCAGCAATATCTGATTCCTGGTTGATAGGCCATGAATGATCAAAACPTCCCAA TTATTTTTGCGTAAGGTTGTATGGACTGAACAATGTTATGATAAGGGTGGGATAATGAAACCCACTCTC TACGGGCTAGCTAACTAGCAGTTTCACTTTCAATTTCAAAAATTTGTTAATATCTTCTTCTTCAATTTCCA GAAGCCTCTATAATTTCTATCTATGACAATAATGAGCCAAAGTTATGCAAGGGAAAGCTGCTGCAGAGTCC TCAAAAATTCCTTCAACACCAGCATAATGAATGGTACCAAAATGATGTGACATTTTAAATGACTTAGGT ACTTTTAAATGAAAAGATAAAGAATAAACAATAATGAAATAAAAAAATTTCAATGGTCCGGTTACCACG TATACGTGCTAGCCAGCAAAATTAACCTCAATCGTTAATAATCATGTAATAAATAATGTAACATGATCTTT ATCATATCATTTCAAACGTAACATATATTTATTTATTTAATAAATTTCAAAGTAATAAAGTAATAAACTTCT ACCCCCCCCCCACCCTTCTTTCTACTCTCATTTCATCACAAAACCGGTGTCATCACTTGCCTCCCA CTCTTTTCATAGCCTTATTATACTCTGTGTGACTCTCTGTTGATTTAAAAAAGTCGATCGCACAGGACA GTAACG</p>
CrLEA2-17	<p>AAATATAAAACCGTTTACAAATTTGTAATAATTTATCATTTTTTATTTTAAAGATATGGTATATTTATTTACA ATAGAAAATAAATAATTTATTTGATTACATATTTAAATAAAGTAAATTTTATATATATACATGAATATCAT AATAATATTACATGATTTAAGAAGTATTAATAAATTTACTATAAATAAATATTTATTTGGATATATCATA TATCCTTTTACTAAATTTGATGTCTAAGATAATTTGATTGTCTCGAAAATTTGTTAATGATACATTTATTTAT ATCTTTATTTAATAAATGAAATCCCGTGTGAAACATATTTAAATAACGTATTCAGTCTTCATATGTGAGTCA TATGAACCATGAAATTTTCACTTTAGAAGACCGAAAAGAAAATCTTGCCCTGCATGTATCATTAGAGTCTCT TAAGATTTTAAATTTACTGTCCCAAGCACACCGGAATATTTATTTTAAAAAACAACACTTAGGAATTT GGAGATCTCAACAATAACAATTTGATCTGATGAATGATTTGCTTACAAATTTTCTACAATTTACAAACACA ATTCGAAATCTTACTTGTGTGCACAATTCAAACCGGTTTAAAGATTTTAAATTTTGAATGCAACCTCTTTTCTG ATTTTTTTTTTAAATTTATTTGCTCATTCAATTCGGCATGACAGTAAAAGAAGTGAATAGAGAAGCCGAA ATGAGGGGAGAAAACCTGAGAAAGTTAGGAATGAAAAAATTAATAAAGTAAACGACATTTGGTTGTGAAAG TGAGGAGAAATTAATAAGAAAGCTGGGGCTTAAACTTTAGTCGAAAATCAGCGAATTTATTTCAAGTCT CCTTTATAACTTTTATCTGCTCCACTCCATATCCATTACAGTCTTGCTCCTAAGTCTTATCCCGTGTCTC CTCCAATTTGTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT CCCAGA</p>
CrLEA2-18	<p>CATGATGTTGATTTAAAAGATAGAAGCTTTTTTTTTTTTTCTGATAGAGTAGACCCCTTTTCTTTATCAGTTA</p>

CrLEA2-19	<p>AAGACTTTTCAGATACAGAATTTAAAGTTCTTTTGGTTGGATAAAGATTFCACGAATCTTTGTATATGAGA AGTGTTCAGTTGGGTTTATTTTAAAGTATATTTTCTATTAATAATAAAGACGTTTCAAGATGTTTTTA ACACATTTATATTTTGGTTTTTAAAGTGTAAAATATATATATTTTATTAATAAAAATGTTAAT AATCATTATTTTGGAGTTTGAATTAATAAATAATATTAGTATACGTTATTAATGCATTAACATTAATATA ATATATTAACAATTTAATAAATTTAATTTTATACATAAAAATCTATATTAATCCTGAATAAATTTTGG TTTGGTTAATAACTTTTTTTATAATGGAGGATCACAACGTGTGTCTAAAAAAATCTATTTGTAGCCTGTT TTCATAACTGATAATATATGATGTAGAAATGACTTCTTTAACTCATTGAGCTTTTGGTAAAAAATTCATA ACCGAATAATTTTAAACATAGTTTTTGCACATTAATCTTTAATAATAAAAATAGTGAAATTTATATGAATCTTA CTAAAAGATGAAAAGGAGGGAGTGATTAGATATATTTGGTGGAACTTAAATAAATTTTACAATAGAGATG TTAAGAAGGTGATTTGGCATTCCCTCCTTGGTATATATCTGAAGGAAGCCATGGTCTTGACTCTTGTGTAT TTAAACATAAATAGTTGCTTCCCGCACAGATTTCCCTCAAAAGGTTTTGGTATCAATAATTTAGAAAGG AATAATTTGAGCGCCACTGTCAAAGAAAGACATCCCATTCGTCCTTCGCATTCAAGTACCCTAATTA ACAATCTAAGCGAATCAAACAGATTGCATTAATTACACTCGAGTTAATTAGCCGAACTCCAGAATGATAA TTTGTAA</p> <p>CAATTGAGAATTTAATGTGTTTTTATATTTAAAGTGTAAAATAAAAACACTGCCTAATAGTCACATTTTTT TTTTGGTTTTTTTTGCATTTTTTAGTTTCGTAACAATGACATTTGCTTTTACACTAGGAGAACCATCATTTT CGGTAGGTATTATCTATTTTATCAACACGGTCAATGTTAATCGCAAACTCAAAGGATCAATTTGGTAAA GAGTAATTTTGATATAGTTTCAAGGCACTGTCATGTATAAATATTTTTTAAAGTACTGTAATTTATTCCA AAAAATAATGTATATGATATTTATTTATACATTAATAAATAATGATTGATTTATATATAAACACTCATTT ACATTTCACTACATCCTAATAATTTTTTATTTTATTTTAAATAAAAAAATTTAATTAACATAAATAGCATG AAAATAAATAAATAATTTTTTAAATATATGATGATCATTTTATCTTAATTTATATATATATTTTTTA ATTACAATTTATGTTATTAAGAAGAAATTTTCGATTCATTCTCACATTTAATAAATAATTTATATTAATATAT TTCTTTTCACAATTTCCAACATTTTGAATAAAAAATTAACTTTTGATATGTTGGTTGGCGAGAGGGTA TTTTAAAAGTATAAATTTTTGCAAAATGCAGAAATGAAAAGTTAGATTTGAATATGTTGGTGAACAGTGG AAGGCAATTAATGAATTTGTTTGAATTTATGTGAATGCATGAATTTAGAAAGATGTTTGTAGTAGCAGTT GGGGACACGGAATTTGAAAGGCGGCATTAAGTTGAGAGATGCACAATTAATAAACGATTTGGACCTCAC ACAACCAACCAACTTAGGATATTAACATTTATTTATTTAATATATGTTGGCACTTGATATAGGTAATC CATAGCTATCAAATCTCTCTCTTAGATCTAATCTTCACACTTGTCTTCTTTTTGCTAGTTTTATTGGGTCA GCATTA</p> <p>TGCTCGTGGTGGTGTACCATGACACAGTACTGATTCTTGTAAATAATTTGTTAATTAAGACCCCAAC AAGAATCAAATGATTGGCCTGTGCATCAAAATCTTTCTTAATATATCTGAATAAGGAAAGGAAGAATTT TTTCTTTTTTTTTTCCATTAAGGTAACATTTAGTACAATAAATATTTTCATATTTTTGAAAAAGCAATG TGTAATAAAAACCTTTTACTTCTGTACGTGAGAAAAATTTGAGCAATAAATGATTATATAAATTTAATTT TTTCATGACAATTAATAATAAATATATGGATATTAGATATCAAAATTTAGGAAGATGATATCTTTAATAAAT TTATACTAAAAGTAAATTTTATACGTCTATCTGTTAAATTTAAAGTTTTTAAATAATAATATTTTTTACA AAATTTATACTTTTATTTATTTTATTTAAATGTATATGAAACATTACTTAAATATAAGTAAAATAATTA TTATCAAATTTATATTTTAAATGTTTAAATACGTAATTTTATGTATATAAATTTAAGATGTTAGTTT AATAAAATTTGATACTTGATATATTTTATCCGGACTTAAATATATTTATGTTTCATGAAAAATCAAATAATA ATTAACACATTTTAAAAAGTTTCTAAGAATCTATTTTCAGAAATCTCACTTCCAACAAGCAGTCTAA TTGGAATGAAATATTTTGTGATGATTTCAATAAATAAATTTTTCATGAAAGGTTTGTGGTTTTCTTTAA TTCCCGGCATTTCCGGTGGTTGTTATAGTCCCTCAAAGTACAAACATAGCATTGATGTTTTAAGCCAAAGTA CAGGTTCTTCCCATGGCATAGAATAGAAAACACCTTATAGAACAGGAAATTTCCAACCTCAACGCTCTTTT GGCACTGCAAAAAATATACAACATTTTAAATGGCCGATTTTATTTGTTGTTAATTAATTAATTAATTAATCCG ATAATA</p>
CrLEA2-20	<p>TTAATTTAATTTACTTCAAGTATTAACCTGATTAAATGTTAAATATGATTATATTTTCAAATTTAAAA ATATATGCTTTTAAAAATATATATTTTTATTAAAGTAAAAAGAAATATATTTTAAATTTATAATAGTAT ATTCATATTTCAAATTTAAATTAATTTATATAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATCTGTTAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AAAATTTGTTAATTTAAAGATTAATAATTTAAATTTAATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATAATAAACTCAATCTTAAATAAATAAATTCCTCTACCTTTTTATTTATATATATATATAATAAATAA AGAAAAGATTTGATCATTTTAAAAAATAGAGAATAAAAAAATAAGGATAATATTTTATTTTAAAAATTA AAATAATACATATTTATTTGTGATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TAAAATTTTATTAATAACTATATATTAATTTAAAAATAAAAAGTTTTATAATTTCTTTTTTTTTTTTAAAG ATTCCTTTTTCGAACAACCTTTAAATGGGATAATTTGATATATGTTTTTAAATTTTTATGGTAAAAAAA GATTTTTATTTCTATATTTATTTACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AAAAATCTGTTTTCTTTTACTGTTATATAAATTTTTTAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ACAAGAGAACAAAATATAGAATATATCTCTCTTTATTTTTGGTTTTTACTTAAAGTAAACTCTCTCCAA GATTTGCCAATGGGCGGTACGGTATGACCTGACACGCAACATAAAGTCAGAAAGTCGAACGACGGCGTA ACGATC</p>
CrLEA2-21	<p>ATATTTCAACAAAATTTATTTATACAATTTATTTTATTTGAGTGTCAACACAAAAAATAATTTAAAAATATA ATTTTAAAGAGATTTAATCTTTTCAAAAAAATAATCATAGCATAATTTTGTGATTTTTTATATTTATTA CTTTTCATAAGATAAAAAATACCTTGTACACCTTTCTCTCAAATTTTAGCATGAATTAATTCAGTTAATA TAAATAAATAATCATATATTTTAAATAAATAGTGTGTATCATACCTTTAACACTGAACACTGTAAAA ACCAAGTGTTCAGTAGTTTCGTCGTTCAATCAGAATTTGATCACCAGAAATTAACAGTTGCAAAAAATAAAT ATAAATTTAATAATTTGTTAAATTTGAAATTAATTAATCTGATATCTATTATATTTATCTAAAAATAA TACCTTTTGTGACTCATGTGAGTTGATTAATTTCAATTTAATTTAATTTCTCAGTCTCATTTATAACTTT TCATTACTTTTTATTGACGCTTTATTTTAAATTTAATCAAATAATTTCAAATAATGAAGATATAATTTCA ATAAGTGTACAAATCGCTCTTTTATAACTGATATCCATTCAAATCTTTAATTTAATAATTTACAATCATTA TTGTTGTCCACAAAATTTATTTGCTCAATCAACGATATACTTTTTTAGATTTAGTACCCTAAAAAATAAT TATCATGATTTCTATTGATCTATTATTTCTATTATAATACACAACAAAACAAATTTGCAATCCATAAAT CAATTTCCATCATATACATATATCATTTACCAAGTATCTCTTTAGATTAAGTAAATCTATAAATAAATA AAAAAGAGATATATATAAATAATAGGCCACAAGATTTACGTTTTAATAATTTGGCTTATATTTCTATTTTAA ACCTGGTATGGTTGGCTTCACTCTAAAAACAAGAAATTTACATTTGTGGGTGCATCTTCAACTGGCTCTGC AACATC</p>
CrLEA2-22	<p>TTTTTCTATTTTATATCAATCGAAACAGTTTATTTTTTATTTTATTTTATTTTATTTTATTTTATCTCTCA ATTTTTTTTTTAAATTTTTTTTTTAAATTTTTTCAACAAAGTATAAGAAAAAATAACTGCATCCAAGTAT</p>
CrLEA2-23	<p>ATTTTTTTTTTAAATTTTTTTTTTAAATTTTTTCAACAAAGTATAAGAAAAAATAACTGCATCCAAGTAT</p>

	<p>AAAAAATATTTGATATTTATTTAATGTTTTGTTTTGTTTTGTTGGATCFCGAAAAAATAGAAAGAAAGAAA AGTAAAGAAAAGAAAAAAACAAAAAAATTTATTTGAACAAGTAGAAAACAAAAAAAGAGAAAAA ATAAATTTTTTTTCATTTGAATGAATGAAAAAATATACATATATATATTAGTATTAATAATTTATTT TATATAAATTTTTAAAAATTTTTATTTTGTACTATATTTTTTTTATAAATAAATTTATTAATTTTTTATTT TTTTTAAAAAATAAATACTAATTTTAAATAATTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TCACTCTTCATGACGAAGAAAAAATAAATAAATGAGTTCGGAGATATATATATCCACTTGGATACC GATCCTCTCATATACGCGTAGTTGGTTAGATATTTATCATGTGAAGTTGCGGAGAAAGCCACTATATAGAA TTAATGGTAAGATCTAGTGGGCAAGAAAGATAGATACTATGTCTATTAATAATAGGGAAGTTTTCCACTTTT CACCAAAAAATCAATTAATTTATGATCTTTGTGGACGCAAAAGTCATTACGGTCTGACGCGTCCGTACCCT ACTCGTACACGTTTTGGGTCATTCTCTCTTTTCATACACAATTCTTAGCTGTTAGCACCCGTCACCTCCAAG CGAAATTTGAATTAGGCAAAATGACGAACAATAACAAATAAGCACAAAATGCTTACTATATTTACATACC CTCCTCCATCCTAAACCCTTCAATTCATCCGCTTCTAGTTAAAACTACTATTTTTCTCTAACTGT TATGTT TCCATTACCTTTAAATTTTAGAAATACACATTAACATATATTTCTTTTTTTTACTTTTTATTTGAAAAGTATA AATATAGTGTATAAATATTAATAAATAAGTAAATCCACTGTGTTTCGTAATTTGTGACAAACGCCAGAT AAAATGTAAGAGAAAGAACGTCCTTTAATAAATGTCGGAATTTATGATCAATTTTATTTATTTTGGGA AAATGATTTAAAAATAAATTTCTGGACATAAACTATCCGCAAGTTAATTCGCACCAGTGACAATAACTA CCGAAAAATAAAGTGTAGATAGTAAATCATATTTTCGTTTTATATAAAAGTTACGTTTCATAAGTTTATAATG AATTTGTCATTAGCGAGCGATCCATGTATATGTAAAAGTGGTACTATATAAAGGCGTGGCATACAGTA CCATCACAGTAAGAAAAAGAACATCGTAGCTACTTATATAGAAATTTAGAGAAAAATAACAAAACCTGGC AAGTTAACTTGGAAAACGTTATGCTTTTTGTTTTGTATAAGTAGTGGACACAGGCGAAATGACCAAACTC ACCTTCCCAAAATTTTCACAACTTAAGTAACCTCCTCAAGAGCAATTTTTTACAAAAATAAAAAATAAAA TAAAAGTGAATTAAGGATACTTACAATAGATAAAAAATAAATTTTGATAATGTGGATGGATGTACGATGAA AGCAGCCTCCACCGTTTCATAGCATCCCAAGACTTGAATATAAGATGCTTATCATATCTCCGAA TACAACAGTTGAACCTACAAATAGATTTAACACCAAGGCGCACACACATTTACAGAAGCGTCAACTACA CGAAACCTCTCCACCCATTCCTTCACTCATACCAACCACATAGCATAGTTACAGCTCCTCATAG ATATCACTCTCTACTTCAATCTCACAAAAAGCCCAACACAAAACAAAATTAAAAAATAAAAAAGAAAAT CAGAAG</p>
CrLEA2-24	<p>CACGAGGTCGGCATTTTAAGATTTATAAATTTGGTGATACACACGAAATTTCCCAATACTGAAATCTGAAG TGCCCCAGTTTAAAGCAATTTATGGTCGACACAATAAATTCAGCACAAGCGTAGTAGTTGTACTGTACTG AAATCTGAAGTACTGAATAATTTCTAATTAAGATGGGCATGCATTACAATTTATAAACCTCAGTGGATTG GATTTGTAATTTGATACATTTCTTTGTTTTGTTTTCAATTTTAAAGGAATTTCTATACCAATTAAGTAAA AAAATTTGCTTTGTTATGTTTTCTTAAAGACCTAGTAGTATTTACCAGTGTACCATAACGCTCTGTTGTA GTATGCGAATCGTAGCCTGCTTAATGTGCAAGTAAGGTTCCCTTATTGCAAAAGCAAGTTCAAGAATGTC AGTACATCTATCTCCTCATTTTATGTGAAGAATTACAGTCACTTGGCATGCAATTTGTCATAGTTGAAATGA CGATGCTTTGGTGCTTAAACGCATTTGTTGATCATCTCACACGGGAGTGAAGTGGCAAAATCAGTAATATG TAAAATTTCTAGTAAGACTAATTTATATAATTAATAATAGAACTGTACAGATATGAAGTGTGATAAGGAT TAAGGAGCATTTGTTCTCGTAGCTTAATGCAACAGATTTCTGTACACCCGACATCACTCCAGGTGTCTAGGC TCAACAAAGGAAAATGTAGAAAGAACTCTGTCTCTGACGCAATATAACAAAGTGTCAATTTTAGATGA ACTAACCTCTTATTTCCGTAATTTACATGTTCTTTGTTGGTGGGAAAGTAAACACACACAGTACTCT TTTGAGAGACTGAACGATCCATCTTCCAAATTTTATTTTACATTTAGAAAGTCAAAATAGGAAAGTCTGA ATATAGCAGCAAAATAAAAGGCCATTTATCACCACAAAATTTGAGAGGAGAGAGCACTCAGCAAAATCAC TTGTATTC</p>
CrLEA2-25	<p>TAAAATTTGTAATCATCTAATACTAATTTGGGCTACATGGTACTTGGGAGTTAGGCAATGATCTAAAT ATAAATTTGGAGAAATATATGCATATGGGAACTTAACATATAATATGTATATCCTTGATCTCCTTGCCTAG AGTTCGTATATATACCTTTATGCTACATTTACGAAACCTTTATACCTTATCCCATCTGAATAAATACCCA TCATTTCTTAATTTATCCTTTCGGATATATATAAGATGCATGATCATGATATAGAACCTTATTTATTTATC ATTAACCTTTGGCAATATATAAATAAAGTTGCTGGTCTCTATCTGCAATAATTTTAAATTTAATTA AGAAGTTTAAACTTACCTAGAGTGTAAATAAGCAAAAGCAATCTATTTCTGATGTGAGTCTAAATTTCTG AACACTTTTACTGACGAATACATCTAAAGGAATAAACCTTTGGGCTTTGATTAAGGGGAAAGTGAAGTTCAT ATGAAAGTGAATGCTTTTCAAATAAATTTACATCTAAAGTGAATTTTAAAAACGTACAAAGAAACAT AGTTCATACGAAATTCGCACTTACTTCTGTCAAGATAGTTAATAACTGCGTGTGATGATGCTAACTTAGC TGTTCAAAGTCTTTATGTGTACGCCAGCATTTTGAAGATAAGGTTAAGTGTACATTTGTTGGATCAAGTAG CTCCATTAAGTAACCAAGTGTGAGCTATATAATTCCTCAAACGAGATGCAAAAGGAAAAAGTAAAC AGGAAGAAAAAAGAGTGTTCCTTTCTTAATTTTCGAGGATATGCAAGTGAATACGATAGAGAAAGCTT ATTTCTTTCTCGTCCATGTACCATACTCAAAGTCTGTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCT ACATAACCAGCAACCACAACCACAAGCGTAGTTCAATTTCTCAAACGATCCATTATTTCTTAAATCACACAA ATCAAA</p>
CrLEA2-26	<p>GATAAAAAATAGAAAGAAATGATCTATACAAAATTAATTTTACATATTTTCTTAGAAATATAAAAAATTAAT ATTTCTTTTTTTATCTATCTATAAAAAATAATATACACATAAATATAAAAAATAAATTAATTAATTAATTA TTAAAAATATTTATTTTTTAAAAATTAATTTTATATATAAATTTTAAATTTTATCTTTCTTTATTTATTT TATGATGATATATATATAAATAAATTTTTTAAATAAATTAATAGATAAAACATAAATAAATTTTATAT TATCCTTTTGAACAAATAAAGATATATATATGAAATATTTTCAGACATTTTAAAGATATTAATTTGTT TTACTCTTATTTTATAAATTTAAAAATAAACGGGATGTAGAGAAATTTTTTAAAAAGGATTTACTTTTACA GGAAATGATATTTGAAAAACAACCAAACTATTCTACACATTTATCCACGATTTGAAATATATATATATAT ATTAATTTCAATTTTATAAGTTCTTTTTGACCAATGAATAAGTGAAGATAAATAAAGCGAATAGCCAA AGAAAGTACTTCCCTCCATCACTTTTCAAAACAACAAAATACATGTTTGCACAAATTTTATGGAATTAATAAT ATCATTTAAAAATTTAAAAATAAATTTATAATGAACCAATTTGATTTAAATTTTAAAGTAAATTAAT TTGAACTTTTAAATTTAAAAATAAAGAAATATGTGGCTCTTAATTTTTTAAAAAACTTATTTAGTTAAACA AATCAAAATATTTAATTTTATAGCTAAAATTAATTAATTTAAAGTTTAAAAACGAAAGATTTAGAT ACAAAAAGATTAACCTAAGAGTGAATAATTTATAATAGTAATAAAAAAGAAATGGGAAATCTAGTGGCA CTGACAAAGTCCAACTCCACATATTAATTACTTGGCAGGACAAAAGCTTCGTAAGCAGTAAGAAAG AGAGAA</p>
CrLEA2-27	<p>ATATTAGTATTATGGTATTTTGATTTGAGAGTCAATAAGTTGAAGTTCATTTCCGATTACACAAAAA AGTTCAATTTTCGATTGAAATTAATTTTAAACGAATTTTACTTTAAAAATTAATTTTAAATATTTTTC AAGTAACTTAAGATGATGAGTTATTTTATTAATTTTATATAACATATATATTTTATTTTATTTTATTA</p>
CrLEA2-28	

CrLEA2-29	<p>TTAACTATTATATCCTTTTTTTTTGTTTATTATATATATTTCAATTTGGTTAGGCATTGTTATATCTTTTTA AAATATCATAGAATCTTAATAATTTATTTATTAATAGTTAACTTTTAAATTAATAAAAAATATATAAAAAA TATATTTATATTAATCTTGTAAACCAATTTTTTAAAACTAATTAATAAAATTTAAATCATTAATAAAC TACGTTGATATAAATTAACCACTACTAAGATACATTAAATTTATTTTTTAAATAAAAAATTTATTTATTT AATCAACGCTCTTAAATATTGGATAACATATTTCTATTTATATATAGCATCTTTCATTTTTAAAAATATAT ATTATAAATATGTCAATTTTTTAAATTTTCATTTATTACGTCAACAAATTAATTTAGTTATCTACTTTTTATA CATTATTCAATAAAGTTCAAATTCAAATAAATAATCGTATCATAACAGATAAATTTTAAATTTTTTTCC GGAAACCAATAATTTTCATTTTGTGGAAGATAAATTTTATTGACTAACAAACATTAATTTATGATATG AGCAAACTTGGAGTAAATTTTTTCATATAATTTTTTTGTAAGGTCCAGATATCTCCTAAAAACATACAA TTTTTGTGGAAATAAAAAATAAGTAAGAGGAATTTAAAAACAATAACTATTTAGTGTGAATTAACACACTG TATAAACACTAAAAATTAAGAAATGTTTTTGTAGTGTAAATTTATAATAGGAGTGGTATTTTTATCCTT TCATTT ATCTTCATGTTAAATTTACTAGATTAATTTTAAATGGCTTAATTTAGTTTTTGTAGTTTTTGTAGTTTT TTTTATGCTAGTTTTTAACTTATCAAAAAAATGATAAAGATGTATATAAATTTTCTGGTGAAGAATAC CTTTTTTAAAAATATTACGAATGATGATGTTGATTTAAAAATTTTAAATTTATGATCCAAGAATGGGA TAAAAAAATCAACCTTGTAAATTTGACAGTGGTAGTGTGTCTGCTTTGTTTATGTTTAAATCAATTTTT TAATGTATATTCCGAGATACATGATAAAAAATTAATAAATAAATTTTAAATATAAATTTAAATATTTAA ATTATCTATATATTTGATCTAATTTATATATATATATATATATATATATAGAGAGAGAGAGAGAGAGA TTTTTTACATACCTTAGAAAAACGTAGTTTAAATAACTATAGTGTGACTCTTAATACTCCATTAACAGTAAG ACTGCTAATTCAAACATTTGATTTATAAACCAAAATGAAATATGATAAAGGTGGCATAAATGTGATTTGAGA AACATGAATAAGTTAGTAAATATTCCATCTTGACGGGTAGCCATTAATCTGTACATTATGTTTCTATG CATCAAAATGGTTAAACCATGGTTGCTAGAGTCTATATACACACTGCGGTGTATATTACCTTACCCTCAT CCAATTTGAATCTACATAAGGGGCATTTATACCGACAGCTATATTACTTGCATAGTATGTTACTATATG TAACGTGACGCTTGAATCTGAAGAAAAGAAAATAAATATGGTGTCCCGAAGAATCCCATTAATTTGAGT TTCATGCACGAAATTTCTGAAAGCGAAAAGTGGTATAAAAAAAAGGGTTTGAAGGTAGTTATATATAGT ACATAGCAATATATAAGGATGGTATGATTTGGTTGTAATAAACTCTACATGCCTGAATAATATTAGT GTTGAA GTGATGATTGATTTTTCAATATCAAAATAAATAAATGTAAGTGAATAAATAAATTTATGTCAGAATAAAT TGTGTTATAAGAAATATACATTATATATCATTTATATTTATTTATATAAAAAATAATAGGAAGAATCTAC TTGACAAAATACTTATTAGTAATTTTCGAACCCCTTCTACTTGTCTCGCATGTCTAATCTTTGCCTCTCTGT TTTTTCAGTACATATACAATACACATTGTAATTTCTCCTCCTAGGATGCTATACGAAAATATTTAGAGGCAT GGGAATCATTTGAATATATCTTTTAGCTTTTGGTACTTCAAAGTAAACCTTTTTTTTTGCTTATCATTG TAAATAATTCAGTCAGCAATCTGCTTTTGGAGACCTTATCTTAGCCAAATAGAAGAATGAGCTATAAATAT CTTAATTCATCCGTGCTGAATTTCTATGGTTGAGATTGGCAGAAAGCTGGCCTAAACAATTTGATTTGAT GCTTTTTAATGAACATGCACCTTTTCCGGGTGGGTGCACCTTCTGCCTTCTACGATTTCTTAGTGCTTAAA CATCCAATGTAGCACATACCTGGTTTACTTTAATATCATGGGAGCGCTTGTGAGCCCTTAATCTAATTC ACTATCCTCCAATACATGCACCATGTAATAATTCATAGCCTTAAACAATAAGCAATGAACAAAGTGTGAAC TCATTTCTTAGGACCTTCATAAACTTAGCGCATAACAAAAGCATGAACATTAACACCAACCGTGGCACA CTTTAGTTCACTATAACACCTTTTGACAATACCCAGATAAACACAGTGTCCCACTCCACTATTATTA TTCAAGTAAAAAACCTCTTTCTTCCCTCATTTCCCTTCAATCCATCAACACCCCATTTAGATAAATA AAGATATCACCACATCTCTTCCCTACACTTTGGTTGATCGGAGTGGCCTTTTTTTAGTAGTGTGCCTAC TCAAAC</p>
CrLEA2-30	<p>TTATAATATGATAAAAAATAAATATATCTTAGAATACATCGTAATTTATTTTATTATGATGTTGTAATTTAA TTTTTGAATTTATAAATAAATAATTTAAATATGATATAAACTATTATGTAACACTTTAAGTATCATGTAA ATTATTTATGTCAGTTAAAAATATCTGAATTTAATTTATTTATATCAAACTATCGTCATAAATTTTATTT ATCTAAAAATAATAAATTAGTTTATATTAATAAATTTATCTTTAAAAATTAGTCTATCTACAATTTAAA TTTTTTTTGACATATATATATAAATTTATTTTATAAATAAATAAATAAATTTTCTATAATAAATAA TTATTTTTATTTTATTTTATTTTATTTTCTTATTTTAAAAATAAATAAATTTATTTGATATAAATTT ATATTTTTAAATAACTTTTATCTGTAATTTTATTCAATGTTAACTTATGATCAGATTAATTAATTTTTTA TAATATATATATATATTTAATTTTAAATCCTTCAATATAAATAAATCTTATAAATTTTCATTTTATAT ATTTTATTAATTTTATCAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TAAGTTAAGTTAATAAATTTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TATAAATTTTAAATAAATTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA CATAAAAATTTAAAAAATAACGAAAAATAAATAAATTTGGATAGAAAAAATACTTATCTCCTCCTATCCT ACACATTAACAGACACAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA GGCTCTTAAGACTATTTTCTTACCCTTAAACGTTAAATTTGAAATTTTGAAGAATTTGATAGCAATTT GAATTT</p>
CrLEA2-31	<p>TTTTATATCTTTTATTTATTTTATTTTATTTCTATCGTCTTTATCACAAGAAATATTCTAAAAATAAATAAT AAAACTTTTATAGTAATAATCAAAATTTATAATTAATAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATATTTATATATCTATAGTGTATTTATATCTATATATATTTTAAATTTAAATTTATATAAAAAATAATTTT AACCATACAAAGGATAAATAATGGATATAATGGGTGTATGAAAGGAAGAAAATCATTTATGCTGAATATA AACACATACTAAAACCTATGAAAAATACCTACCATGCCATAGCCCGTGGCAATGGATGGACCTCCCC GGGTAGTACAAAGGAAGAAATGAGAATGTGCCAAAATCAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA GCTGAGAGAGAAAATTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AATCAAAAGGCGCAAGATACAAATTTAGGAGGCCCTTTACTTGAATATTAGTTTTTAAAGCAAAAAGGAT TAGAAAACGTATTAATTTGTGGAAAGCAAAAGGCATGTTGAAAAGATAAATTTATTTTCTTCTATATTT TACTTCTCATTATAAACAATAGATGACTCTATTAATGAAGAGATCCTTCGTCTTATTGAAAAGGAAAA ATGATGTATGTAAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAG CGTGCATGGCAACTGGCAAGCGCAATCACAATCCCGTGTGCTCACATCAAAATCCAAATGGTAGACCC AAACACTCCTTGACCCGTTGCTTTAGTCTCTGTTTCTTATATAATTTTTTCCAACTTGCCAACCTTAA GCGATCCACATTTGAAGTGTACCCACTTCCCTTCTTTATTTATTTACTTATTCCACTATCCATTAACATAT TAACAC</p>
CrLEA2-32	<p>ATCTTAGATAAATGTGTGATTTGTCATTTTCATCTAACAATACTTCTTAAACCTAGCTGAATTTGTAAAA ATATAATTTTAGTATAGCTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TGATAGTATAGCTCTAAATCATCCAATTTGATTTATTTTTTGTGTATCTGATTTTACACGCCATTTAT CTTTCAATGGTTATTAAGTTTTTACAACCTTAATAACTATAAAAGAGCAATTTGGTTGTGGATACCTTCTAT</p>
CrLEA2-33	<p>CTTTCAATGGTTATTAAGTTTTTACAACCTTAATAACTATAAAAGAGCAATTTGGTTGTGGATACCTTCTAT</p>

CrLEA2-34	<p>ATAATAATTTTTAATTAATATTATTTATACACATTTTTATATACCTCTCATCGCACTTTCTCTTTTTTTTC CITTAATAAAACTCTCCTCTCTCCCTTTAATAAAAAAGAAAGTGAAGGTGTTTAAATAAAAAGATGC AAGGTAATCAATTGATATTACTTAAGAAATAGTATATTAATTAGCCACCTTTTTTTTACGTTTTTAAAT AATAAAGTATATGCTATTATATACTTATGAAATACACGGCACCATAAGAAAAAATAAATATCGTCCATAG TTTTTTATGTAGCTGAGTAATTAATTAATATAGAGAATAATAAAGGCTAGAAAAGTATATAGCATAGT ACGTCATGCTGCAAAACCTTGAATGGAAAGCAAGAAATTAAGAAAGAACCTTCGGCGCAAAAACATTAT ATCTTATTATATAAACACACAAATATTGAATATGGTCCCTTCGTATGACATGTGATTGAGAACAATACTC AAACTTTAAGATAGTTTACTTTTGGCCATTCAAGTCAACAAAGGGAAGCTTCAAGCCTCAACGTTCTCT ATAGGCCATGACTTGCTCAAATCAAACGTTCATGTCAACCTTCTATATATTAACATACCATAGAAACCA CATAAAGGAGAAAAAATAAAGAAACCAACAATTAACCTTTTTCTCAAATTTTCATTGGGATTTTCTGAAA CCAAAG GTTTACATTTTTGTCTTTCTTCGACCTACAACCTCAAATTTTGGCACTATTATCAATGAGAATTGGAATTTGG GTTGCATTGATGGAGCAAAATATGTAATTAGTACAACAAGATATATATATATATATATATATATATAT ATATTTATGTAATAAATAATACATGATAAATAACAATGTCAAAGGTAACGATAACAACATTAATAAATTC ACAGAGATATATTATTGAAATGATAAATTTATATAATAATTAATACAACATATTTCTTTTTAATTTTCTCT ATTACGTTTTTTATTAGCAAAATAAATTTTACTATTATATATTATTATCATTTTTTCTTTCTTTCTTC AATCACTCTTTTATTAATTTTGTACATATATTTGTAGTATTAACATTTTTTCATATTTCAAATTTGATTCATG GATGTCCTAGACTTTTCATCCAAATATCATATGCATGATAAGTAATTTCTAGTTATGTTCTATAATATCA GCAAAGCGTGAACATCAATGTGTAAGAAAGAAGTGAACAAACACGAGATCGAGATGATATCAACAATTTT AATATACTCAAATTTTATAAATTTTAACTTCTCAACAAGGCTTCTGTTACCCTTAAATTAAGGTTAATG TCCACCTACTTTTGTGAAATACATCATAAATAACAATGAATAATTAATAAATAAATAATAATAATAA AAAGAAAAATAGAAAACCTGATGAAGAAATGTAAAGAAATTAGGTGTATATATAATGATTAGTTTTGAA GATTTCTCAATCTTCATTACTCGGTTTGTAAACCCAAAGTCAATGCCTTTGTGTGCCTGTATAGTGGAA GAAGTCACTAGAAAAGCGCAACAACACCAACATTCCAAATCATCAACGATTAACCCCTAAACAAATAGC CACATAAATGTCACACATCAATCACAAGAGCTTCTCTACCAACAATTACACACACCACAAAATAAGC ATCACC CATAAGGGACTGCTAGAAGTATTAATAAATAAATAAATAAATAGTCTTCAATAACATTTTAAATTTTGATTTT ATGATATTTCTCATCTAGATCATGTAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA CAATTTTTTAAATTTTATACTTGGTTTTAACTCAAATTTGATAAACTTTTTACTTTGAGTAGGCATCATCGTT AAATCCTCATCCGTAATAAT TTGAAACAGTTTTTAATAATATAGTAATAATTAATAATGATACATAAATTTTATATTTTGTCTAAAAATA TTTTTATATCAAGAGAAGAAAAATTAATAAATAAATTAATTTGATATTTTATCCAAATCAAATAAATGGAT TTCAAATTTTATACTGTATCTTTTAAATATGTTTCAATCTTTGTAGAATAAGATGAAAAGGATAAATCC ACCTAAACTCATCTATATCATATGATATACTTAAATGAGTAAAAATAGTTTAAACTTAAATATTT GAGTAATATATATTTTTTAAATAATTAATACGTAATATATATTTATATATATATATATATATATATATA GAATCAATACTTTGTTCATCTAACTAAAAACAATAAGGAACCTTTCTTGTACCTTCAAATACTAGTAGTA ATATTTTATACTTTGATCTCCACATCCAAATTTATGGTCTCGTTGTTCTTTGTTAATCAAACAATTGAAAGT TCTTGTATACTCCGCTTCAAAGTCAATGCCCCCTCCCTCTGCACCTGTATTTGCAAGGAAAACTCGTA GAAAACACCATATACCATACTCCAAACCATCAATGCTTGGTTAATTACCCTTCAAATACCCATAAAAAAT TAATGTTACCCATATTAATTTCAATTTTCAATCACCTACCTTCTATTCCTTACAATCAATCAT CACACC</p>
CrLEA2-35	<p>CAATTTCTTTCACAATTTTATTCCCATCTAAAAATGATATAAAAACTGTTAATGAAAAAATCTCATAAA ATATGTTCCATAAATAAATAATCACTTAAAGATATTTTGAAGGATTTTGGTTTAGCATGAAAAATCA ACAAAAAAGTAAGAAATGACATATAAATGGTGTGGGTATAAATCTGTTAAGCCAAACAATAA TGACTTAAGTCAAATATTAATTTCTATATACTCTCTATACAAAATAAGATCTAAAAATATGACAAAAC TATTCAAATTACGATAGCTATTGAGATATCTCTGTGAAAAATACACAATTTTAAATTTATGTAATCTC CAATCTACCTTGAACATGACATGAATTTGAGGTTGAAGATTTGTGATAAAACAACCTTAAATGTCAGCTAA GAGAAATTAACAATCAATCTACTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA GACAAAAAGATAACAATAGTATTCACAAAAGAAAACAATAAAGTAAAAATACGTTTTTGAACATGAATA AAATCATATGAAGCAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AAATCATCTGAATATAGTTTATAAAAAACAATTTATGATATAAATTTTTCAATAAATCTTTTATGACA TTAATTTTTAATTTATCTGTGATCATCAATAATCATCTCATTTTATTTTATTTTATTTATATATATAA CAAATTTATACGAGATTACGGGAGCCTGTAAGATAGGACAGAGTTCCATTTCTCCCAAGAAAAATTTAA ATTATGGGTCCCACGGTCCACGTAACGGCAATTAATAAATGGTACACATAAGGGTAGGCATTAATTAAG AGTAAAGAAAAGTCGTAATTAATTAATTAATTAATTAGGAAATGTTAAGTTAAGCAAGGATTTATATTAGT TTGATT</p>
CrLEA2-36	<p>TCCATCCTTTTGAATGGCACTCTAAAAAATAAATCAGAAGTATATATGGATGTTGGATGATAAATAAT TGGTGTCCAATATATAAATCTTAGATGAAATATTTTAAAAATTTTGAATATTTTAAATTTTAAATATTTT TATAAAAAATTTTAAATTAATAAAGAATTTAATTTTTTCTATTTTATAAATTTTATATTAATGATAGA TTTTAAATTTATTAATTTTAAATTTGTTATTTATATAAATAAATTTAATTTTATATATACAAATTTTATTT TTAAATATTTTAAATTTTAAATTTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TAATAGTCTAATAATATACAAAATAAGTGGGAGATTAGATTGCAATGAACTTCCATTAAAAGTATTATA TTGAGAATCAAGATGAAAAATAAGAGATGAAAAAGAAAGCCTTAAAAATATAATAAATAAATAAATAAAGGA AAAAATCAAAAAAGAGAGTTGCATTTATGAAAAATGAGCCTTAAAAATTTGAAAAATTTAAATTAATCT ATTTTAGGCAAAAATTTAAATTTGTTTCAATTTAATTTATATACTACTTTCTTAAATATCAAGAATATGAT TTTTTTTAAATATGCAAAACAATAATGTAATATCTAAATTTAAATTTTATTAATAAATTTGTTATTTTCT TTAAGATGACTTACCTAAACATATAAGTTAAAGAAATATAGTACAAGTTCTAAAAATTTGTTATCATCTCT TCCATTGGCGGCCATAAATAAACAATCTGTACAAGAATATCTTATCAACATACATCAAGGATACATCTC ACAAATAACTATTTGAAGTTTCGATAACTTTTTAATTTTTTTTTCAAATTTTAAAGATATTTTATGTAAT TTAATTTCTGTAACGACATCGTATTTATTTATAAGTATGAAGTGTCTGTAAACGTACACAAGTTCTTCAA GCTACA</p>
CrLEA2-37	<p>TATTAAGCTTTGTTAGGATGATTTTTAATTTTTAATTTTTAATTTTTTGAATAAATTAATTTAATTTTGT TAAAAACTTGAATTTGTAATTTAAATTTTTTAAATTTATAAAGTGAATTAACCTTATTTTATTTAATTTTT ATTATAAATTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TAATGATTTATGATAATTAATAGTTGTGACATCAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA GGGAATAATAGTTAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA</p>
CrLEA2-38	<p>GGGAATAATAGTTAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA</p>

	<p>TTAATAAAAATTAATTC AATATAAT TAAAATATTTTATTCAAATACATTGTTTCTAATAAAAAATATCTGA GGTATAGACAACAACAAAGCTTGCCATTGGACTGATATAAATGCTGAAATGGAATTCGATACATCCAATGG ATGCATTCCATTTATAGACTTCTATTGAGACATTATTATGGAGGGGTCTAATCATATCGTTCCGTTA TTTATGGAATTTTAGTATTTTAAAGTGATTTAAATAAGTAAATAAAAAATATAACACAGATTTAGCATACAT AGCAGTGAGTAGGCTATCTGTTTGTATAAATAATAGTACTGTTAGAACTTTAATTTACTGCCTAATGTCT GGCTACAAAATTTGCACAGAAATTTATTTTCATTCATTTTCATTTGCTTGGTCTATTCTTATCATATCAGT ATCTATAGTTGCTTTCTAATTTTATATATACCTCTAATTTGTACACATATTTGGTATTGATTTGTTGTCAAG GAGTTTGTCTCTCATTAGGAATCAGTTGCCAAAAGTTTTAGGCTACATCCAACGTTTGATTTTGATTTCTG CCAACCTGAACCCCTCAGAAATTTGAATTTTGAATCACACGGAATCATATCTATACAACCCCTTGCTCTACTA GTCACT</p> <p>TATATTTAAAATTTCAATCTTTTCATTTTAAATTAATTTAATAAAAAATTAACCAAAATATTTTTATTTA AAAAAAGTCAAAATCCAACACTTAAGTCAAAATCGAATAACCCGTTTCATCGTAACCCGCAACCCATTAAT CTAATAAACGGCCAGAGCTAACTTAAATATGGATGGAAAACCGACTCTAAAATTTCTTATTTAAATTTGCG CTGGTGTACCCGAACCCACCCGCCCCGACAAGCAAGCCTAACACCCGAACCCACCCGCACTTGCCGACAA GCAAGCCTAACTTCTACTATGAATGCACGTTGTACGGTTATTACAGGCAAAATCCAAGCACACACTTAAAT TCATTTGATTTAAAGTTTGTATAAAATTAATTTAAATAATTAATAAATTTAAATATAATTTTAAATTTATA CGAGACACATATTTAAATATTGAACAAAATATTTTTTCGGTATTTATTTTATCTAAGAAAAAAATTAATA TTAAAAATATTTAATAATTTGTTTTTTTTTTTTTAAATTTATTTTTTTTTATAAATTTATTTATAATTTATA ATAATAATTTATTTGCGTTAATAATAACAGGATTTGATATAAGGATAAGTTTTAAAAAATTAATTTTATA AAAAATTAATAAATAGATAAATAAGAAAATAAATTTTATTTTTTACAGATAAAAAACGAAAAAATATTC TTAATATTAGAGCGAAATTAATTTTATAATTTCAACAGATAAGAGCTTAATTAAGAAAAGTTTGTTTTTG TTATAAATAAAGGCCAGTTTCTTTCTTAATTTCCCCCTATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT CTATATGTAATGCAAAGTTTCTACCAGAAACATTTCTTAAAGTGGTGAGTAGAAGGTGTGTACAACACAAG CATAACACACACATTTCCCTTATTAATTTGGGCATTACATACACTCATAACACCCCCACCCAATCAGTATC ACCATC</p>
CrLEA2-39	<p>ATTATTTTTATTTAATTTTATATCTTTCTCTCTGTGACATAATATTATCTTTATCAATACGAGAGGATTC AAATAATTTAATAAAGAGATTACTTTTGGACGTAAAATCCAACATTTTACTTTGAAATAGATAAAG CATTTCTTCAAAATGATGCTTACGTCAAAGTTAAATGAAATTTAAAAAATTTATTAACATATGGTAAGT TTAAAATTTATTTAATTTATTTATTTTATATGAGCAAGAAGTTAAAAACTAGGTTAAGTTGCACGTTG TTGTAAGTGTAAACATGATTCGGAATTTAGACATACAAGGAACCTGGTGTAAATAAATAGGAAAGGGGAGGA GAAATTCAGGAAAAATGTTTCATAAGTTTATTGATTTCTGCTATGTGCAATATAGAGGCGTTTACCCAAA ACTAAACACAAACTCTCATCTATCCATAGACACATCGGGCCCTTAGGAATGCTTGAGTTCAACAAGAAAAAT ATTGGTCTGCAACTGCAATGTGATTTTGTCTATTTGGTGTGCTAATGGAAGTCCAAAATGAATAGATA CATACAATTTGGATCGGGTATTGAATCAAAGAAATATATGAATACAAGGCTCACTGCAAGGATGTGTAT ATATAATACATTTCTCCATCTGATTTTGAAGACATGGTGGGGTATACAACCTTGAGCATCAAAATGTT GGAGACAAACATCCCTCTTACATTTTGAAGCATGATTATACCTTTGGACAATGAATGCTGCAACTCTAAT GGAGGGTCTCTTTTTCTCCGGCTTTTTCACGATTTCCGGAAACAAAAGTTAGTAGTGATGATGATGATG AATGCAATGGAGTGAATCTTTCAGCACCAAGAAGTTTCACAGCAACCTTGAGCATAGGCTCGAAAAGC TAAGTTTAAATGAGTCCACATTTGAATACATTACAAAAGTAGTGAGGAGGATGAGAGTATAAAAAATAAG CGAGGA</p>
CrLEA2-40	<p>AGTTGGTTTGAACGCAAAACCATAAAAATTTATAATATCTTTATATTTTTTTAGTTTATTGTCAAAGTTAT ATCAATATCTGTTAAAGAAATGATAACTTTTAAATCATATTCATTAATAAATAAATTTTAACTTGTGAATA TATTATTGAAATATCTATCAATTCATCGTGTTCATAAATACTATTTTTTTCGTGTGACTTAATATATG TAGACATTTTTATTTTTTATCATTATTAATAAATTTTGAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TAAAATCATATTTAACCTTAGTTTAGAGGATTAATAATATGCATATTTTATTTTATTTACTTAAAGATTA TTGCACGCATATTAACATTTTAAATTTTGTATCTTATGTTTTATTTTAAACATTTCTATGAACGAA TAAATTAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AAAAATTTGCAAGCGATAAAAAAGAAAATACTTTATATTAATTTTATGAAATAAATAAATAAATAAATA TATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATTTTTTTAGTTATTTATTTTTATCATTAACAGTTTGTATATGATATATTTTAAATATATTTATTTT AAAAATAATTTATTTGAAAAATAAGAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA CATAATATTTTTTAAAGTACTATTAATAATGGTATTTGTTTTAAAAAATGTAACGCCATTTCTCAAATCGG GTAAGTACCAGCTGGATGATGCTTTTTCCCGTTGGGTATAGATGAAGGGAATTTATTTATCCAGAAAA GAAAAATTTAATAAGAAAAGCATTGACATTTGAGGCACAAGTTTGAGTTTTAAAAAATCTCATTTATTTA TTTAAT</p>
CrLEA2-41	<p>GAGTGTCTCACACTCAGACTCAGACTCAGACTCAGAGTTGGTAGCCACCATGAACACCCCTTGTTGCAACA CCACCCTCTCCAGAAGCCGCAAAATACAGATATCAACCTCTCACACTACCTAAGTCTATTAGCTACAGACGC ACAAGGGCTAAGCAAAGGAAAATCTCCCTCGCAACCTACAAGTTATCTTCCATCGATTCTTTTCCCTCATC CCCTAAATCCCTTAAGCTCAACAGGTTCTCTCAAGCTCAAGAAATTTGTAGCCTCTGTCTTCCACTTCA TGCGAACCGCAGCTTCTTTCAGATCCAAGTCTTCCATCTCCTCCACTTTTGAAGGTTTTTCGAGGCCACC TTTCTGTGTTTAGGATTACTCAGTTTATGCTTCCCATGTTCTTCTTTTCCAATCATTTTTTTTTTATA AAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AGAATATGATGCTTAATCTTGTCTATTTTCTATGTTTGGCGTATTAGTTTTTTCATATGATTTGTCTTTGA AGAACTTCGTGATATGATTAATCTGCTCTTTAATTTCTAGTAGTCCAACAAAAATAAATAAATAAATAAATA TAT AGCTTACCAGCTGATTAATTTAAGATAAGATAGCAATGCACCTGAATTAACGGGTGCCTAAATTTA GGAGGGGGAACAAAAACTGAAAGAACAGTTTGGAGCTCACAAAAGGTGGTTAGAGAAGGTTGCCATTTCA TACATAGCAAAAAATGTACCTTCTATCTGTCCAAAAGATCAGGAGAGGAGATGAGAAAAGAAAACCT TTTCAATACTCTTGTCTTAGAAATTAAGTAACATGCCCCACAATCTGAAAAGGGTTGATTAATCACCACCA TTCATC</p>
CrLEA2-42	<p>TTCCCTTTCTTTAAATCTTCCACACAACAATTTTATTAATAATTTGAAAATGATAAATAAATAAATAAATA ATAATTTGGTTAAACTAATTTTGTAAAGTGTTTATCTTCTTAAATGAAAAAATAAATAAATAAATAAATA AAAAGTTTCCTTTTTAAATTTTAAAAAATGTTATAGAACAATCCGATTTTAAAGATATTAGATAGTATACA ATTTTTAAAAATTTATATTAATTAATTAATGAATTTTTTAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA CAATAATTTGTAATATTAACCATGTTTAAATCAATGATATTAATAATATAAATAAATAAATAAATAAATA ATAGTATACATATTAACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA</p>
CrLEA2-43	<p>ATAGTATACATATTAACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA</p>

	AAATATATAGAATGAATTTATGTTGATTTAATGCATATATATTATAAATATGTATATATAATCATAGAATTT TATTTGATTTTACATTATTAATAATATAGTATCATTTGTGATTTTAAATATAATATTTATAATATAGT ATATATCTAATAATAATATGAAATTAATTAATTTATAAATAAATATATAAATATAAGTGGTATACAA TATATAAATACTTTTATGATTTATTTTTCAGCATAAAAAATATAAATATATAACATTTAATTTTTTTCT ACCATACATAAATAAACAATGTAAGCCTTTACTCCAAGTGTTCACACGTATCTCTATGAATCAAAA AATTTAAGAATAATATTGACTATTTATGAATAATTATATCATAAAAAATTAATTTATTTTCATCGTTTATAAT AACAAATTTCTTTCCCTGATATACCTCTTATCTATATATATATATATATATATATATATATATATTTCCAGTTA CAATGATTTGCTTCACGAACATTTATCACACATATATCTCAAAAAATTTGTTAGGTTGATTTACCCAAAAATCA TAAACC ACAAATTAAAAAATTACAGTAAGTATGATTTTTAAAAATATATTATAAAAAATTAACAACCTTTTAATAATATG AAAAATTTTATTTGGATGAGAATTTAAATTTTTTTACCAATATCATTTGGATTTCCAATTAATCTATTATAT ATTATATTAGATGAAATTAATTTTAAAAATAAATTTATGTTAGAAATACTTTTATTCGATAAAATTTTTTA AAATATATGAATTTAAAAATTTTAAATTACTAAATAACAAATTTTTATTATATAAAATAAAATTTATAAAATC ATTTAGTATTTTTATTAATAATTTAATTTAATGTATGATTTTTATTTAAATTAAAAAATAACGACCATA AAATATATACCTATAATTTATTTATTTTTAAAAATTTAATAACTTGTATTAGTATATTAATATTAAT TATTTCAATGATTAACATATTAACCTTTACATTTTACACAAAAATAAAATAAAATCCAGTAGTGAATTTGCTCT TGCTTATCCATAATACACTCCTAAAATAATCTTATCACGTCCATGTATTTTTATATATTTCTTATATTTTTAT AATTAATCTATAATTATATATAGCCGTAATTTTCATCATTTTTAAACAGTTTATAAAGTACTGCCAAATTA ATGTAACCTGATGACCCATAATACAGCATTTCATTTGTTTCATGCGTTGTTCTAAATTAGGAGTCAACTG CGGTACCGTTATTGACTAGTATTCAGAAATTTCAAAATTCGACAATCTCCAGATGAACTAAATTTACAA ATATCAAAATTCACGCAGTCACATGAGGAATGCAAAATCGACAGAATCAAAATTTCCGAGTATATATCA GCGCTAATTTATTTCTTTCCATCCAGAAATTAAGCTTGAATCGACAAAGATATAACATTTATCCATACTTA TATCAAAATTTAATAGTTGATTTTCCCAATTAATCTCCATTTACTTTTTATTCCCTGAATAGCCAGAACCA GAAACC
CrLEA2-44	CCAAACAGAGCCTTTTATATTTATTTATTTATTTATAACAGAACTTGGAAAGTTTATCTCAGTATACTAGGA AAGGAAGTGAGAATCAAAATATACGATAAATTTCAAGTATAGTATTTTAGTGTGTTTGAATATATTTGCAC AGTAAATTTGGTCTTATTTTTATCTATTTAAAGAAAGAAGATAAACATTACTTTTGTATTCTATTTATAT AAAGTTTAAAGATAATACTAATTTTTTATTTTTCATTAATATTTTTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTA GAAAAAGTAAAAATAGAACAAATCAATAAATAAAGAATAAATTAAAAAATTTGTTCAATAATTAATTTAT AATAATGATTTTTTTTTGTCATAATTTATTTCTCTTTAAATAAATAAGAGAGAGGTAGCATTTCAATTA AATTAAGATTTTACTTTAAGAAAAATTTAACTAATATCATTTAAAGCATTATTAAAAAGTTTAAAGTAGA AAATTTTTGTTAAAAAATTAACAACTATTATAATACACAACCCTATTATTAGTAACCTCCTAATATTATTT TTCAATAAAATCTTTCTATTTTGACCTCAACAACATTAGTTAAGAGTACCCTTGCTTTAATAATTAAGTTC AGGCATTAACACTAGGCTTTATTACATGAGTTATGAAAGAAAAAGCTCGAATTTAAGTAAAGAGCAACA GCAAAACAGGAAGATTAGAGCTAAGTTTGTGGTTAAATATAAGTATAAAACAATAATGAAATGGAGGCA ACTTCCCGTACACTACAAGCGTGGCTGAGACAGATCAGAAAAACGAAAGTAAAGTATGAAATGAGTGGTGA AATAAAGCATTACATTTTCTCATGGCTATATAATGCATATCACATACAGCATTGTTAAGTAAAGAACAT TCTCCAAATTTGGTGAATCCATTACAGCAAGCAACACTGCTTTGCATTCATATATTCCACATAAAACAAT TAACCA
CrLEA2-45	CACCTAAACTTCATAAAATATTTGCAATTTGCTCATTCAACTCTCTTCTCATATATAACCATGTTTGGTT TTGTTCTTTATTTTTTGGTTTAGTGTTTAGGTAATTTTTAAGTTGTTGCATTTTTTAATCTTTGGTTGAA ATTTAAAAATAATATAATGTGAGGTAACCAAGTGAATTTAAATTTGACAAGTATACGGAAGAAATACTCA CTCTTCTACCTGTACTCAGTACTCACTGGTCAATTTGATAAGGAATATGGGGATACAACCTCATATACCCTCC TAGAGCAAAATTTCAAGGAAATTTTATCTTTTTAAAAAATCCGCTAATAATAAGTATGAAATGAGTGGTGA TACCTAGATCATTATCAATCAATTTAAAGAAAAATGATAAAATTTGGAAATTAATGTTAAATTCATAATAA AATTTATTAGCAATTTAATGCTTGAACCTAATACCTTTGTTTAGATAAAAAAATTAAAAAATAGATAACAAT TATTTATTTTTGCTTTTTAAATGAAAAAGTAATTTTTTAGAGGTAATAATTTTTTAATTTTTTTCTTT CTTTCTTTCAACCAATCAAAATTTAAAGAAATGTTGCTTTAATAAGTCTTTACGGAAAAAGCAAAAGTTG CTTTATTTGTTAAATCTCAATAAAAGCTTGAATGGACAAAACATAGATTAGATTTTATAAATTTCTTTT ACTGTTATCTTTAATTAATGAAAGCTGATCTATTAATGACATTCATTTTTTAAAGCATAACCTTATTT TAATTAAAAAAATATAAGATTTGACCAATTAATTTGTTGAAATTTAATTTGGTGAAGAAAAACATACTG AGCTTAAAGTCAATAAGATGTTAAGGAGACGAAGAATTTAAGAGTGAAGGACATTTGCAATTTGTTGACCG GCGGAACGTGAGAGGTTAGAGCTGGATACAGCTAAAAGGTTGTTAGTATGAAATGTTGCCATCTCTCCCTCT CTTAGT
CrLEA2-46	TTATGTATAATTTAAAGAAATATGTTATGTTATATTTTTATATAAATTAACAAAGTTTATGTAGGATTAA AAAAGATAGATATTTTATATGTAATTTTTGTTAATTACAAGAAATGGATGAATGGTTAGTGAATTTTTTAA TAAAAATTTATAATTTATATTTGCAATTTAACGATTGAACATTTAAAAAATAATCAACTTACATCTAC ATTTGATGTAATCCACTTCTAACGTGTAAGAGGAAATTTTTCTTAAAAAATACTCTTTTAAATACTCTAT CTATTTTTTTTATCGGTCAGAAAGAAAAATATAGAAATATAAAAAATACAATTAATATTTAATTTTTT AAAAAATTTATTTATTTTTAATTTATCATTTTATATATAAACCTTTTTTTTACTGTTGATGATATAAAAA TATATATAATAATAATAATGAATTTTTCTTAAAAACTAGAATACACAGAAAAATGAACAAATTTTTTT TTGTACTTTTTTTCTATAAAAAATGAAAAGGAACGGAGGAGAAATATATTAACATTTAATTAGAAAAACAAG GAAAAAGTAGACAGAAATGAGTCGAGAAATTTTATTTTACATTTTTTACATTTCAAACCTGTAACCAATCT GTCAATTTGGCTAAACAAGTAACAATTCAGGATTTTAAATTTCTGGGTTGTTTCCACCGTTTTGTTACTAT CTCTTTGATTAGCAACTAGGCTGCGTCTATCATCCATAATCTACATTAATCCACAGAACTAAACGTCAC GAATAAATATAAAACGTACCTAAAATGATACCAATAAAACACATTTGAAGCATAGACAACACAGAGG ACCCATAATATAATTAGATCAATTTGCCAACTCCTATAATGAAGGTTCAAGAATTTATCTCGGAAGTG CTCATGTCCCAAAAGAAAAAGGACAAACATAATAAATGTTATTTCTTTTTATTGAATACTTTTACATAAC AAATAT
CrLEA2-47	TTCTCTGCAATTTAGAATTTATGTTGTTATTTTGTAAATACATTTAACCTGGTTTTATTTATGTAAACA TTAAATAATAATAGTTAAATTAATATATGATGACAGATGTCTGCACGTTATTTGGTTTTGGTGAAGGGGT ACCAACCCCGTTATTTTTCAGGGGTACCGGAGAAACCACCATTTTGAATCGATACATATAATGATTA AAGTGAATTTGTTACTGTTTCTCATAAAATTAATGGCTTTTGAATAATAAAAAACAATAAGTATTTA AATGTTATTTAAAGTAAAAATATTTACGATTTTTGGGTGAAGGGGTACCAACCCCGTTATTTTCAGG GGTACCGGAGAAACCACCATTTTGAATCGATCATAATAAATTAAAAAAGTGAATGATCTGTTCTCTC ATAAAATTAATGGCTTTTGAATAATAAAAAACAATAAGTATTTAATGATTTTGAAGGTTGAA
CrLEA2-48	ATAAAAATTAATGGCTTTTGAATAATAAAAAACAATAAGTATTTAATGATTTTGAAGGTTGAA

	<p>AAGAATCAGAGTTAGATCCTTACGTGGCCATTACATGAAGGCTTCCACATGGCGCTTTCCGGTCCGTTTAC CAGCTTTCCATTTTGTATCTGAATGAAGCTTAGCTAATGTATTAGCTGGAAAGACCAAAATGGAAATAAA AACAGGTAAGAGTGAATGACAGATGCAACACAAAGGTTGGAGCTGAAAACCAACCAAGATATAGGC AAAGCAGATAAGTGCCTTGTATCATGATTTGATCGCGCATCTATCAGCCCGTGTATCAACGCGCGGGTG GTAATAGGATTCACCAGTCGTGTATGAATCTAGAAATTTATAACAGACCCCTTATTCACCCCAAAATA AATTCCTCAACTCCTTTCTCAGCTTCCATAACTGAAAAACATCAATTCGCGAAGTGCTGCCGGTCTCT GAGTTT CAGGTTCAACAATTAATAATGTTCTCAATATTAATAAAAAAAAAACTCATTAGACCTGTATCTGATTTGGG CCAGACCATAAAGTTTAAACGAATGAGGCCACTTTGAAGTTTGGGTCATCATTCTCAATCTCTCTTGA CCAAAACAATAATCTCATCCTTTTCTCTCAGCTGATGAACCTGTTTACTGTTAAGCTTAGATGTGAGATG CTAGAATATGGGATTGAGGCAATATTTTATTTTAAAGAATTGACAATCTTCAACGAATTTCAATGTATA TTAAGTATTAACCTTTACAATAAATATTTAAACAATCCATAAATAACAAAATAAAACACATAAACAAAT GTTTTATGGTTGTTAAATATCAATATATGAAAAGAAAATGACTAATTGATGACTTCTCCGTCACAGTG CGACGCATTCGCTTTAAAGTCAGGAAATCTGCAAGGAGTTACTGGGTATTTGGCATGCAAGTTTGGTATT TACTTTTTGTACAATACTAATTAATAAAAAAAAAACTATTTTTTATTTCTTATCTCACACAATGTTT TCCTTTAAGTAAATAAAGTTAAGAAAAAACACATCTTTCTATACGCATTACTTTTTCTCTTTTTTC CGAAACAAGGTTAGGAAGAAGAGTAAAAAGCATGTGTAATAATAATTTACTTGTCTTATATTAATAAAT AGCAACTAAGCCCTTGTAGAGAGAAGGTTGAGTTTGTAGGAAAATATAAAAATGAGGATTATGAGAAG GTAGTAGGAGACAAATGCTTTAAAGTTGGGAAAGGAAGATACCAAAACCTTCCCACTTAGAGATAAAG AACCAATTTTTGTGCACTTCCCTACTGGCTTAAGCTTGCCAAACCAACCACTCCTCCCTCAAGTC TCACCCACACACAACAATAAATAAATCCCAATAACCCACATGGGTTGATTTGAAATTTCCATCA ACCTCC</p>
CrLEA2-54	<p>TTTGATTGAACATGTGGTGTAGTAAGTATACAACATATCTAAACATTAGTTTTCTCTCTAACTTTGTGCTC CATTCATCCAACATAAACCACAGACACCAAGCAGTGCTTGTATAGTAATTTGGGGAAATGATTTGCC TGGAAACAAAAAGTTATCACATCCATGGAACATGCCTTGTAAATGCGTCAACATTAATCTACCCTTA AATTTAGTTTTCAAAAAACACCTTAATTTGTGTTAAAAAATTTGGATTGTTATTTTTCTGTTCTTTTT GTCTTTTAGATAAAAAAAAAAAAAACCATGTTAAGAATGCTCGTAATTTGAAAATTTAGTAACTAACA CATTATATATGAAATAATATAGTTATTTATTTCTTAATTTGAATCATGAAATACAAATTTTACAACTAA TTTTTTTCATGTATCACATAATCAATTCAAATTCAAACCTTTAAATTAATAATATATATCTTTAACTT TAATATCTTTTATAACAATTTTTCTAATTTATCTTTTCTCTTTTAAATTAACCTTATTTGTTGTAA TGCGGAATATTACACTTCATTTTTAATTTCCAGCTATGAATAATTTGTTATTAATTTATCTAATATCATA TATTACCATAATCATACTGCAATTTATTTTCACTATTTGTTTGTAGATTATTTTTTAAACAAAGAAATTA TATCTAATATCATAATATAACAATAAAAATTTTAAACAATATAGAAAATAAAATTTGTTTGTAGTTGCAG ATTTTTCTTTGTTAAATAATTTTATTTGAGTTAAAATGTTAATTTGAAATTTTAAATAATTTTTATAAA ATTTTTAACACGTTTTAAATTCAAATTCAAATTTCTGATTGAGTTAAATCAATTTTTGGTTGCAAACTC AATCAGGGATTTGAATGACAGTTATCATCCATACAGCTCACACGCTCCGTCGGAATCGAGTAATAACAAA CAATAA</p>
CrLEA2-55	<p>ATATATTTAATGATAAAATATAAATCAATATTTATTTATTTATATATAAAATATTTCAATTTATATAAT ATGTTTTTTATGTGATACATCTTGTAGAATTTGTTTATAAAAAATAATTTATTTTTAAAGTAATTTAGG TTAGAATTTTTTTCTTGGTAACTTTATAAAAATATAAAATAAATAATTTTTTTTAAATAATATGATTAT TATAAAATCATGTGCATTAATTTTAAAAATTTAACTTATATTTCTATTTTATATGTTTAAATAATATAT ATATGTTAAATTAATATTTTAAATAAAATTTTTAAATTTAACTTTTATAATAAAATTTCTAATTTAATA ATCAAAATTTAATAATTCATATCTTATAAAATATTTCAAAACAAAATAATTTGAAATAAAGTATTTATACC CTTTAATTTATTTTTATTTTCACTAATTTTCAAAATCATTTAGATATATATGACGTAAGTTGTTCTTTAT TTTCAGACTGCTATACTTTCTTAGTCAAACCGAAGGTTTACTTTTTCTTTTGGTCTCGAATATTTCTTTCA CTTACAATAAATCATTTAGTTCTTACAACCTTAAATAATGTTGAGTTTATATCTTATTTAAATTTGATATC TCTAAAATAATATTTAATAATAAAATAAAAAAAAAAATTTATATATAAAATAATTTGCGGAGCCTTA AGAGTAAAGAAAACGAAAGGATGTTGAGCACTGCTGAACCTGTTGTAAGAATTTCTCAACATTAACAT AAACATTCAAAATCCAAATCTCAATGTAGTCAACTTTATCTCTTTTGGCAATACCCAGAAAAACACACT GTCCCACTACTACAAATTAAGGCTTTTATCCCTTCTTCACTTTCTTAAACCATTACTCCACTTAA GAATAACAACATCTTAATCTCTTTCATCGCTTTGTCTGAGTAAAGTGACAATTTTTAGTAATATCTAC TCAAAC</p>
CrLEA2-56	<p>TTCTTTTTCAAACGTTCAAATTAACGCATTTCTTTCTATGAAAAAAGAAGAAAAGTAATACTGTTCA GATAGAGAAGAAAAGAAAGTAGTACTATTGGAAAAATATATCATTTATAAAGAAAGACATAGAAAAGATTA TTTATTTGCAATTTAAGGAATATATTTGAGTTGATTTTAAATTTGATCGTTGATTTTACTAAATTAATTTGT AATTTTTTTATAAATAAAGCACTAAAATAATTAATTAATTAACGTTGATATAAACAATCAGTTATCTTAAT CCTTAAGAAAATAAATAACGAGGATTGATAACATTTTTAATTTATTTTATGGAATAAAAAATCTATTAAT GATACTTGCCATTGTTAAATAAGGAATATATCTCCTATCATTAAATATACACAAAAATTTATTTTATGCT ATCATAAATGTTTATACTATACCTTCTCATACATTTTTTTTTCTATGAATATTAGATCATGACTTCTTCC ATAAGAAAAATAATGTAGAGACTTTTGGTCTGGAAAATATACCAATTTATATATATGCAAGAACTAAGAC AATATTAACATCTTTTATCTATAGCTAAAAATGCTTAAAAGCAAGAAAGTTAGCTCGACCACTTCGACGGC ATTACATATTGATTTAGTATTATAAAGGTAATGTTGAATAATTTGGCATTGTAATAGATAAGTCTGTCATA CAAAAATAAACCTGATAGTGACCCTTTCAAGTTTAAACCATTAACCTTAACTTAAATTTGAGGCTTATGCT CTTCTTATATACCTGCTTATACGTTTCAATGTTTCCACCTTGTGCTAGTTGCAACACCTTATGACC CATCTATATATATTTGACAGAGAAACCAATAAAGAGAGAAAAGAGATATATCATCAAGGGCTGTATC CACATATATGAGTACACATACTCACATATATAATATATGATATATTTCTTCTAGCTATTGTGATACCA AAAAAC</p>
CrLEA2-57	<p>TGTTTCATCCAAGATTTGCAACAACGACATTTTAAATTTATCATCTCTGCAATCGTCATTTCATCATAAGAC TAGGATTAGCTTCTTAATATTTTTTAAACGAAAGGTTGTTATGAGTTATCCAATATTTTTCTTTATTTAT ACATGTATCACTTACATGGAACAACCATTTCTATTTTATAAAATGCAAGTGTATCCGAGATCATAATTT ACCTTCTTCTTCTTTTTCTGTGATGATAAATATCGCTCACCTTAAATTTACCAATTTTTTTTAAATTTTAT ATATAAGTGCATTCATCTGCTTCTTTGTTTTTTTTTTTTTTTATTTTAAAGCAATATGCTCCATATATAG ATAGATAAATACTTGCTATATATGAAATTAATAAAAAATGTCAAATATACTACCGGAAAAAATACCCAAAA TTAGTAATTAATTTACATCTTATTTGGTAAATGATTTAAAGAAAGACACTTTTGGTAAAAAATA TCATGCAAGTAACTAATCTTTTTACTGAAAAGAAAATTTGGATTGATAAATCTTTTATGATTGTTTTTAT AAGAATAAAGAATAAGATTCGTTTTGATCTTTTTGTAAGCTCAATCTACTTCGATTTGTATTAAATTA</p>
CrLEA2-58	

	<p>TTTTATAAAATATTTTTATTTAAGTGAGGAAATATTTTTATTGATGATCGCCCAACTGGAAAGAGATTAA AAGATTGTATCTCATTAACTTAAATTTTTTTTTATAAAAAATCATATAAAATTAATAAAAAATTTAATGTTAC TCGTAATAAATACTAAATTTCCATAATCCACACATGCTCCCTATGATGCGTACCATTAACCAACAGCTT TTACGCTTACGCGCAGCAGCTTTTTCTTCTAAGCCTACTTAACAAGCTCACAGCTGCAACGTTGCAAAAGC ACACTCATCTTCTTCTCAATTCTGTTCAATTGCTGAAGACAACCTCGTAACCTCGTCACTCAGTGACT CACCCA</p> <p>TGTCATCCAAGATTTTCGACAACAGCACATTTTAATTTATCATCTCTGCAATCGTCATTTCATCATAAGACTA GGATTAGCTTCTTAATATTTTTTAAACGAAAGGTTGTTATGAGTTATCCAACATTTTTCTTTTATATAC ATGTATCACTTACATGGAACAACCATTTCCTATTTATTAATGCAAGTGTATCCGAGATCATAATTTAC CTTCTTCTTTTTCTGTGATGATAAATATCGCTCACCTTAAATTTACCATTTTTTTTTAATTTTTATAT ACAAGTGCATTCATCTGCTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTATGTATTAAGCAATATCGTCCATATATAGA TAGATAAATACTTGTATATATGAAATTAATAAAAAATGTTAATACTACACGGAATAATACCCAAAAT TAGTAATTAATTTCAATTTACATCTATTTTGGTAAATGATTTAAAGAAAGACACTTTTTGGTAAAAAATA TCATGACGTAACATAATTTTTACTGAAAAGAAAATTTGGATTGATATATCTTTTATGATTGTTTTTAT AAGAATAAAAAATAAGATTCGTTTTGATCTTTTTGTAAAGCTCAATCTACTCGATTTGTATTAATTAAT TTTTTATAAAATATTTTTTAAAGTGAGGAAATATTTTTTATGATGATCGCCCAACTGGAAAGAGATTAA AAGATTGTATCTCATTAACTTAAATTTTTTTTTATAAAAAATCATATAAAATTAATAAAAAATTTAATGTTAC TCGCTAAATTAACATAATTTCCATAATCCACACATGCTCCCTATGATGCGTACCATTAACCAACAGCTT TTACGCTTACGCGCAGCAGCTTTTTCTTCTAAGCCTACTTAACAAGCTCACAGCTGCAACGTTGCAAAAGC ACACTCATCTTCTTCTCAATTCTGTTTCAATTGCTGAAGACAACCTCGTAACCTCGTCACTCAGTGACT CACCCA</p>
CrLEA2-59	<p>AATTTTTAAATTTATATTATTAATTAATTTTAAATTTTAAAGTTAATAATTTTTATTTATATTTTTTATAA ATTTATAACAAAATAATAAATAAAGTAATTTAATTTAATTTTTTAAATAATTTTTTAAAAATAAAAACAAA ATTAGTTTTAGTATTTAAAAATAAAAATAAAAATCACCTCAACAATGTTTTAAAAATTAATAAAAATTT CTAAACTGTTAAATAATAAAAAACTTAAACCTTAATATATTTTTTAAATTTTCATACATCAATGTTTGATT TTAATTTTCAATAACAATATTTATATTTAATTTTATTTTTTAAATTTATAAAATTAACATTTCACTTCA TATCCCATTCATAAATTAATAAAAAATGTTAAAAATATCTATCACATTACATAAATTTGGTAA AGAAAATTCATACAATGTTTAAATAAAAAATAAAAATGATAAAAAATATTTTTTCAATTTAGTACGTCAT GCTTGAGTTATTTTTGTTAATTTATTTATAGTATTGATTAACGTAATAAATAGATACTTTTTTTTTT GTTGAATTCATCAATTTAATTTATGGATCGAATTTAAATGAGGAAATTAATTAATAAATAAAAAAGATTA TAAAGATTAATTTTCGATAAAATAAAGATGTCAAAATCATAGAAGGACTAAAATACGGAATCTAAAGTTGT AATTAAGTCAAAACATAAATTAGCGCTTCTTTTTGTTGTTATGTAATTTAAAAACGTAATAAAAAATACAAAAT AAAAAAAATTCAAAAGCAGTAGTCAAGTTGAAATTCACATATGCCCTATGACGTAGCATCATCAACA CAACGTTTTACGCGCACAGCTTTTTCTTCTCAGCTACTTAACAAGCTCACAGCTGCAACGCTGCAAAAGC ACACTCATCTTCTTCTCAACTCTGTTTCAATTGCTGAAGACAACCTCGTAACCTCATCACTCAGTGACT CACCCA</p>
CrLEA2-60	<p>TTGCCGTATATATCGGTATATTTGATCTGATTTAATTTAAAAATATTATCATAAATGCTTGATGGCAGCGT TAATGATAACTTCGATAGGTGAGCCTCTCTTTTTGTGCCACTTATCACACAGGCTACTACTATTTGTGTTT TTATCCAATTCGATTTGATTCGACCTCCGCCAAGTGCCTGCTGATGTTGTTTTAACACAATCAGGCTAA CGGGAGATAAATAGGTCCAACACCAAAAATTCATCTTCAATTTAGATTTTCAATTTGTTAATTTGTTGATG TCAAAATTTAATTTAAAGTGAATTTTTTATCTTATAGTTTATAAAATTAATTTTAAAGTGTGATATTTATG AAATTTTTAAAAATTTATAATTTATTTTAAAGCTATTTTTCTTATGTTTAAAAAATAAATCTTCCAAAAT TATTTTTGACTTTTTCTAAAACATAAATAAATTTTTTCAACATAAACGATTTTATTTACTTTCTAATGT CATTTTCTATCAACTTTTTAAAACAAATGAACCAAAATATAATGAAATTTTCTTGATTAATAATTTAATAAAT AATTTTAGACTTCCAAAATTTCTGATAATTTATACCTTTTTTATTAATTTAAAAATTAATTTATCGTCATTTAAA TATACTTAAAGAGCTGCATAAACGATAGATAGTCTGTTGAAGTCTTGCATTTGATGGTCTGCGATATAGATT AGACTTATCTTATTTGTAATGATATTTATTTGTTGATGTAAGCATGAATGAGGATTTGAAATTTGGAAA GTAGAAAATGATGTAAGTGCATAAGCATATCATGATAGTTGAAGAAAATAAACGCTGACACTGATTTGAC GAGTGTGATACAGTAATATCGTAGTGAGTAACAGTGTGATGAAGATGGCGGACCTTGGATTAGGTGTTGA CACCAAAGTTCGTTACAGTTGGTTCCGCCCTCAGTTTTCTAAAAATAACCAACCCAGTAACGCCACCCGTACA CACACT</p>
CrLEA3-1	<p>AAACAAACAACCTTTTTGAGTTTATTTATTTATTTAATAAATTAACATTCATGAGGAGTAACAATTTTCATA ACTTAAACGAGAATAGGTTTAAATAGTTAAAAGAGTCCCAAAATTTATTATAAGAGAAGAACAGAAAACATT AATAATATGGTTGAATAATAAATTTAATATTTACATTTGTAACAACACTTTTTTATAAAAATATGTAATTT TTATTAGTTACATAGTTACTAAAAGATTATCTCTAAATATAGAAGATTATAGCCATTAATAATTTAACTTT TTGTTCTAAAATAAAAAGAAAATAATTTACTTAAAAATATAGATGATCAATCATTTTCATATCCATTAAT TTAATTTTTATCATTTTTATTTTTTTATGTACAAAATAATTTTTTTTTTATATACAAAATAAGATCGTTCATT ACTAAAAGATGATTCATAAATTAATAAATAAAGTAGATAAATTTATTTTATGGATTAAAGATTAATAAGT TTATTTTTATTTTTTTGAGTAAAGCTAATTTACTTTGTATTTTATTAATAATGTAACAATCTATATCATG AATCTAATATGCTAAAAGATAAGCATAGAAAATAATAAAAAATCCTGACTTTGAAGCCTGGACAAAACATC AATGAAACTTGTGACATGTCATAATCTTATAATGAGGGAACCTTCTCTCAGTAAATTTTCATACCCAAA AAAAAAAACAAGTTGGTCACCTTAAAAAGTATTAATTAATCTATCGTATAAGGGATATATCCAAAGACA GATAAAATCCTTTTATTTTTGTTTTAACTAAAGAATATTTATCGCAGGATTTGGTTAAAAGAAAAGAAAG CATGATCATTATCAATAAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAG CCATGATTCTCGATAATAGTAAGTCTTATGAGATATAAGTCTGTTTTAGAGGGGAAAAAACCACTTCTTTCT TCTTAT</p>
CrLEA3-2	<p>TTATTTAAATCTAATTTATTTTATTTAAAAAATTTAACAAAATTAATAATTTATCTATTTTAAATAAGTCA ACACAAATTAGACTTTTTAACTTCTTAACTTAACTTCTTAACTTCTTAACTTCTTAACTTCTTAACTTCTTAACT AACTATTTTTCATCAATATTTATCTTAAAGAAGAAATTTAAATAATTTTTTATTTTCAATTTTCATATTTTCCT ATACACTGCTTTCTTTTTAATAAAAACATAATTTATAATTTTATAAATCATTTTTTATTTAAATTTCTAAAT ACTAATTTTAGTAATTTAAATTTTCTAAAATTTGAATTTGAATTTAAAAAATAAATTTTGAATTTGAAATCATATCA AATGAAAATTTCTTAATTTTGTGTAATTTTATTTTATCATTTTTTATGAAAACATTTTATATAACTAT TTGATATTAATTTTATAAAAAATTAATTTAATAATTTTATAAAAAATTTTATGCAAAAACATTTTAAATGTT TTATCATTTCAATGTTATATAAATTTCAATTTAAGAGTTAACAAATTAATAAATAAAAAACAAATGTTAGGAAAT TATAATTTTAAATAAAAAATAATTTATTTTTATTTTAAATTTTAAATTTTAAATTTTAAATTTTAAATTTAAAT ACATCATCTAATTTATTTATCTAATAATAAAAAAATACTACTTTACTCTTATTTATTTTATTTTATTTTATTTT</p>
CrLEA3-3	<p>ACATCATCTAATTTATTTATCTAATAATAAAAAAATACTACTTTACTCTTATTTATTTTATTTTATTTTATTTT</p>

	<p>ATCTCATACTATGATGTGCTATTGTAACATCAAAATTGACAGATTCCCCCTAAAGTTGTTGACAGGCTTT CCTTAACACTCGGGTTGGTATGAAAATATTGCACTATTCAATGTGGGTCCTCAATTGAAATAGGACCCAG CTCTATGAATGTAACAGGTGGCAGCAAGAAGAGTTGCACATGAATAATTCATATTTGACGGGGCTAG TATTTCTGCCTTAATCATGACCCAAATTTGTCTTTACTCAATTAACGCGTCTCCACTCTCTTTCTGCCC TATATA TTTATGTTTTTAGTAAATTAGGATTATAATAGGTATAAATTATGGGAATAATTATATAAAAAATTAATTA TAAATGATAAAAATAAATTATAATTAATAAAAATAAAAAATATATTTATAATGTTAATATATTAATTA TATTTAAAATATTAATAATTGAGCAATTGATAAGAGGTAAAACATACTGCATGAAGTCATAGATTTAAACC TTATTTCTTTTATAGTGTACATAATTTATTTTATTTATTTGCGATTTTCATATAAAGATTTGGTTGATA AATTAGTTTTTTTTTATACAACATGTAGAACGGTGTGTAATTTAAATTTTTTATATCCAATGATTCATTAC TATATATAACTTAGTTTTATATTACCAATTTAAATTTGTAATAAATAAATAAATTTCTGATTTTAAGATA ATTTTGCATTTTCGTCTCTGTTGTTGTTTTTGAATAATATTTATTTAAAATTTTTAACCACTTCAAAATA TTTTTTAAACGTTTAAAATAATCAATTTGAAAAAGAAACAAATTTTTATCATTTTAAAGAAAAAGTTTA AAATAATTTAAGATATTTTAAAATGATAATATATTTAAGATAAACATATTTTAAATAATATAAAAAATA AAATCAATTTTCTTAACTTTTTTTGAAAAATTTGAAAGCATGCATTAGTTTTTAAATTTTAAAAAT TACTTTGTTTTCTAAGCTTAAAATAAATCGATACAGTTAAGGTAACGTTAAAATTTGATGCATAGAAGTG TAGCAATAAAATTAATTTGTACAGTTTGTTCATCCCTTCTCTAATTTCCGTATATCTACACATTTTGT TTAGGATTTAGCAAAATTAGTTCGAATTTATGCTTTAAAAAGAAAAATAATGGACAATTTACAATTTAAAA AATGGGTATAGGAATCAAGCAACAGGGCTACTGAAAAAGAAAAATGAATAGGTGTGAGAAAAAGAAATTT GTGACG</p>
CrLEA3-4	<p>ACATTTTTTATTAAGTAAATTACAATCATATTTTTAAAGGTAATTAATTTTTATCAAAATAGTTATTTTT ATTTTTATATCAATTTTCTAATTTATTTAATAATACAATATCATATTTTCTTTTTATTAATAAAATATCT TTAATATTTTATACAACCACATTAATAGAAAGTTGAAATATCCGATGAATTTTCATGAATTTATTTGTAAT GTAGTTTTATCCATTTTATTAACAAGGGCTCATGTGAGCACTCCCTTCTCTTTTTTCTTACTTACTTAA AATGTTTTAAGCTGAAAAAAGATACTCATACTCCATAAGGTTAAAGATTTTTTTTTTAAATTTTTTA ATTTTTTATATTTTCTTCTCTACGTAACACAAATCCGACTCACTCCATGGCATATGTTCTGATTCAC ACGCATTCACACAAGGTAGCAAGTAAATGGAGCAACAATCCGTTATATAAACATCAAACTTTAGACCA TACATGAATCCATATAATAATATATATCTTTGTCTCTCCACAATAGTAGTATATTTGTTGAAGTACGAGA GCAGAGTTTCATTATATCATAAATGGAAAATGGTGTGTTGCATCTCCTTTGAGGTTTTATGAATAATAAAT ATATATATATATATATATATATATATATATATATATTTGTAATTCACCTGCGATACTCAATGAACAGAAA GAAAGAAAAAACAATAAATTTTTCTTGTAGTTGTTAAAACCTGTTGTAGTCTCCTAATTTTTAGAGTG CCTTGCATTTGTATTTGAAGTATGGCTTTAGAACCACTGATTCATTTCCAAAATACAATCACACAACACTT TCTGCCTTTGTTGACATCAAAAAGTACCCTTTCTAGATGGCTCTGTGCTTCACATGAATAGAACTTA TTCTCCATTCATCCTTCTTACTGCAGTACTAGACTATTATAAATACCCATCATAAAGGCTCGAGGCTTT GAAAAAG</p>
CrLEA3-5	<p>TTTTAAATATCTTTAAAATTTCAAATGATAAAAAGAAAAAGCAAGAATGGAAGTTAATAAATAAGGTACAT AATAACTTGTATCTTTCCACCCCTTTATCATTTGAAATAAAATTCATGAAACTATAAAAAATTTTTTTT GAGAATCAAAATATGTATGAAAAATACTTCTAAAACCTATAACAAGATGAGAATATACATTTCTAAAATTT ATATCCTAAGAAATAAATTTGTGAAACTTGAAAACAACACTCTCAAATATACCATTGTTTCATTGTACT TTTTAAAAGAAAAATGTCATTGATTTTTTATTATATATATATACCTTAATAAAAAATGAGAAAAAGAAATAA TGGGAGAAAAAGTTCAAAAAGTAATTTGATAAATGATATAAATGATAAATAAAAAATAGTAGAAAAATAGAA ATATAATAAAGTATTAATCAAACTTGGAAATTTTAAACTATTTTATAAGTTAAACAATATATTTTTAA ATTAATAAAAAATTTATAAAAAATAAATATCATTTTTTAAATCAACATTTAATTTTTATTAAGTTGTGTAT AATGCTAATCCATCGAGGAACCTTAGATAGTTCTTCAAATGTTATTTTTTAAATTAATTAAGATTGATTT AATAATAAAAAATTTAAAATTTAGAGTAATTTAATAAATCATGTTATTTTTTTTTAAAGAAAAAGAAAGATTAT AATAATTTATCTCTCTTTATCTGTAACAAAATTTATAAAAAAATAAATAAATAACAGTTTCCCTTTCAA GTAGCACAACCAACGATACCCATTTCTCTCCCTAATCATAAACGAAGATTTTTTTCCCTTCTTTTTTAG GGCAAAATCTCGAGATTTAATAACAGATACATTAAGTTACTTTTTAATTAATTAATAAACGATAACAAATTT TAAAAAATAAATAATATCAAAATTTACATTTTTAGTAAATCTTAACTTTTTTTTTTTTTGACTTGTCTTAA GTTAGC</p>
CrLEA3-6	<p>ATACAAGACCTAAAATTTGGGAAGATCTTAAAAATAGAGAGTAAAAATTTAAAATAAAAAATAAATTTTTAA TTAAACCTTTGATATATTTTACATACTAAAACAGCCGTTCAATTCATCATATGAATAAAAAATGGTCCAACC CGAGTCTTAAATATTTCTTACGAATTTATAGTCAATGTTATATTAAGATTTATGTTTATAAAAAATAAGTTT TGTATATTTTTTACACACTTTGTTATTTATTTTTATTATATAAATAAATACTAAATAAAAAATTTATATAT TTATATTTTTTAAAAATAAAAAATTTAATGTTTTTATTCATAAAAAATATCTCAATAATATAAATAATAT TATTTCTTATAAATATAAATAATTTTTTTATAGACGTAGAATAAGTTTTGAAAATTTGTAAGATTTCAGTA GTTGAAATTTATGGATAAAAACGTTTTTAGTAATTAGAATGGTTAGTAGAAAAATTTAAAATCATGATTTTTTA ATATGTTCAAAATTTATAAATAAATAAATTTTTTATTAAGATTTATAAATAAATAAATTTAATGTTGTT AAATTTGTAATTTTCAATAAAGTTTTAGTGTATGCAATTTTTTAGTGTCTTAGTGCAATATTAAAAAA ATTTCTTAAAATTTACTGTAAAAAATAAATTTCTATTATGGGATAAGTTATGTTTTTAAAGTATAAAAAA TATATGCTTAATAGTCATAGATGAATTTGTGACAGATTCGATATTAATGACTGTAAACATGAAAAGGAAAT ACAAGCGCATCCTCATCTTACTAGAAATTTATGCAGAGAATTTATGAAAGTGAAACAAAAGAGGTGAAGTG GTGGTCAAACAAAATAAAGGGAACCGCTTAGCCTGAATACCCACGTTGGTTAGACACGTTGGAGAATCT GATTCGAGATTGCTTTGTGACACTGCAGAGATTTAGAAGATAGATGTCACCAGCGAGGAGCAACACAG GCTACG</p>
CrLEA4-1	<p>ATGAGAAACAAATTTTATAAATAAATTTATCTATATTCATATCATTTTTAGCTTGAATGGATCAATTTTTTA AAATTAATTTAAATTTGATCTAATGCAATAACAAAAATCAGCTTTTATGATTTTTTAAATTTTTTATAAAT TATATTAATTAATCAATTTCTGAACATCTTTAATTTAGGAGACAGAATAAATTAATTTAGATAATACT ATTTCTTTTATAAATGATTAATTTTTTAACTTTTATATCAACCATTACTTTTTTTTTTCTATTTACTGT ATATTTGTTTATAAATAAATGATATATGAATGCAATTTCTTTGTTTCCGAGATGGTGATACCGGTTTGT CGATTTGTAAAAAATGTTTCATTTGATTAATAAATGTTGGTTATCATATATTTTAAATTTTATTTTCAACT CATTTTACCTATTTAATAACACACAACATTTATTTCTTTTCTATAAATGTTCAAGAAAAAATAAATAAATC TCTGTAGTATGAATACAGAGTGAATAATCATCATTTTTTCAGAATTTCTATAAATAAATGTTCTGGATTTT TGACGACTCCAGCTGGACATATATCCATAGAAGGATGAGAGGAATGATTTGGTTACTCCTTCTTCTCCTTC AGTATGTGGCACCATTTTGTGTTAAGATAACAATACATCATATAAATGAATCATGATGTTGGGCTTGTAAATGG ACCCAGTGACCTACCTCTCCTCCTCAATCAACACTTAAATCTTCTCATATGTTCCCTCCTCCTCGCAAT</p>
CrLEA4-2	

	<p>TCTCTAACCCATTTCAGATTAGATGTCACCACCAAGGAGCATCTCATCATGACGTTGCACACTTCCCAAGC ATGCCCTGCCAAATGTCTCCACCGCCCTTCCCGCCAGGTGCCACTTTCCTCATACCCCATGTGTCACTCA CTCCCTCATTCTTTCCATTCCCTCCCCACTCATATATATCATCAAACCCCTATTTCATTCTCATAACA AATTCG ATAAAAAGAATATTTATTTAAAAATTTGTGTTGTTAATATAAATTCATAATTTACATGATTTAAATATTAGTT CAAAATTCCTAGACTCCTCCTTAATAATTTTCTACAGTAACTATCCAGCAAAAAACCTAATTGCATAAAC GACTCAAAAATAATATATATATATATATATATATCAATCAGAATTTATTGATATTATGTACCAAAATTTAAT GTTTATATGATTTAATAATTTTTAAGAAAAATAAAAATTTTATTAATTTAATAATTAATTTAAATTTTATA TTTATAAAATTTTATATAAAAATAAAAATTAATAAATTTTATTTATCATATAATTTATTTTAAATTTTAA TATATTACTTAAATATTAATAATATATTTATTTAACTTTAATAATAAAATCAAAAAATCGATTAAATTA AATAATCTTATATCTTTAAAAAATTAATAAATTAATAAAATAAATACTAAGTATTACATCTAACATAGATTTT GAAACATCCCTAGTTAAAAAATCTTATACTATATAAAAAATTTAATAATTAATTTAAATTTAATATCTAA CGTAGATCTTGAAACCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTGTAATACTGAACCTACCATAGCACCTGAAAGAAA AGGTTGAGACTTGAGAGAACCGCAACCGAGGCACTTAAGCAGAGTTTCATTATGCTCTAGAAAGACTGGTAC GTGTCATTTGGGGAGTTGCAGCTGAGTGTCAATTTGGCCATTAGCCACGTGTGTCTCACGTTCAATG ATGGCCACTGTTACTGTTCCATTTAACCTGTTGTGCTGAGCTCCCTGGGATTTGGCATTAGCATTGGGTT ACGGAGCATTAATTTAATTTATATGTTACATTTTGGTGTCCATATATATAAAGCCTCAAATAACCCTCCTT TGCTGTATATAGCTTGAAGCCTTCAACACATAGCAAGTTTCACACATAATTGGTATTGCAAATAAGTGCG TAAAAAG</p>
CrLEA5-1	<p>CAATAATTTACTAACCAATAAAAATAAGTAATTTCTCCACAACACAATCCTTTTGTACATTTTGTTTT TTAATAAAAAATTAATCCAATTTATCATCATTATCATTATTTTAAATTTAATAAATTAATAAATATCAT ATAATAAATAAATAATTAAGAATAAAAATATATAATTTGAATTTATAATATTATAATTTAAACCAAACAC AACCAGCTGCATGCCATTGTAAGAAATTTTTTTTATTTTTTTTATTTTTTCTATACTATAATAAGAAATA TTAATAATTTTCTTATTTTCTTTTAAATAAATGGTTTTTATACAGCATAATTTTAAATTTAAACTAT TAATAAATAATTTATAAATTTGTACTAATAAATAAATAAATAAATAAATAGTTTGATTAATAATTTATCAA TACATTAATAATTAATAAATAAATAAATTTATTTAATAAATAAATTTCTATAAATAATAGTATTTGAACATTTA ATTAACAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TTATTTATTTGCTATTAACATCTGTTACTAATAATTTACTATGAATATGAGAATGCTTAGTTTTCTAGTCA TTTTAATATGAAACCAATCAATGATGGAATAACCGTAATTCGCAATTTTGGACTTCCATATTTTTAATTTAA ATTTAATACCGTTAATTAATTAAGTAATATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TGGTACATGCTAGAAGTCTAGAATTACCGTGCAAGATTAGTATGTTGTCATGATAGCCATTTTAAACAGT GGCACTACGTGCGTGTCTCTTTCACCTTTAGCCACGTGCCATGCATGCATTCCTATGCTTACTTCTTC CCTAGCTATATTTATTACTCTGCATTAGTTTACTACTTTAATCACAACACATGCATCTTTTTTACTCTAT AAAAAC</p>
CrLEA5-2	<p>AACTAATTTTTCTAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TATTTGTTATTTATGATAAATAAGGATATTTATATATATATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAA CTATATATATTTATTTTATATAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA ATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA CGAATATAATGATTATAAATGGTGTATAGAAAATGTTATTAGATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA AAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA ATTAATTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TCFAAACCATGAATTAATGTGGAAGAAAGAAAGCGAGGTTGATTAATACCCTGTAATTTCCAAAGTGAATCAG GTGATTAATTAGGTAACGGAAGTGAATTTGGACGGAGACGAAGGTATTTGACGCAGAATTTAACGAATCAGG TGCGGTGATTTACGGTATAAATATGTTGCTGACATTAATGCGGTGGAAGGTAGCTTTTGGATGTGATTA CTTTGATGCCTGCACAAGTAAATATCTTAAAAGGAAATGTAACCTGATGGATTAATAAATAAATAAAGCAAT GAAAGTGATGGAGATGATCTCGTATATCGGGTACATAACATGGTGTAAATTTAGTTAGTTAAATGATA ATGGCA</p>
CrLEA6-1	<p>TGGGTATACAGTCCATCGTTTGAATTAGGGATACCCAAAAATGGTATAAACAATAAATAAATAAATAA ATATATATATATATATATATATATCTTTTATCTTTTGTATTTCTAGGGACAACCTCATAATTTTCTCA TCTTAGCTTCCACCAATTCGAAACCGCAAAATCAGTTGCTTTACCTTTGATAAATTTTAAAAAAGAA GCATTTAGCGTATTTAATGTACAAAAGGAGGAAAAAACAAGAACATTTTAAAGCAAGGAAGAGAATT GAATATGGAGCATTTGGTTTATGTGCCATGTAAAATGCCAATACTTTGCATTTGAAAATTAAGATGT AGGCAGAATTTGATATAAATAAATAAAGCTTTTCATAGAAAGTAAATGCAATAGAGAGTGAGGCAGTAA AAATTTTGGCAATGTTACGCATTCACGATGCAAAAATGTACCAACTAATAAAGATTTCTCAATTCGTTAA ATATGAAAGGAATAGAGTGAATCGTGGGATGTAATGATATCTAAAAATCTGCATTTTACAACAATAA AAATATAAAGCATCTAATAATTTTCAGTTCTATTTAAAGATTGACGACAAAAATAGCTAAATTTGCCCTTCA CCAAAAAAGAAACCGTGTAGAAAAGAGGAAATGCAATGACAGTTCCCTCTCTTTAATAGATAAAGGA GAGATAGAGGAAAAACATTTGGAGAGTTTCAACACTGCATAAAAAATAAATCAGCATAAATAAAGTAGGA AAAAAAGAAACTCCAAAGAAATAGGTGGAGGAGAGAAGTATGAGGACATTTGGGTGGTTCATCGATTATCAT GTGGGTAGGAAAGGTAGGTTTGTCTAAAGTTGCCACGTTTCCCTGAAATGCTGGAGGAGCAACACGTTGA AATATAGGAAAAATAAAGTGTGTTATATAAAGAAAGAAATGAGGGAAGAGGGTGAAGTAAAGGAAAGTAA AGAAAG</p>
CrLEA6-2	<p>CGTATGCAGTGAATCATTCTAACCCAGCCAGCTGGACATGATTTGAATTTGAGTAAATGTTATACCAACCA CCACAACCTCCATCCCCAATTTGTGTACAGATTTCCCAAGGGATGAGTAAAAATGATGAAATTTCAATAT TTTTCTTTTGCATCTCAATACTTAGATGTCAGAAGGGTTGCGAGTTCTTGTAATAATCTCTCTATAAGAT TTGCTTAGTTGTTATATTAGAGGAAGAGGTTGCTGCTTAATAAATTTGCTTACACTATGCTGAGAACCGGG TGATATCAACATTTGCTATATGTTTCTTCTTCTACACGATGATTCGTTCTTTTCCATATCATACTGA GAAGTTAGAATATACAGCCATATAAACTAGTTAAGTTGGTAAATATATTGAAAAATTTGGAATTTTGAAT GTAGAATGTGATCAGATTTAGCAGACTCTAACGCATTAGTCAGAAATCGGTTAACATTAATAAATTTTAA TCAAATTTGATAAATTTCTCAATCTTTTATAAGCAGATAAATTTCTCAATAAGGTCATACAATCTGACTAA GATATATGTTAAACTAAAATTAACCTTAGTGGATTAATAATATATATAGTTTTTAATCTATTAACACTAGT AATAATGAAATATCTGTTTTAGAAAGTATTTAAATAAGGATCTGCAAACTTGTTTTTTTTACTTTACC CTATACTGTTATGCATTAATGTTGTGAGTAAAGGAGAAATGAAAAAGGACAGTTGCGGCCATTGCCCTCAA TTATGTGTAGGTTTGGCATGGTCATGGAAGTGCAGTGGCTATCACAACAGCAATCTCAAGTGACATTTGTC</p>
CrDHN1	

	<p>AACATTTGGTAGCAATTTTTCAGTGACTAGGCACCATAACTCCCTATCTGCATATACAGTGTGTAAGTATATA TAATTCACCTCGCTAGCACCAAAACTTTTGGAACTATCGAATAGAGGGGTGGTATAAATATAAATTAATTT AAATTA AATAAAATAAGAAAGTAATAGCATATGTTACTCATAAATTTAAATTTGATCATAGCTTGTAAATGAATAAAC TCCTTTTATATTTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTTATTT ATTTAAAACTAAAATAAACAAATATTTTCAATTTAAAAAATTTAAACGAAAGATTACTCAATTTTAAACCGT CCATCTTCAAAAATACAACTATAACGTATGCATTGGAAACGACAAGCAGCAGCATGGAGCGGATAAAAACGAC GTCCCCATCTCGCGGTGTACAATGCACCAATTTCTCATTTGCACACAACCTCTCCTTCTCACGACGCAAGTGGCA CACACGCCACCGACCTCACAAAATATATCCTTTTCGAGACCGACATTTCCGGGTCTGAATACACTCCCCACG TTATTCGTCCACCTGTCTCTTTTCTATTGGCTGCGTTACGATCCACCCATTGCACCGTGTCTCCCTCATCT TTCCATCCTCTCCTTTTAGTTTCCATCCTCGCGCTCTCAAAATATTGCTTCACTCGCTCCATTCAGCA AAACCTCTCTCCTTATTTCTATGTTAGTCAAAAAAGGACGCTATAAAATTTGATTCAATGACACAAT TAATTGTGTTAAATTTTGTTTTTGAAATATTATTTAGAGTATCTCAATTAACCTTTTATCATAAATTTTTT TAATAAATAAACATATCTCTAAACAGGTTAACACATTTAAATTTTTTATGAAAAATAATTTTAATAATTT TTAAAGTTTAAAAAGTTAATGTTTAAAAATGGAAAAATGAAAAACTCATTAACTTCCAAATAATGTATAA ACGTTAAGATTAAAGAAAGTGAAATTTCCAAATTTGTGTTTTGTACAGATGCATTTCCCAATTTAGGCTTATA ATGGGGCAAATTCATAGCGGTGATGCACGGAGTGCATAATAGGCGCGTGGTGAACCTCAATTTTATTTTCT TAACCTT</p>
CrDHN2	<p>TAATTAATTTGATTTTAAATGCTTTAAATTTTTGCATTAGTTTGAATTTTATAAATTTGTTATTTTTTAA ATAATTTCTGCCATCATTAAATCTAACAGCATCTAACTATATTATCATATATTATCAACTTTAGTGATGA TATAAAATGTATCTAATTTATCTAACGAGTCATGTAACATGATTTGTTTATAGATATAGTAAGTATAATAGA GATTTATTTATAAAGTTAATGAAAAAATCTAAGACACCAAAATGTCATTTTAAAAATTAAGAATATATTA ATAATTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AATATTTTTTAAACATATTTTTTGAACCTGTTAAATTTTTAAAAATGTATAAAGAACTAAATTTATAAGA TGAGTGTATGATTTTTTAAAAATTAACATACTACAAAAAGTATGCTGCGTCTGCTTGCATTTCTTAAAAAT ATCGTTAATAAAAAATAATTAAAAAATATATTAAGTATATAAAAAATAAAAAATAAAAAATAAAAAATTTTA TTTTATAATTAATAATTTTGAATAAATAAAAAATTTAAAAATAATATTTATTTTCAATTTAATTTATTA AAATATTTAATTTCTATCAAAACGAAATTTAAATTTATCTTAAAAAATAAATTTTAAATTTCAAGTCTTG CTAAACACATTTCTAATAAAAAATATATATTTAAAAATACATTTATTTATATATCTTTCAATTTTTTTTAT TTATAGTTCTTTGGAATATTTCCCTCACGATTTTTCCGTATAACATATAGGCCGTGGCCCTACAGAGGGAC GGGTGCTTCATCTTTTTACGTGGCAACTGGTGTCTGTGCTTCTCGTGCCACGTGTTGGCGCAAGTTA CATGCATATTTCCACCGCCACGGATTCTGCGGTTAATAAATAAGAGGAACAGAGTGAATCAATTTCCAAA TTATAT</p>
CrDHN3	<p>TATACTTAAAGTGTATATAAATTTTAGATGTAATAAAATTCACATACATCTATCAATTTTTTTATTTTATTT TCACTCAAGATATATACATCCAAAATTTAATAAAATAGTTAATTTTTATTTAAAAATATAAATATTTATTA TTATCAATATATCAAAATTTATAAATTTTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATTAGAAAATTTAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA GGCTTGCCTTAGGCCAATTGGATTTCGATTGAGGAAAATCCTTTTTTGTATTGCGAGGAAACACTTTTACA CATTCTTGTATTAATCGCACCATTTTTTTTTATCAATTTTCAAAAATTAATAATCAGAATATCTTATATAT TTGTGTGAATTAATTAATAGATATAAATTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATTTATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TACTTAATTAAGTACCAATGAAAGCCAAAGAAAGGTTATCATTAATGATTAATTAATGAAGTTTATG TAGAAGGAGGAGGGAAGCGAAAGGTTGGAAAAGCAAAGATGTATGTAGTGGTTAGAACGACAAAATAG AAAGGAGATAAAGTGAGGCCACCGGTGACGGTGACGAATCAAGTTTCCACCATTGCTGACGATGCC TCACAGCACACCGTCCATACCGACATCTCCGGTCCACATAGTACACCTCCCATGCTTGTATTACTTTTAC TTTAGCTTTGAACCTCTGCAATTTTGAATCATTGTTATGTCGGTCAAGTTACACATATTTCTACTCTCAT GCCTTTAACTTTCTAATCGTGTAAAGTGCAGGTAACCTCAACTATAAAATGCTGTCTTAACTTGCATTCT TCAGAT</p>
CrDHN4	<p>ATCATTTTTTATTTTTTATTAACCTTTATACACATTTTCTTTAATTTTAAATTTTATAAATAATGTTAAAA TTCTTCCATTTAAATATTTTATATATTTTTAAAGTTATAAATTAAGACGAAAGAAATATAAAAAAATTA AAAATTAAGTGACAAGTTAATCTTAACCCACCCCTGAGATTTCCAGGTTTATTTGGTTTGTAAATGAAAAAT ATAGGATTTTGTACTTTTCCCAACAATTTCTTCAATAAAGTATGATATTTTTTTTCCAGCACTTATTTGTT GAGGAGAAACTGATCTAATTCGAAGTTGTTGATGTTTATATTAATCAATCATAGAATCAAAATTTGATTAG GTCATCCAAATTAAGTTTATGATTTAATTTACTGATTAACCGTATAAAAAATGATTAATAAGTGAA AAATAAAAAACATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TTATATGATTAATTAATTAATATGTTAGTGTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATGATTAATTAATTAATGAGTGTAGGTGGAAGGAATCAGCGATTTTTGTGCACAGTTGCTGCGTTTTGA ATGATACAAAATGAAAGTCACTAACCCCATCAAAATTCATATCACCTTATCCATTTGAGCCTTTCTGCTC ATCCACAAAACCTCGGTACGTGTAACGTGTCTCTATGAATTCGAAAGCGACTACATGGCTTTCAAATGA AAAGGACGCAACCGTGTCAATGCACGTGGCAAGTACATTTGCCAACGCCACATGACACGTGTCATACCATT AAACAATGAAATAGGATTCACCGACTTGTCTTATGACCAGATTTTTATGTTCCAGTTCCCTATATATACGC CATGCTCCAAAACCCCAACCACACAATCATCACAACAAGTTCTGTCTATTATAACAGTAAAAACCGAAAACA GTTACT</p>
CrDHN5	<p>TCATAAAAATGTTTTTAAATATATGCTGGAATAGGTGAATTTTTGTAGTAGTGATTCAAAGCTTGCTCAAA TGGAGAAGGTATGGGTACTTCCATCAAGAAATCGAAACTTATTTTTCGCTATCAAAGCACGCTTAATCG ATCTCGCTTAGACATGATAGTTTCTTCCATCTACGAACCATGGAACCATCACGGTTAAGGGCTAGACTTAT TCTATGTAGGATCCATGTTTCTGTTGATTTCTGGCTACATGGGAATTTCCCTATTGCTATATATATTTAG GTAACACTATTGTTTTTCAATAAGAATAAGCAACCATCGTTATCACTAAATAATATATATATATATATATA TATATATAATAGTGTTCCTCTAATTTTTCAGCATTGTTGGTGGCTTCCCTCAACTATCTATGAGCCATAGAT AAAACATCTAACATTTTCCGCTGTCTCTGTGATCTTTCACTCGCTCAGATAGATACGTTGAAAATAAT GAAAAAGAATTGACACCTCCAGGTTTAAACGGAGAACCAGTTAGATCTTTAGAGCATCTCCAATGGAAAGTTG TTAAGGAGATTTTAAATTTAAGCTTAAATGCTTATTTTTTATTTATTTGAGGCTGACTTAAATTTGAAAA ACTGTTAGAGAGAGTTGCTTAAATAAGCAACTATGCTTATGAAAAAATAAATTCATTTTTGTTAGTTT TAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA TTTTAAAGTTTTTAAATTTATTTGCTGAAGTGAAGTTACTTAAATTTATAAATAAATAAATAAATAAATAA AAATATATATATATATTTGTAATCTACAAAAATAATTTAAATAAATTTAAACAACCTTAAATCAATCTC</p>
CrSMP1	

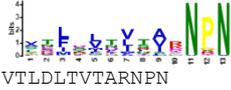
	<p>TAGGTTGAAGATGCTCTTAGAATTTAGATAAAATATAATACATTGTTTGTACACAGCCAGTGGGTGGAGG TCCATA TCATAGATATCAAAAACAGTTCCATCAACTCCATTCCATTTATCCCTGTACGATTTTTTTAATACTTT TTTTAAAAAATATATTAAACCGTTAAATTTAAAAATATAAAATACTAGAGAATAATTTTCATATAAAACCC ATCATTATCTAACATAAATTGACATCATATTTTGGGTACAATGTTTTTTATCTCTTTTTTTTTCTCTTTA TATGTACGTAAGTCTTAAAAGTTAAAACCACATCTCCAAAAATAAAAGACAACAATACAATTTCTCACTT TAATTATAAATACAGTATTTACCATTCCGCATAGGTTACTTAAAAGTAAGGTTAATTTGTTTTTAATTT TCATATTTTAGTCTATATATAAATTTAAATTTATCTAGTATTTTTTAGTAATTCATAATCATCTAATTTTAAAT TTCTTATTTTCATTTTTGATTATTCAAATTAAGTTCCATCCAAGTATTTCTTTTAAATAATTAATAGGAA TTAACGAATATGTATATGTCTATGTGTTATATGTCTGTCAATAGTTGGAGTTATTACTTTAATTTGTATA AAAAGTTATTTTTTTATAGATTTATAATATATAATAATTTAAATCAAAATTTTTATATTCACAAATGTCC ACAACACAAATATATTTTATATTTTTTGCCTTATAGATAAACTTTTAGAGTTTAAAATATCCTAATTTTAA ACAATAAAAAATATGAAAAATTAATAAATATAAATAATAGACTCAGTCATGATGGAACCGTTAAACG ACATGTGCTTCCGTTTCTCAATCGAAGGTCAAAACTCAACGGTAGAACCAAAAACAAGTCTCTGTTTG GCGCCAAGTGTGCTGAGAAGCTTACCGTGTCTCTCCAATGTTAGCCACGTTCAATTTCCAACCATGC ATTTACAATCTTAATCTTCCATTCCTTAAAAAGTTCCCATCCACTTGAAAGCAGCATTATATTTAAAA TAAAAA</p>
CrSMP2	<p>CATAAATTTTTTCATTTTTCTTTCTTTTTGAAACAATGAAATTTTATAAAAAAATAAAATGTAATTTA ACTTTTTATATAAACTATTCACTTTCTACTATACTAACCCTGATACTGATCTTAGATCATTTGCTTTTTTT TTTTTTCAAACATATGGCAAAATGATAACTGAATCAAAAAGAAAAATATAAAAGCATGGTATAAAATTTTT ATCACCCCTCTCTAAAACGGATTCTGACCTTTCTAGCTTAAATAATTTTGCATACATGTTTTCATTTCC AGTGTACACATTTATTTGTATAATACATATCAAGCTTCTTTATTTGAAACGAGTCTTAAAACAACAACAAT TTAATTTTTTATACTCATATATTTATGTTTATTTATATATTTTTCCATCATCATCATCTCGTTACGTTT ATATCCCCCCCCCTTTATGTCTTGTAGCTCTCAAAAGATATATACATTTTTATGGATACGCTGAAA CATCTTCCAAAGGAAAATGTGAGCGAAAACATACTACTGTGGA AAAAGGCAATCAAAATGGAATGGGACAC TAATTTATTTTATCATTTTTTTCACGAAGGTATAGAAAATCGGGAATATCTTAAATGGCATTGTCTATGAC ACCGCCAAATATATTAGAGAAAATAGTTTAAATTTTGTATTTATTTAATAAATATATATATATATATAT AAATTTTTTAAAAAATAAATTTAATTAATGATATAAATATATATTTTATATAAATTTTGGAGTGTCTTAT ATTTATTTATTTTTGTTTTGAAATAGTATTTATATTTATTTTGTATCCCTTAACCGAAAAATGGTGAAA ACAATAATTTGTAAGGATTTGGTATTTGGATATTTTTGTTGAAAAAGGAAAAAGAGCTAGATGGTTGTGAA ATGAGCATGCCACGTTCCCTGGTACCACCTTGTGTGTTGCCAAGTGAACGCTTGGCCACGTTCTCCCG TTCCCA</p>
CrSMP3	<p>TTATTTATTCATTTGAAATCAGTGAATACTTGGCAAACGCAAAACCATTGAAAAATGACAATTGAGCATCT TCTAGATATTTCCAACAAGACAAAATCGTCAATTTAAACCTTGAGAAAAACAACCCTGCGAAATGACTTAA ACTGGTTCGCGCAAACTTTACTCCCAATCCATCCATTTAAAACAAATTAAGATCAGAGCAATACAATAAAT TAATCTCTAAAATCATAAATTAATTAATTAATAGTCTTTAAAATATAAAAAATAAATAATTTCTTAAATTA AATATTTTATATTTAATAATTTTAAAAATTAATAAATATTTTTATAATTTTAAAATTAATTAACCTTATA TTCTCAATTTTAGTGACTAATTTATTAATTTATTTATATATATATATATAATAAAGTTAAATTTGT TGATTTTTAGCATTTACATTAATTTAATAATTTTATATAAAAATAAAAATTAATTTAAATTTTTTATAATA TTTAAATAATATATATAATAAATTTTATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATATATATATATAAATAATTAATAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AATTTATCAAAATATTAATAATTTATACAACGGTAAATAATTTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA CGTTTTCGACCCGTAAGTGAATAATTTTATTAATTTTATTAATTTTATTAATTTTATTAATTTTATTAAT TTTTTGAATGGTACAACCAAGCCAGATGATGATCAAAGTGAATCTACACTTCATAAACAGTGTCTCCCTG AGGTGGACTTAGAACGAAATGCCACCTTACCTTTTGTCTGTGCACAAAACAACGCTGTCTGCATGCACC ATCCAA</p>
CrSMP4	<p>AGAAGACAACAGACGAAAACAAATGTGTATTATATTATATTATATAAAAATTTATAAATAATATCTCTAGA TTAAATCTATTTAATTTATTTAAATCTAATCTTAAGACGCATATGTTATTACTTATTTTCATATTAATAA TTTTTATTAATAAGTGTGTCATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA ATCTATAAAAAAACAATTTGATAAATTAATGGATTTGTAATAGTTTAAATAAATAAATTTATATTTAAAAAT TTTTAAAAATAAAGTTGACTAAAATGTAATAAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATGGTGACATTTGTCGTTTTTTTTTAAATAGATAAAAAATAAATTTTAAACATTTTATACCTGTTGTACAA AGAATTAATAAATAAATTTTCTTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ATTTTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA TTTTAAATTTATATAAATAAATTTATAGAATATATTTTTTATTTATATATCTTTATTAATTTATATA TTTTATATTGCACCTTTTTTATTTTTTGTTTTCCATAAATAATATAAACAATCTTTTGATACGGAAATTA TAGATTTTTATTAAGATAAATTTATTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA CAAAGCAAATGTATATCAACAAAATTTGGAACCGTTTCTTCAAGTACAAGTAGAAATGTTTTGCAAAG AAATTAACACACAAAAGTATGTGGAGGACCTATTTTTGCTATCTCCAGGAGATCATTAAAGCCATACCA AAAAAGCAGAACTTAATCAGCATGTCTAACATGATCATCACTTTATAATAAAGAACAATTTATATTCATAT ATTTCA</p>
CrASR1	<p>AATAATGTTATAAATTAAGAAGCCAAATTTTATCTGTAAAACAAATAAATAAATTTAATAGTCGCATAAAAATA CTTTTGGGAAACTACCTTGTCTGTCGATTAGCCTCCAAGGAAGTCAACACATAAGTATTTCCCTAGTTTTA GGTGACTTCCAGTTCCAAACTACACTCGATCGTAACTTTTAAATTTCCACCATTAATCTTAGTATAGAAGAAC CAATTTTTATAAGAATTCGTGTCTTTCAAAAATAAAGAAATTAACAACAAACCTCCAGCATAGCAATTAC ATAAATAATATGTTTTTTAAATATACTGATAGGGATTTAAATTTGAATTTATATATATATATAAATAAT ATGAAAATAGTAAAATTTAATTAATAAATTTTATATTTTAAAGAACTAATCTTTAATATAGCAAAATAAT TGATGTTGATAAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AGAATGTGTTATTTATTTATTAATCAAAATTTCTTAAATAAATAAAGACAGAGTATTTTGCAAAAGAAA AATATAAAGCAATTTATAGTAAAGAAAGTCAATTTATATGTAAGTTTATGAATATTTTTGTTAAAATTTACA TTCACATCTCTTAAATTTATAAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA ACACTGTATATATTTTTTCAATTTATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA AAAAAATAACCATATATTTTTTCAATAAATTTTGAAGATGTTAACATAAATTTATTTTTTCTATTTAAA TATTTATAGAAACCTAATAATTTTTCTCCATTTTAAATATTTCTTGAATTTGGGCATTGAATCATTCTTGGGAA TTCCATGAGACTTTCCACATACCGGCAACAATAACATCTTTTATCACCTATAAGTAGCTTAATTTCAAT</p>
CrASR2	<p>TTTTCCATGAGACTTTCCACATACCGGCAACAATAACATCTTTTATCACCTATAAGTAGCTTAATTTCAAT</p>

CACAGA

ATTATTTAATACAATAAAGTGATTAATAAACAAAGAAACAACAAGAAAGAGAAGTTTGTGATAAAATGATG
GATAGAATAGAGAGAAGCTAGAAAAGAAAAATAATGCTATATAAAAATATTTGTATAAAAAGTATGTAGGAATA
ATATAATTTATAATTTTATATTTAAAAATAATTTTATTTCAAGAGTAGTTTAACTCTGAAAAGTGATCAA
AGAACATAATTTGGGTTATATTTCTAAAACTCAAACCTGGTAGCAAAACACTCTTTTGAATATATATATATTT
AACATACTTTTTTATAATAGATTTTTTTGTCTTGATCAATAGTGCTCTTAGGATACTCGTTAAAAAATTA
AAATGAGAAATTTTATTAATAATAAATTTGAAATATATAAAAATCATGGCACTTGTAATTTAATAATATTT
TTTTATTTTTTAAAAAATCAAACATTTTATACAAATTAATCATTTTACAAAATAAAATATTTCAACTTTTT
AAAAAATAAATCAATAATAAAAAATATATTTAAAAAGAGTGTCCTTAGTCCTTACATTTCTGGTTCTGAAAT
GTAAAAATCTAAACCCACTCGGTACTCCTGTACACATATCATGATCTCTGCTTCCATGTGCTCCATTTGTT
CAGTGAAAAGGCTTCTTACTGTAGCCAGTGGCCAGCCCATGAAAAATCGTCATTGATACCCACTGTA
ATGGAGATTTTTTCTCATCTCCATGTATCTTTACTTAAATGGGTAACAAAACAATCCATTAATTAATTT
TCTTAATTTATATTTTATAAACTCCTAAATACTATTAATCCTCAAAGTAAAAATTAATGAATATACAAAA
CATAATGATATTTAGGGGACCCATATTTATAAATCTTTTATAAAATCATTTATCATGGCCACCAAGAAAG
CTGCACCTAACCAACCAATTACTCATGGTTAACATAATCATCAATTTATAAATAGGTTACCTAAGCTTCCC
AATTCT

CrASR3

Table S3. The conserved motifs of the CrLEA proteins.

Group	Motif	E-value	Consensus sequence
CrLEA_1	1	3.0e-032	 EKMSAHDEIQKEIATRKKKEERINQAELEKQQAREYNAAAKQSAMAGHMSQ
	2	1.3e-016	 PDTATHPIGEYAQPMGITPMGVVGSNPSGNTGVDS TAPMSGHNF
	3	8.5e-010	 NSGPGTETADLTIGSRPETDATYSTTGPGEIPTTYSTTGPGIETAIFP
CrLEA_2	1	1.0e-113	 VTLDLTVTARNPN
	2	2.2e-167	 RPKKPKFSVTSVTLTQFNLTSPN
	3	7.9e-193	 GGIYDSSTVSVFYRQQIGSGSJPPF
CrLEA_3	1	7.5e-034	 WVPDPVTGYYPENH
	2	9.8e-014	 EIDAELRQTLNKK
	3	4.5e-006	 TRRGYAVASDATRGGLASI
CrLEA_4	1	1.9e-004	 QRQCDZZKRGVIGSMFR

	2	4.4e-003	 FNDVGR LDEEGVINVER
	3	3.6e-001	 PYTLEVDIHF
CrLEA_5	1	6.7e-007	 QTRKEQLGTEGYKEMGRKGG LSSMDKSGGERAZEEGIDIDESKF
	2	1.2e-004	 MASKQQNRZELDEKAKQGETVVPGGTGGKSLEAQZNLA
	3	1.2e+001	 F T C V S N
CrLEA_6	1	6.6e-002	 YKRNGYGTQGHQZPKPNQ
	2	1.2e-001	 GLPLEDSPCLKYKDV
	3	6.2e+001	 GSQHIA
CrDHN	1	3.6e-017	 QHEKKGILEKIKEKLPGYH
	2	2.6e-007	 HSLLEKLHRSBSSSSSSS
	3	5.3e-007	 MANYQBQYGDPPRSTDQYGNPV
CrSMP	1	1.1e-026	 LNARTPRDQDKTKLADVLTDATEKLP SDKAVTRED AEGVIAAEMRNDPD
	2	3.1e-013	 GDKPVDQSDAAA IQAAEVRATGKNNIVP GGLGAAAQS
	3	1.3e-011	 PRQEP I KYGDV FV GELASKPVAPZDAAMMQAAETGVLGQ

CrASR	1	2.0e-018	 L G E L G A A A A G A Y A L H E K K A S K P P E I A R H K I E E E J A A A A V G A G G F A F
	2	5.4e-002	 L F H H H K D E D K P I E T
	3	6.5e-001	 D D V D Y K K E E K H H K H L

Table S4. The *cis*-regulatory elements identified in promoter regions of *CrLEAs* and *CrASRs*.

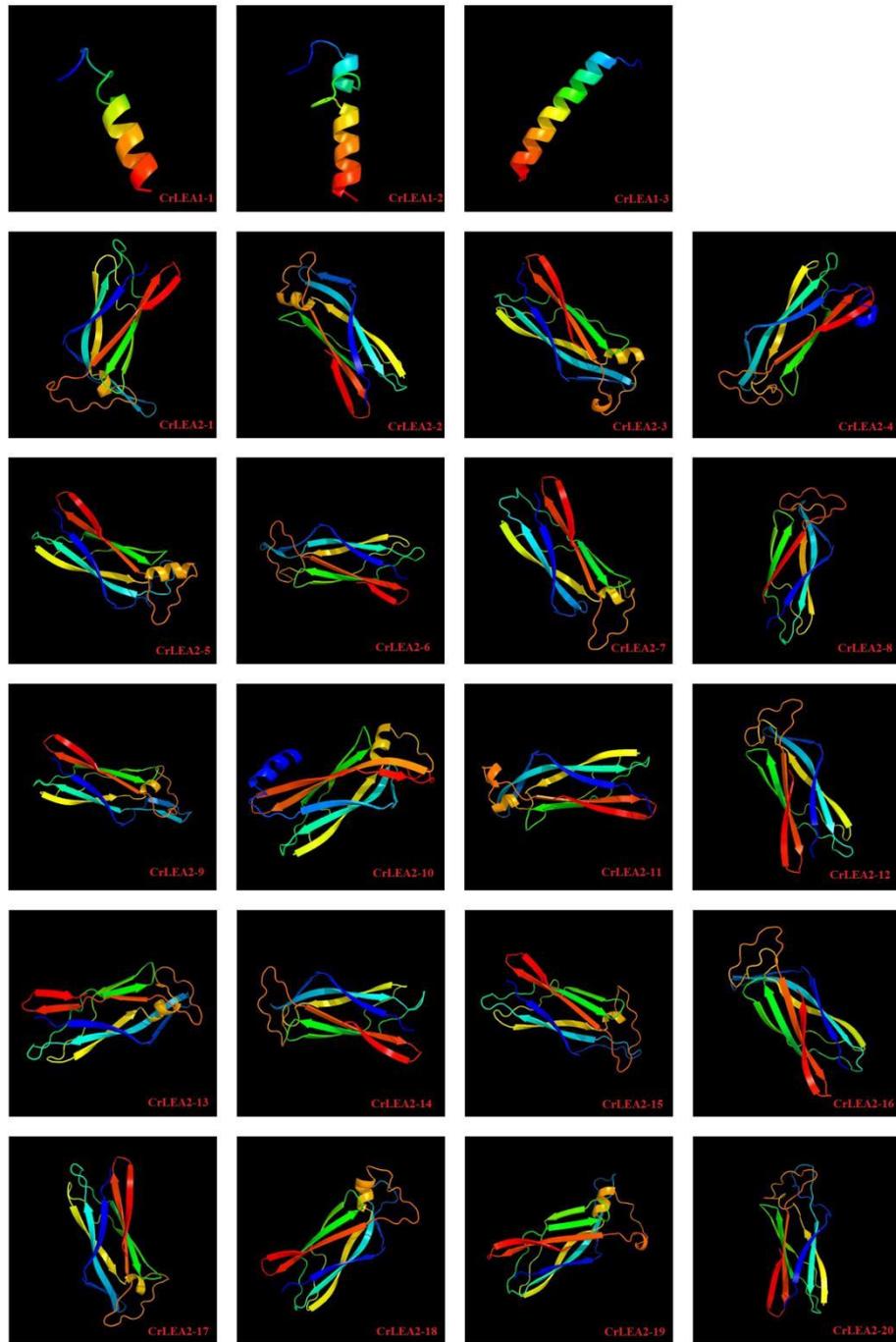
	light responsive element	gibberellin-responsive element	MeJA-responsiveness element	auxin-responsive element	salicylic acid responsiveness	AB RE	E R E	M Y C	M Y B	M B S	TC-rich repeats	LT R	as-1
CrDHN1	6	0	2	1	0	3	0	3	2	0	0	0	1
CrDHN2	7	0	0	2	0	2	0	1	0	0	0	0	0
CrDHN3	10	0	0	1	1	4	4	1	1	1	0	0	0
CrDHN4	10	0	4	1	1	1	1	2	1	0	0	0	2
CrDHN5	28	0	0	1	0	10	1	3	3	1	0	1	0
CrASR1	9	1	0	1	0	0	4	3	2	0	0	0	0
CrASR2	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CrASR3	10	0	2	0	1	0	0	2	3	0	0	0	1
CrLEA1-1	9	0	2	1	1	8	0	1	2	0	0	1	1
CrLEA1-2	3	0	2	0	0	0	1	3	1	0	0	0	1
CrLEA1-3	6	0	0	0	1	1	5	0	0	1	0	0	0
CrLEA2-1	11	1	0	0	0	1	3	1	2	2	0	0	0
CrLEA2-2	6	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CrLEA2-3	4	1	2	0	1	2	0	4	4	0	0	0	1
CrLEA2-4	3	0	2	0	0	0	0	3	3	0	0	1	1
CrLEA2-5	3	2	2	0	0	0	0	3	0	1	0	0	1
CrLEA2-6	6	0	2	0	0	1	0	2	1	0	0	0	1
CrLEA2-7	8	0	2	0	1	1	3	0	2	0	0	1	1
CrLEA2-8	4	1	0	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0
CrLEA2-9	14	0	0	0	0	1	3	2	0	0	0	0	0
CrLEA2-10	10	1	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0
CrLEA2-11	11	0	0	0	0	0	1	0	2	0	1	0	0
CrLEA2-12	6	0	4	1	0	1	1	1	3	0	0	0	2
CrLEA2-13	2	1	0	0	0	0	1	2	3	2	0	1	0
CrLEA2-14	4	1	0	0	0	0	2	2	2	0	0	0	0
CrLEA2-15	9	0	2	0	2	1	3	1	2	0	0	0	1
CrLEA2-16	8	1	0	0	0	3	0	2	2	0	0	0	0
CrLEA2-17	7	0	0	1	1	0	1	1	2	0	0	2	0
CrLEA2-18	11	1	0	0	0	1	1	0	0	1	0	1	0
CrLEA2-19	6	0	0	0	1	0	0	3	5	1	0	1	0
CrLEA2-20	4	0	0	0	0	1	1	1	1	0	0	0	0
CrLEA2-21	9	1	0	1	0	0	7	1	0	0	1	0	0

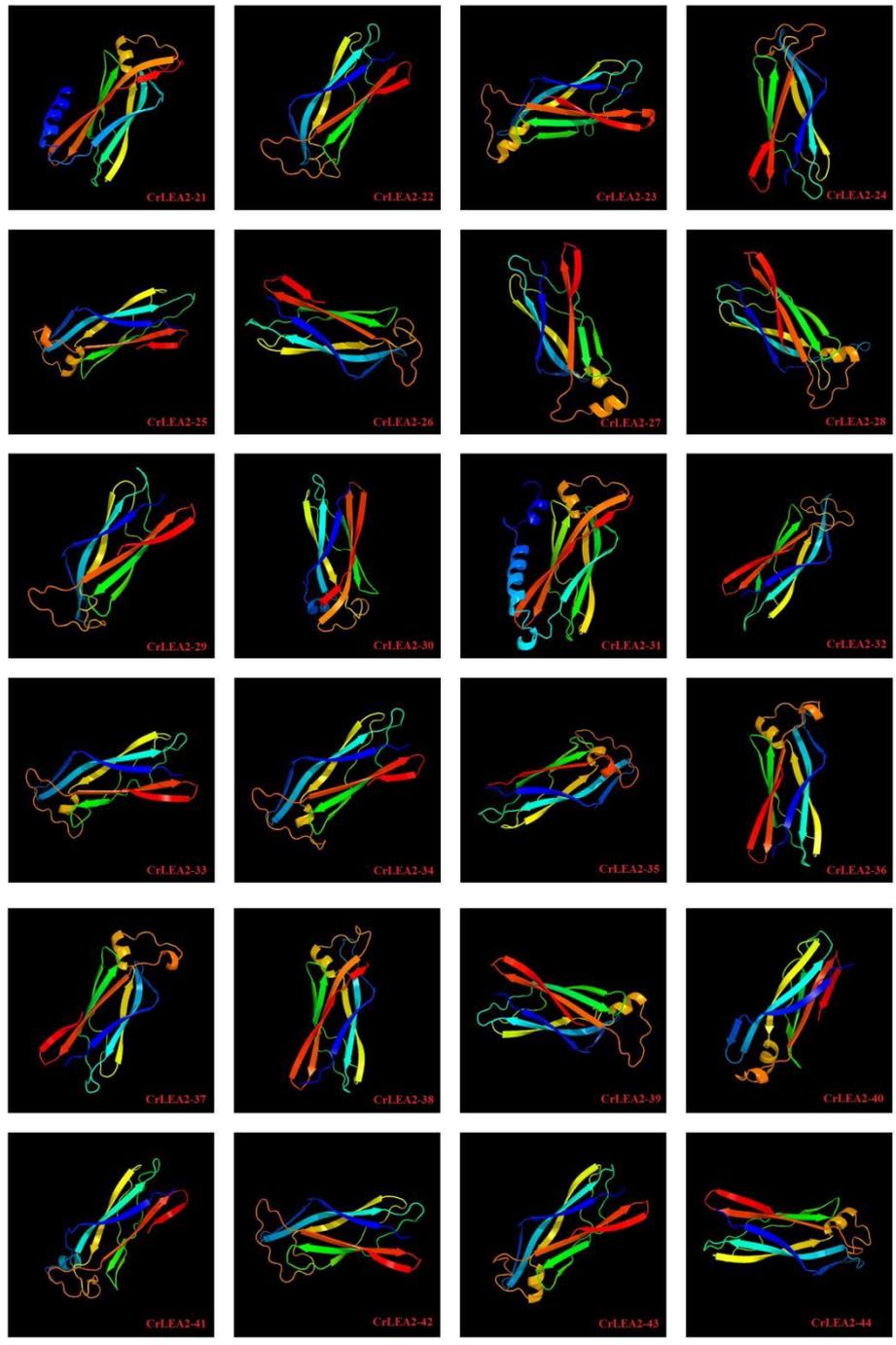
CrLEA2-22	3	0	0	1	0	0	0	2	1	2	0	1	0
CrLEA2-23	8	0	8	0	0	2	2	3	1	0	1	0	4
CrLEA2-24	10	0	2	0	0	3	0	0	2	1	1	1	1
CrLEA2-25	4	1	4	0	0	0	0	1	1	0	0	1	2
CrLEA2-26	8	1	2	0	0	0	0	0	3	0	0	0	1
CrLEA2-27	12	1	0	0	0	1	7	0	2	0	0	1	0
CrLEA2-28	10	0	2	1	0	0	3	0	2	0	0	0	1
CrLEA2-29	11	1	4	0	0	1	0	0	4	0	0	0	2
CrLEA2-30	8	1	0	0	0	1	0	2	2	0	1	0	0
CrLEA2-31	7	0	2	0	0	0	1	1	0	0	0	0	1
CrLEA2-32	5	1	0	1	1	0	1	1	1	1	0	0	0
CrLEA2-33	6	0	2	0	1	1	2	3	1	0	0	0	1
CrLEA2-34	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
CrLEA2-35	4	0	0	0	0	0	1	1	1	0	0	0	0
CrLEA2-36	12	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0
CrLEA2-37	2	1	0	1	1	0	6	0	0	0	1	0	0
CrLEA2-38	11	0	0	0	0	0	2	1	0	2	0	0	0
CrLEA2-39	13	0	0	0	0	1	2	1	1	0	1	1	0
CrLEA2-40	3	0	1	1	0	1	3	3	2	1	0	0	1
CrLEA2-41	4	0	0	0	0	0	8	1	0	0	1	0	0
CrLEA2-42	6	1	0	0	0	1	0	1	2	0	2	1	0
CrLEA2-43	11	0	0	0	0	0	2	1	2	0	0	0	0
CrLEA2-44	6	0	0	1	0	1	6	2	0	1	0	0	0
CrLEA2-45	11	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0
CrLEA2-46	7	0	0	0	0	1	1	2	3	0	1	0	0
CrLEA2-47	5	1	2	0	1	1	2	3	4	0	1	0	1
CrLEA2-48	8	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
CrLEA2-49	3	0	0	0	1	1	0	1	2	0	0	0	0
CrLEA2-50	7	1	2	0	0	2	3	9	1	0	0	0	1
CrLEA2-51	5	0	0	0	0	1	2	5	1	0	1	1	0
CrLEA2-52	5	0	0	0	0	1	2	1	1	0	1	1	0
CrLEA2-53	11	0	0	0	0	1	3	3	3	0	0	1	0
CrLEA2-54	4	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	1	0
CrLEA2-55	3	0	4	0	0	2	2	1	2	0	1	0	2
CrLEA2-56	7	1	2	1	0	0	1	1	0	0	1	0	1
CrLEA2-57	9	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0
CrLEA2-58	11	0	4	0	1	0	1	2	1	1	0	0	2
CrLEA2-59	12	0	4	0	1	0	1	2	1	2	0	0	2
CrLEA2-60	4	1	4	1	0	0	1	1	0	0	0	0	2
CrLEA3-1	10	0	4	2	0	2	4	2	1	1	1	0	2
CrLEA3-2	7	0	0	1	0	0	0	2	2	0	0	0	0
CrLEA3-3	8	0	2	0	0	0	1	3	0	0	0	0	1
CrLEA3-4	4	1	2	0	0	0	1	1	4	0	1	0	1
CrLEA3-5	4	0	0	0	0	0	0	4	1	0	0	0	0
CrLEA3-6	2	0	0	0	1	0	3	1	1	0	0	0	0
CrLEA4-1	11	1	0	0	0	5	4	0	2	0	0	0	0

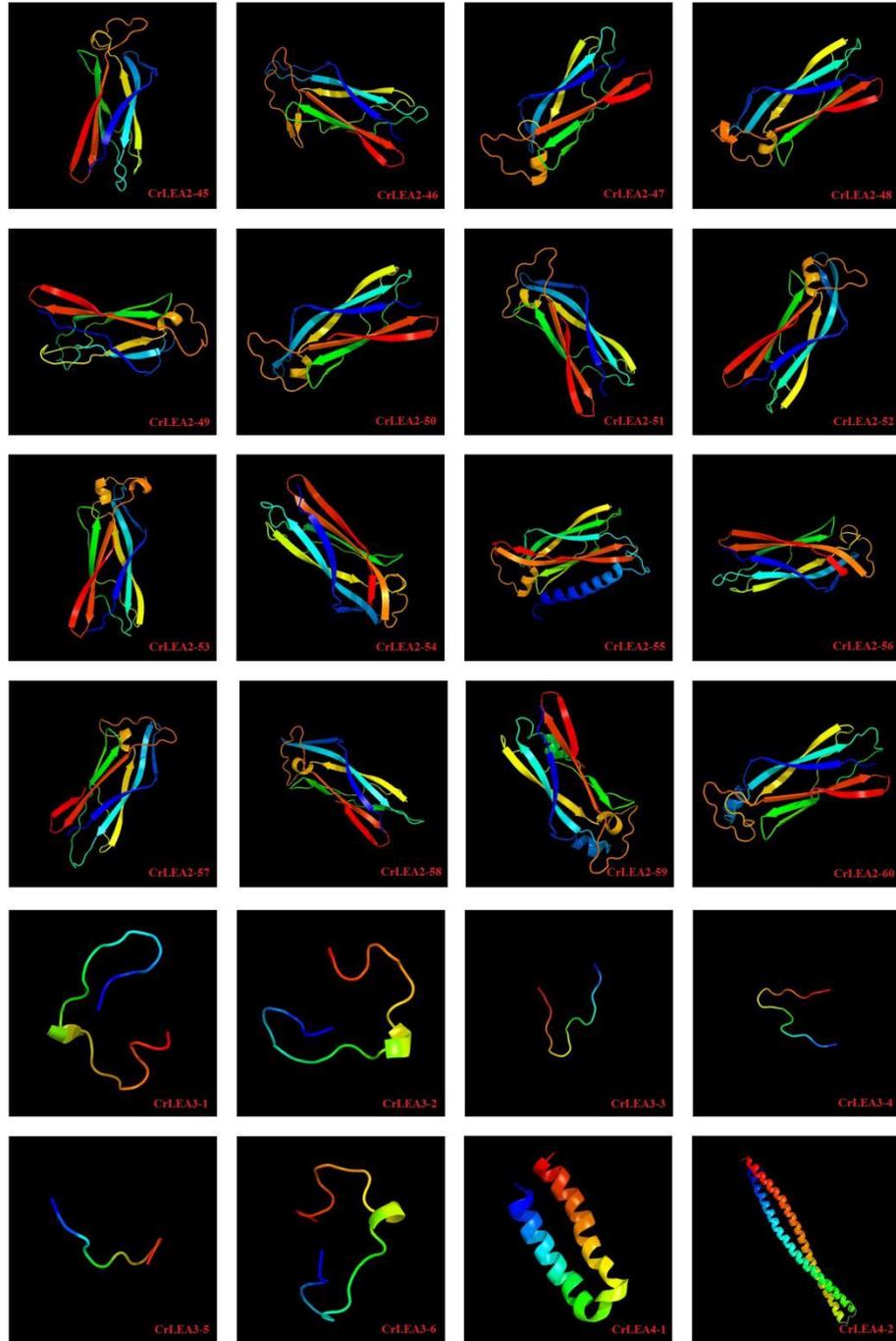
CrLEA4-2	5	0	4	0	0	1	1	3	3	0	1	0	2
CrLEA5-1	18	0	0	1	0	8	0	1	1	0	0	0	0
CrLEA5-2	19	1	0	0	2	4	0	1	2	0	0	0	0
CrLEA6-1	14	0	4	0	0	2	2	1	0	0	0	0	2
CrLEA6-2	11	0	2	0	0	6	0	3	0	1	0	0	1
CrSMP1	5	0	0	1	0	0	1	2	0	0	0	0	0
CrSMP2	10	1	0	1	0	4	2	3	2	0	0	0	0
CrSMP3	5	0	0	0	0	2	0	2	1	0	0	1	0
CrSMP4	13	1	2	0	1	3	4	2	3	0	0	0	1

Table S5. The numbers of subfamilies of *LEA/ASR* genes in different legume species.

Species	Total No.	The No. of LEA/ASR members in each subfamily								
		LEA_1	LEA_2	LEA_3	LEA_4	LEA_5	LEA_6	DHN	SMP	ASR
<i>Canavalia rosea</i>	87	3	60	6	2	2	2	5	4	3
<i>Phaseolus vulgaris</i>	82	5	55	8	2	2	1	3	4	2
<i>Glycine max</i>	149	7	105	11	3	5	2	7	6	3
<i>Medicago truncatula</i>	103	6	72	6	2	2	2	4	6	3
<i>Cicer arietinum</i>	72	5	47	4	2	2	2	2	4	4







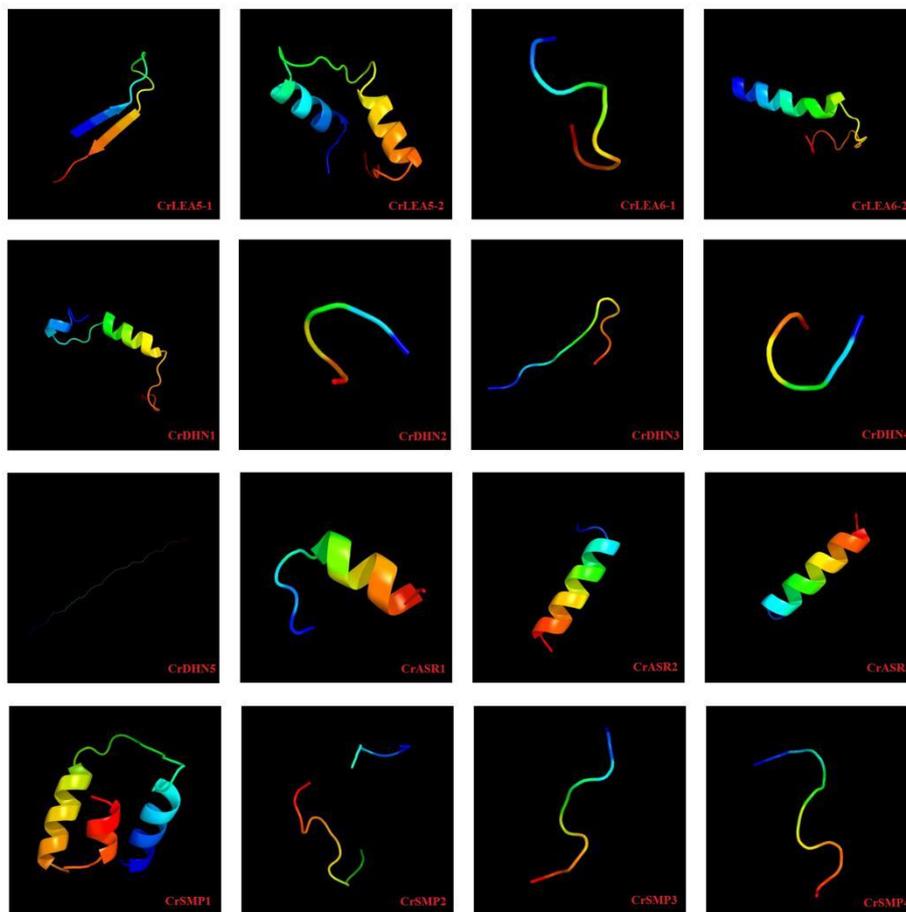
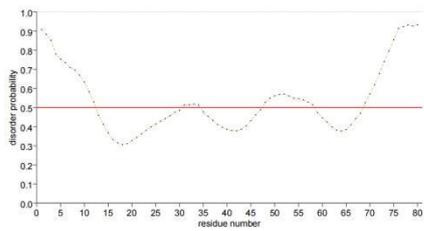
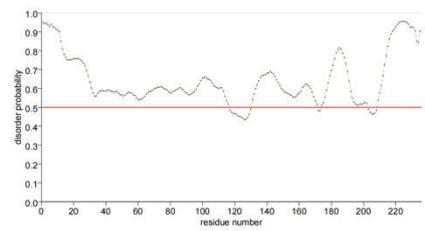


Figure S1. Predicted 3D models of CrLEA and CrASR proteins.



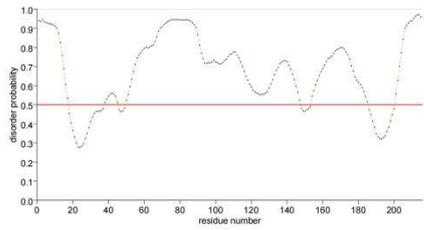
CrDHN1

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



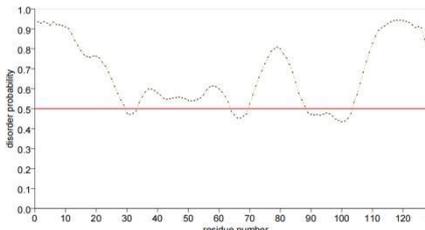
CrASR1

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



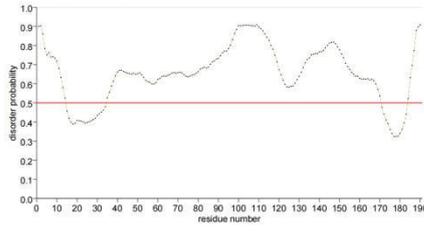
CrDHN2

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



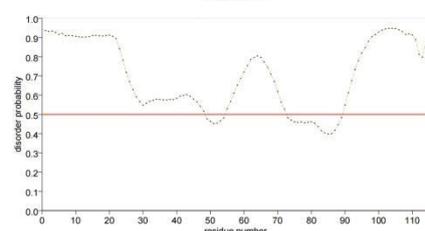
CrASR2

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



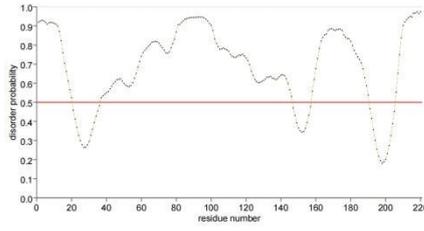
CrDHN3

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



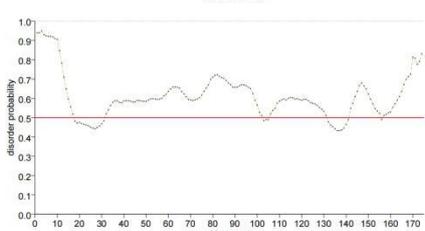
CrASR3

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



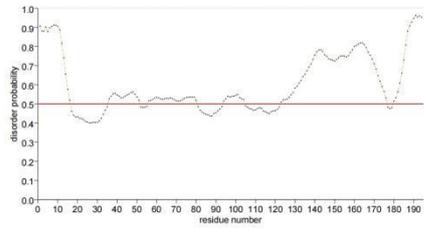
CrDHN4

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



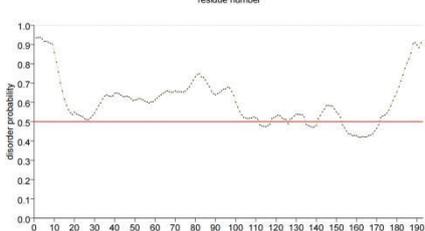
CrLEA1-1

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



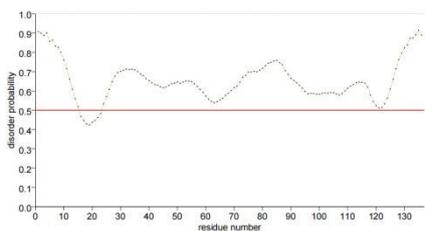
CrDHN5

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



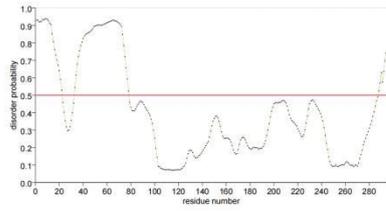
CrLEA1-2

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)

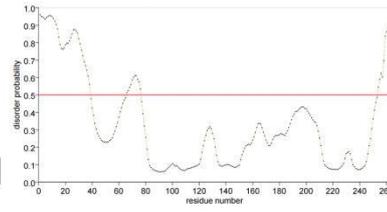


CrLEA1-3

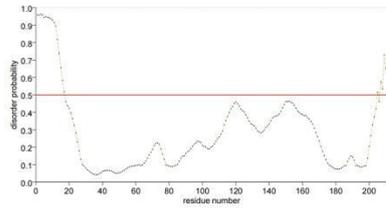
- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



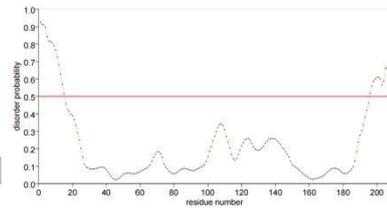
CrLEA2-1



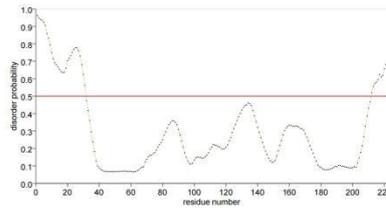
CrLEA2-7



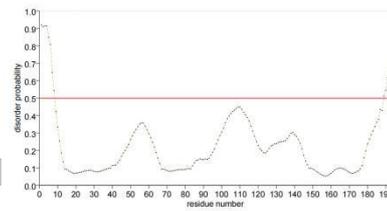
CrLEA2-2



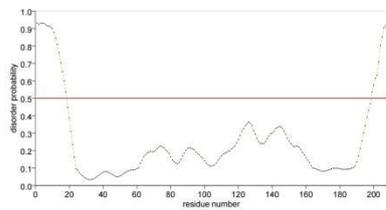
CrLEA2-8



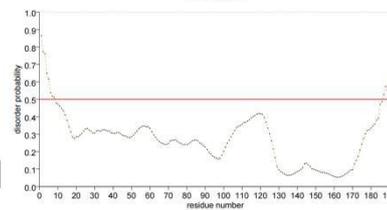
CrLEA2-3



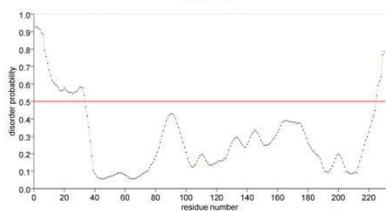
CrLEA2-9



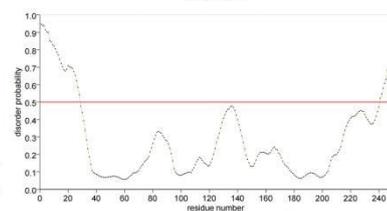
CrLEA2-4



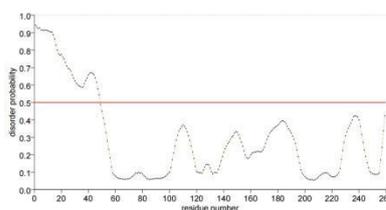
CrLEA2-10



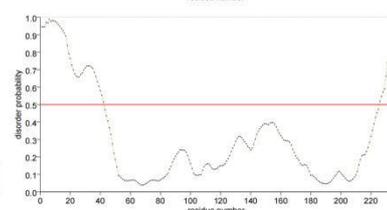
CrLEA2-5



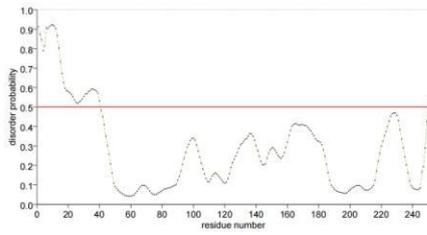
CrLEA2-11



CrLEA2-6

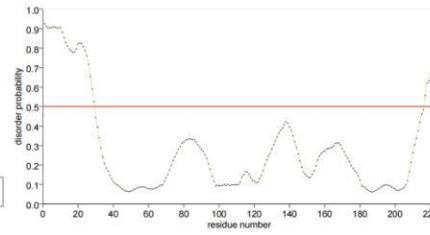


CrLEA2-12



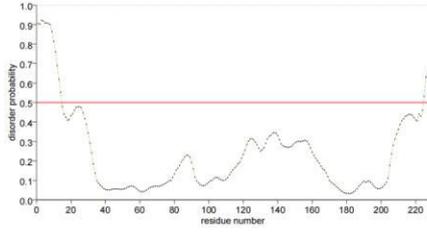
CrLEA2-13

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



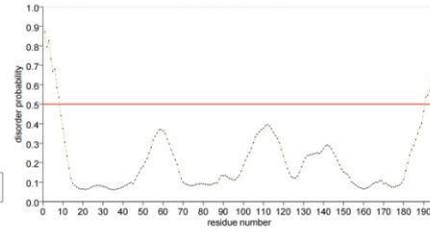
CrLEA2-19

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



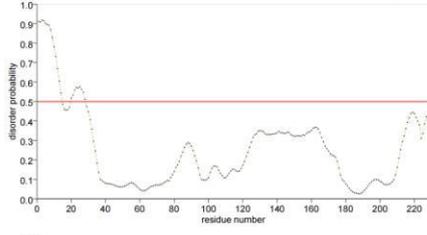
CrLEA2-14

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



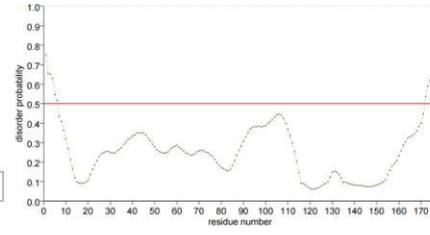
CrLEA2-20

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



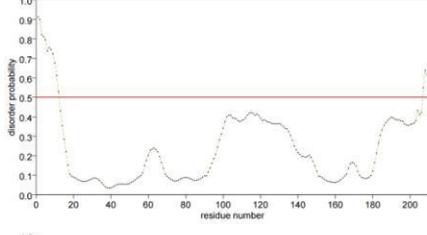
CrLEA2-15

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



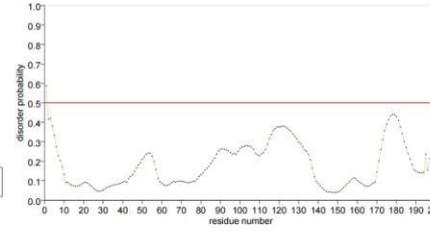
CrLEA2-21

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



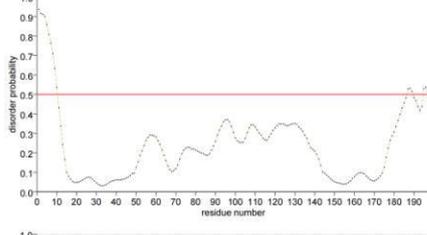
CrLEA2-16

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



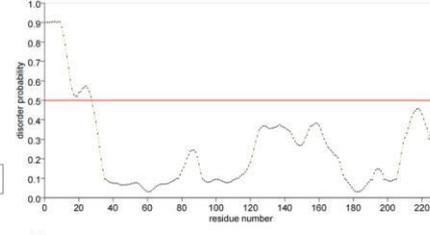
CrLEA2-22

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



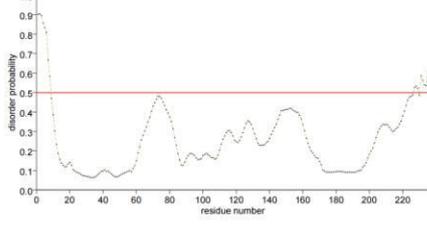
CrLEA2-17

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



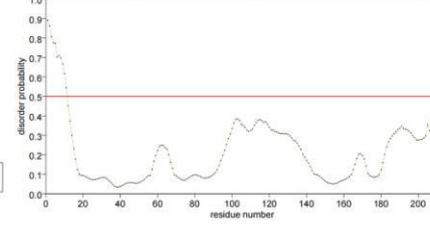
CrLEA2-23

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



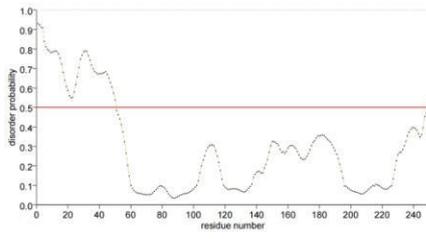
CrLEA2-18

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



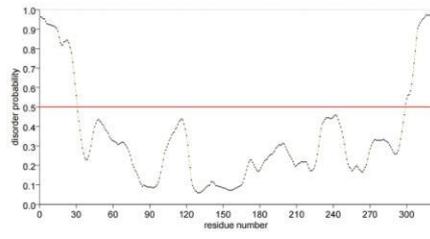
CrLEA2-24

Prediction
Threshold
(FP rate= 5.0%)



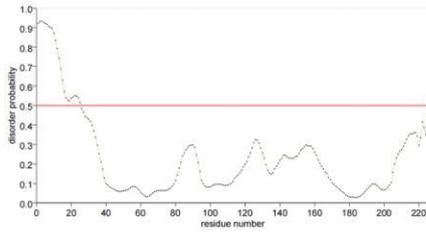
CrLEA2-25

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



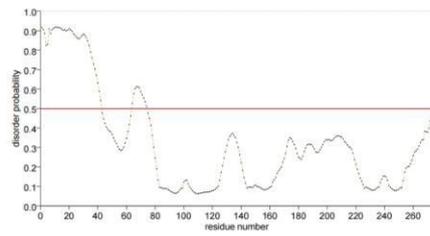
CrLEA2-31

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



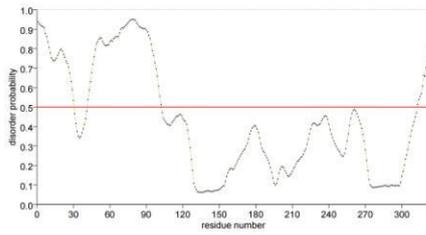
CrLEA2-26

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



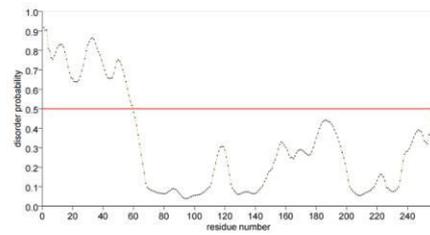
CrLEA2-32

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



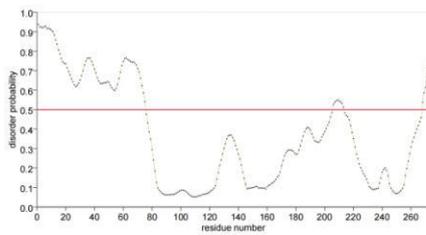
CrLEA2-27

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



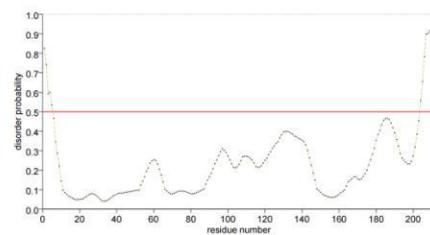
CrLEA2-33

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



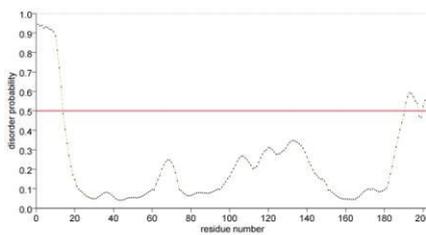
CrLEA2-28

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



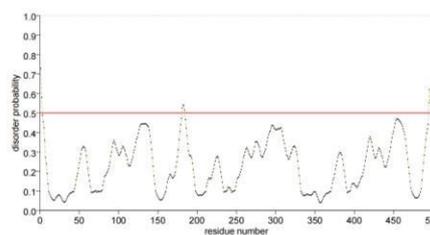
CrLEA2-34

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



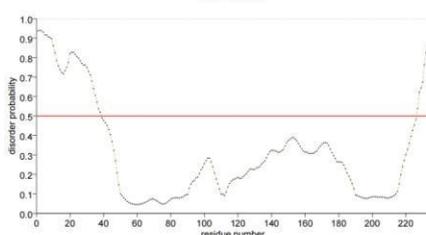
CrLEA2-29

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



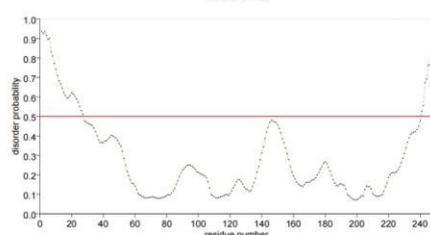
CrLEA2-35

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



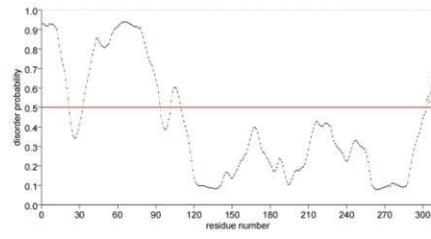
CrLEA2-30

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



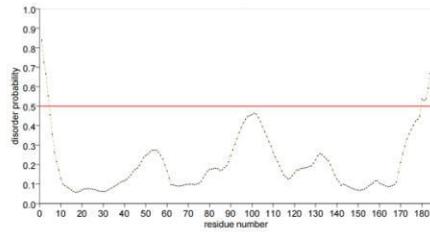
CrLEA2-36

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



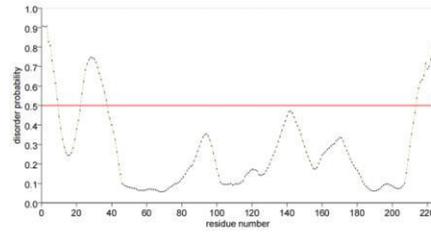
CrLEA2-37

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



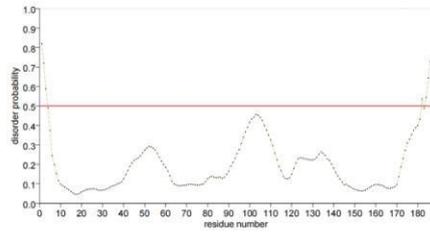
CrLEA2-43

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



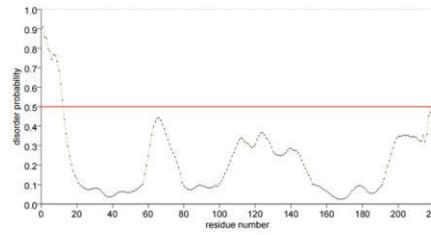
CrLEA2-38

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



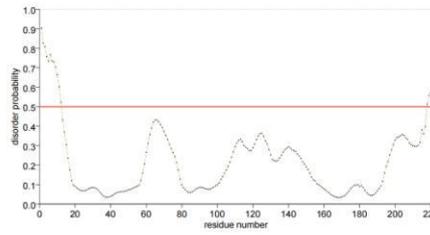
CrLEA2-44

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



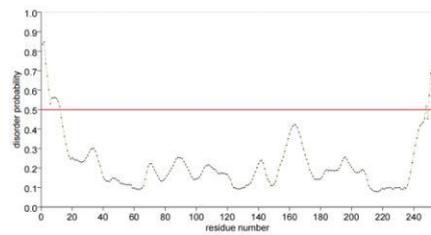
CrLEA2-39

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



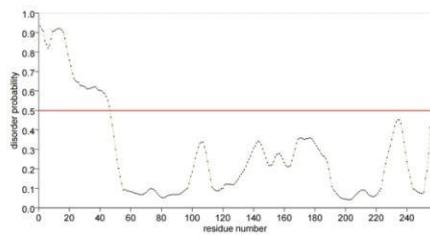
CrLEA2-45

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



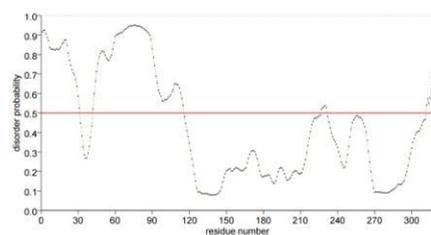
CrLEA2-40

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



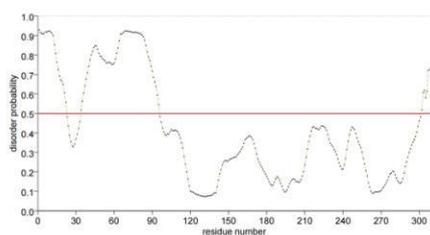
CrLEA2-46

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



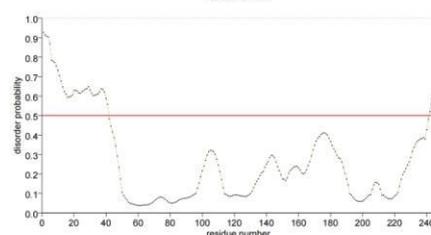
CrLEA2-41

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



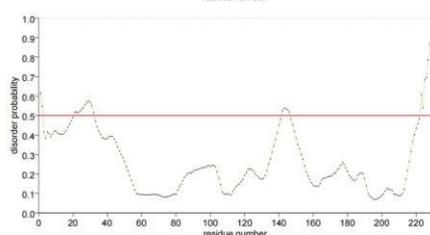
CrLEA2-47

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



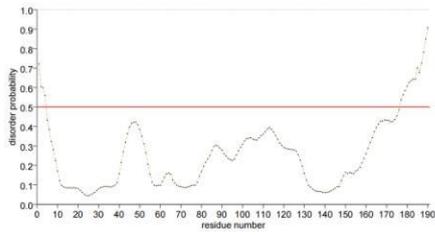
CrLEA2-42

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



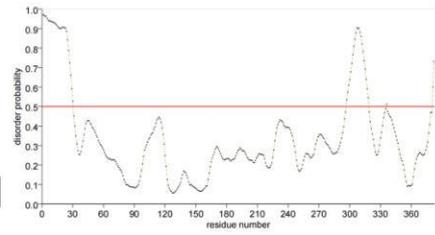
CrLEA2-48

- Prediction
- Threshold
(FP rate= 5.0%)



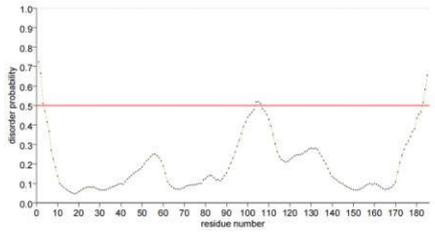
CrLEA2-49

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



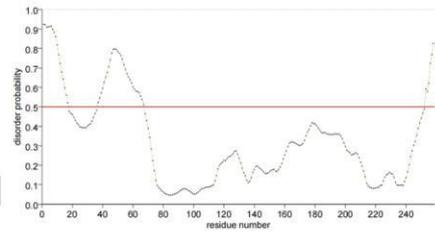
CrLEA2-55

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



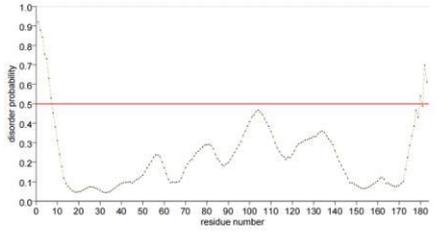
CrLEA2-50

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



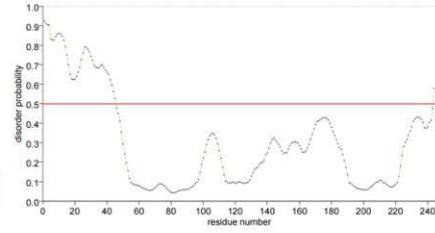
CrLEA2-56

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



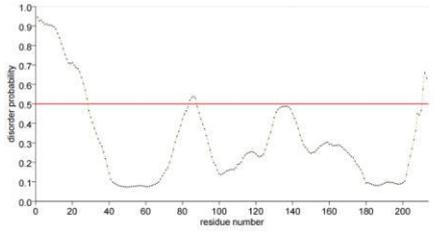
CrLEA2-51

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



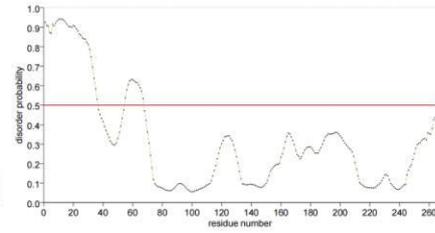
CrLEA2-57

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



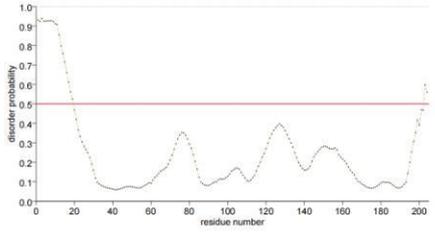
CrLEA2-52

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



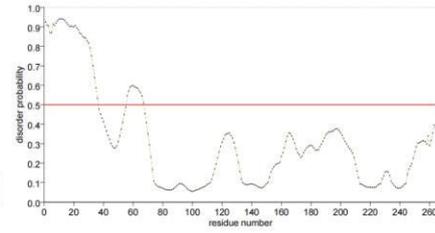
CrLEA2-58

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



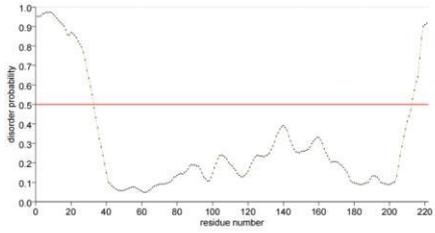
CrLEA2-53

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



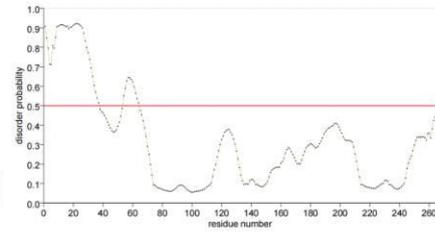
CrLEA2-59

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



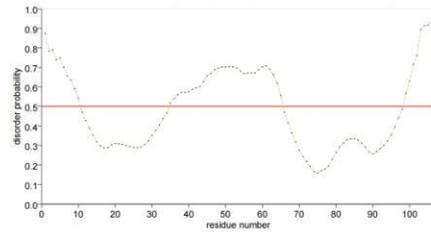
CrLEA2-54

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



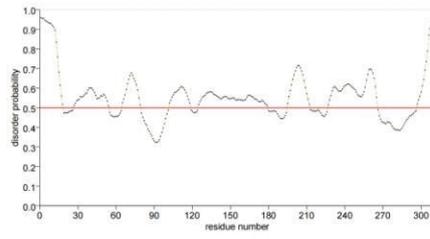
CrLEA2-60

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



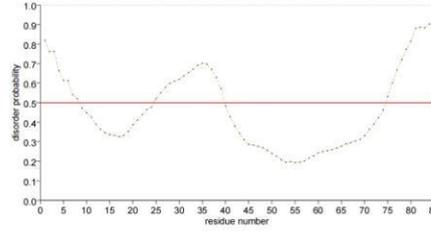
CrLEA3-1

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



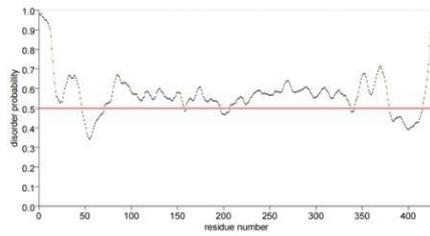
CrLEA4-1

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



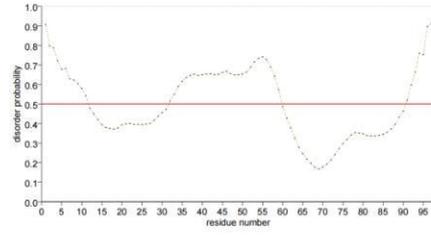
CrLEA3-2

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



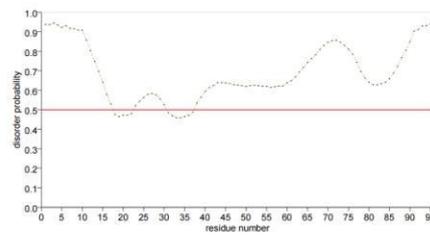
CrLEA4-2

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



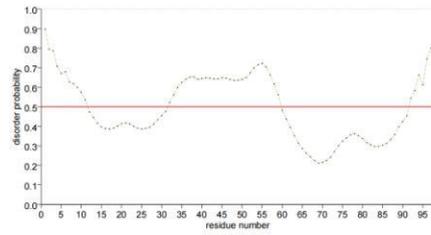
CrLEA3-3

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



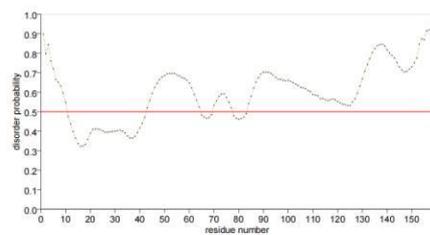
CrLEA5-1

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



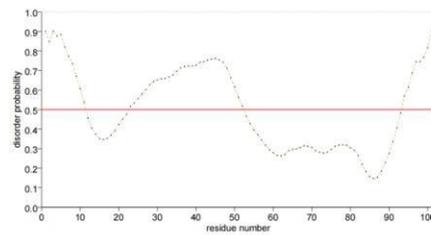
CrLEA3-4

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



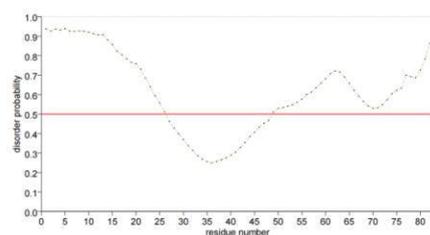
CrLEA5-2

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



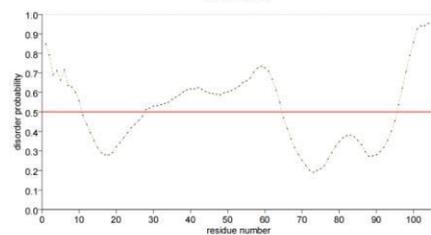
CrLEA3-5

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



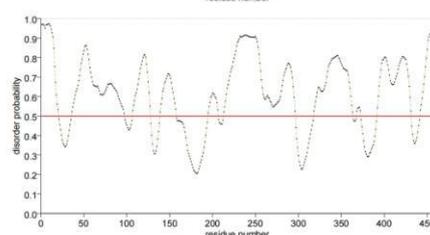
CrLEA6-1

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



CrLEA3-6

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)



CrLEA6-2

- Prediction
- Threshold (FP rate= 5.0%)

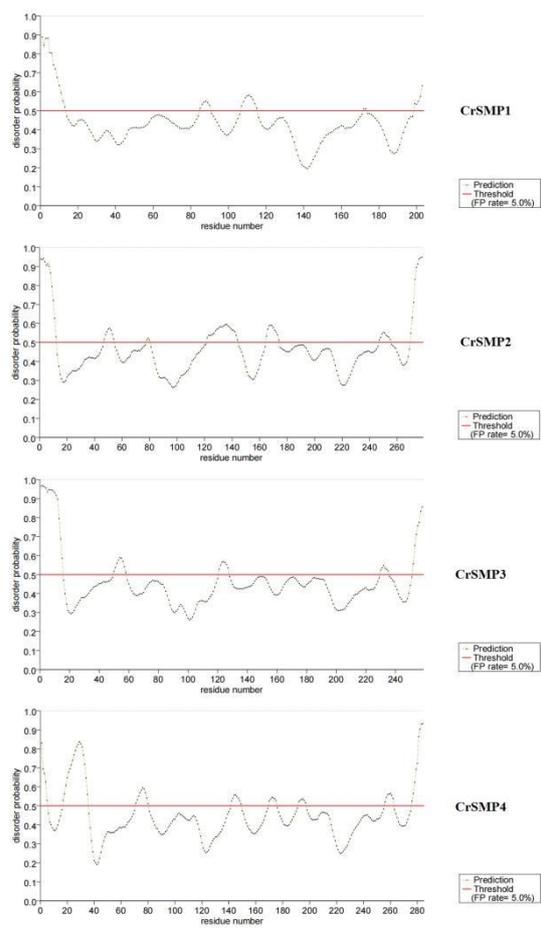


Figure S2. Predicted disorder profile plots of CrLEA and CrASR proteins.

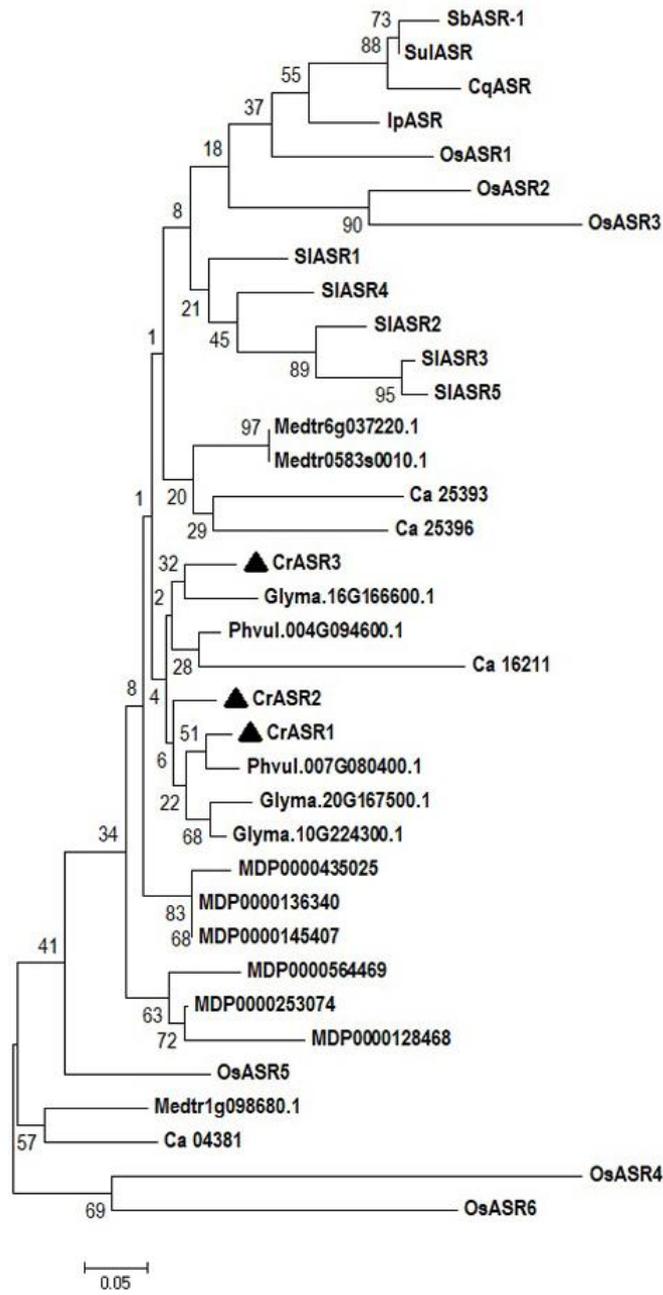


Figure S3. Phylogenetic tree of the plant ASR members.