

Supplementary Figure S1. The PC-3 and DU145 cell lines were certified.

DTAPEP

BIOTÉRIO CENTRAL

DTAPEP

Diretoria Técnica de Apoio ao Ensino e Pesquisa

MEDICINA

USP

AUTENTICAÇÃO DE LINHAGENS

Laudo do Perfil de STR's / STR Profile Report

INFORMAÇÃO DO CLIENTE / CUSTOMER INFORMATION

Nome / Name	IRAN AMORIM DA SILVA
Instituição / Institution	HCFMUSP
Departamento / Department	CIRURGIA
Telefone / Phone	1130617183
E-mail	iransilve@gmail.com

Nome da Linhagem / Cell line name	PC3 (ATCC CRL-1435)
-----------------------------------	---------------------

Amostra recebida em / Samples received in 00-00-0000	Data do laudo / Report date: 16-12-2019
--	---

Loci	Resultado do Teste / Test Result (amostra/sample)				Perfil da referência no Banco de Dados / Reference Database Profile			
	Perfil da Amostra / Query Profile PC3				Perfil da referência / Database Profile PC3 (ATCC CRL-1435)			
TH01	6	7			6	7		
TPOX	8	9			8	9		
vWA	17				17			
CSF1PO	11				11			
D16S539	11				11			
D7S820	8	11			8	11		
D13S317	11				11			
D5S818	13				13			
D21S11								
Amelogenin	x				x			
Número de alelos iguais entre a amostra e referência / Number of shared alleles between query sample and database profile:								12
Total de alelos na amostra referência / Total number of alleles in the database profile:								12
Porcentagem de correspondência entre alelos da amostra e da referência / Percent match between the submitted sample and the database profile:								100

RESULTADO / RESULT

Linhagens celulares com uma porcentagem de correspondência >=80% são consideradas relacionadas, ou seja, derivada de um ancestral comum. Linhagens com porcentagem de correspondência entre 55% e 80% necessitam de novos testes (maior número de marcadores) para confirmar sua autenticidade. / Cell lines with >=80% match are considered to be related; i.e., derived from a common ancestry. Cell lines with between a 55% to 80% match require further profiling for authentication of relatedness. (ATCC - STR Profile Report)

METODOLOGIA / METHODOLOGY

10 STR's, correspondendo aos loci TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin e D21S11 (GenePrint 10 / Promega), foram amplificados e submetidos à eletroforese capilar para separação dos fragmentos (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). Os dados foram analisados através do software XXX GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC). Controles positivos e negativos apropriados foram utilizados na validação de cada amostra. / 10 STR's (TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin and D21S1- GenePrint 10 / Promega) are co-amplified and submitted to capillary electrophoresis (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). An internal lane standard (ILS) and allelic ladder are provided for sizing and genotyping of amplified fragments, and the 2800M Control DNA is supplied as a positive control (GenePrint 10 / Promega). Data is analyzed using software GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC).

INTERPRETAÇÃO DOS DADOS / INTERPRETATION OF DATA

Os resultados foram interpretados segundo as diretrizes do ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization) / Results were interpreted as described in ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization / ATCC STR Profile Report)

☐

A linhagem enviada para análise é de origem humana, mas o seu perfil não corresponde a nenhuma linhagem padrão presente nos bancos de dados analisados / The submitted sample profile is of human origin, but not a match for any profile in the STR database

☒

A linhagem enviada para análise corresponde exatamente à seguinte linhagem celular humana / The submitted profile is an exact match for the following human cell lines):
PC-3 Prostate Adenocarcinoma Human (ATCC:CRL-1435)

☐

O perfil de marcadores da linhagem enviada é similar à(s) seguinte(s) linhagem(s) celular(es) humana(s) / The submitted profile is similar to the following ATCC human cell line(s):

OBSERVAÇÕES / Additional Comments

https://www.atcc.org/en/STR_Database.aspx

Responsável Técnico: Christian Albert Merkel

Email: c.merkel@fm.usp.br

DTAPEP - Diretoria Técnica de Apoio ao Ensino e Pesquisa

Biotério Central da Faculdade de Medicina da USP

Av. Dr. Arnaldo, 455 - Cerqueira César - São Paulo - CEP 01246-903

Fone 11 55 3061-7412

www.bioterio.fm.usp.br

AUTENTICAÇÃO DE LINHAGENS

Laudo do Perfil de STR's / STR Profile Report

INFORMAÇÃO DO CLIENTE / CUSTOMER INFORMATION

Nome / Name	IRAN AMORIM DA SILVA
Instituição / Institution	HCFMUSP
Departamento / Department	CIRURGIA
Telefone / Phone	1130617183
E-mail	iransilva@gmail.com

Nome da Linhagem / Cell line name	DU145 (ATCC HTB-81)
-----------------------------------	---------------------

Amostra recebida em / Samples received in	00-00-0000	Data do laudo / Report date:	16-12-2019
---	------------	------------------------------	------------

Loci	Resultado do Teste / Test Result (amostra/sample)				Perfil da referência no Banco de Dados / Reference Database Profile				
	Perfil da Amostra / Query Profile DU145 (ATCC HTB-81)				Perfil da referência / Database Profile DU145 (ATCC HTB-81)				
TH01	7				7				
TPOX	10	11			11				
vWA	17	18			17	18	19		
CSF1PO	10	11			10	11			
D16S539	10	11	13		11	13			
D7S820	7	10	11		7	10	11		
D13S317	11	12	13	14	12	13	14		
D5S818	10	13			10	13			
D21S11									
Amelogenin	x	y			x	y			
Número de alelos iguais entre a amostra e referência / Number of shared alleles between query sample and database profile:									18
Total de alelos na amostra referência / Total number of alleles in the database profile:									20
Porcentagem de correspondência entre alelos da amostra e da referência / Percent match between the submitted sample and the database profile:									95

RESULTADO / RESULT

Linhagens celulares com uma porcentagem de correspondência >=80% são consideradas relacionadas, ou seja, derivada de um ancestral comum. Linhagens com porcentagem de correspondência entre 55% e 80% necessitam de novos testes (maior número de marcadores) para confirmar sua autenticidade. / Cell lines with >=80% match are considered to be related; i.e., derived from a common ancestry. Cell lines with between a 55% to 80% match require further profiling for authentication of relatedness. (ATCC - STR Profile Report)

METODOLOGIA / METHODOLOGY

10 STR's, correspondendo aos loci TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin e D21S11 (GenePrint 10 / Promega), foram amplificados e submetidos à eletroforese capilar para separação dos fragmentos (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). Os dados foram analisados através do software XXX GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC). Controles positivos e negativos apropriados foram utilizados na validação de cada amostra. / 10 STR's (TH01, TPOX, vWA, CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818, Amelogenin and D21S11- GenePrint 10 / Promega) are co-amplified and submitted to capillary electrophoresis (3730 DNA Analyzer - Applied Biosystems). An internal lane standard (ILS) and allelic ladder are provided for sizing and genotyping of amplified fragments, and the 2800M Control DNA is supplied as a positive control (GenePrint 10 / Promega). Data is analyzed using software GeneMaker HDI v.1.1.0 (Softgenetics LCC).

INTERPRETAÇÃO DOS DADOS / INTERPRETATION OF DATA

Os resultados foram interpretados segundo as diretrizes do ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization) / Results were interpreted as described in ANSI Standards 2011 (ASN-0002 / ATCC Standards Development Organization / ATCC STR Profile Report)

☐ A linhagem enviada para análise é de origem humana, mas o seu perfil não corresponde a nenhuma linhagem padrão presente nos bancos de dados analisados / The submitted sample profile is of human origin, but not a match for any profile in the STR database

☐ A linhagem enviada para análise corresponde exatamente à seguinte linhagem celular humana / The submitted profile is an exact match for the following human cell line(s):

☒ O perfil de marcadores da linhagem enviada é similar à(s) seguinte(s) linhagem(s) celular(es) humana(s) / The submitted profile is similar to the following ATCC human cell line(s):

DU 145 Prostate Carcinoma Human (ATCC HTB-81)

OBSERVAÇÕES / Additional Comments

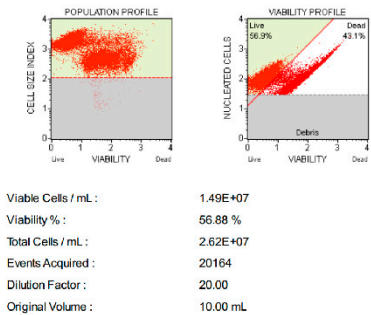
https://www.atcc.org/en/STR_Database.aspx

Responsável Técnico: Christian Albert Merkel

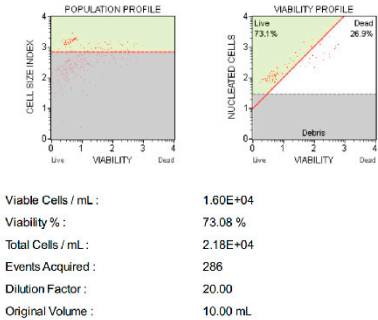
Email: c.merkel@fm.usp.br

Supplementary Figure S2. Concentration and time for selecting plasmid-transfected cells with puromycin.

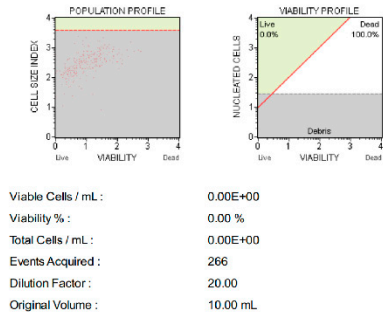
Control



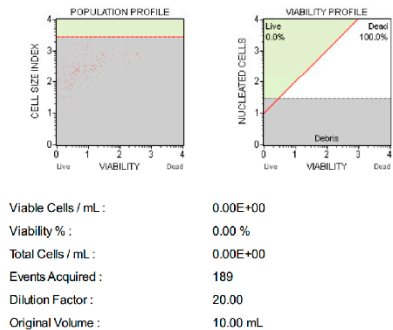
100 µg/mL



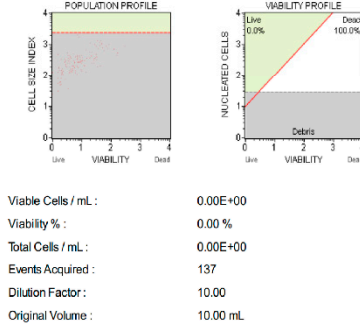
150 µg/mL



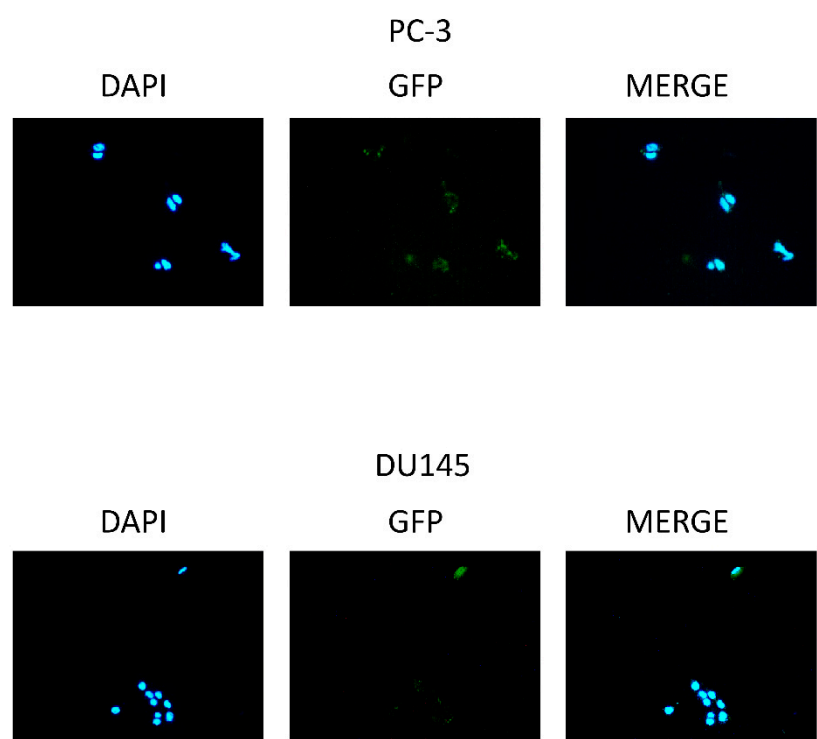
200 µg/mL



250 µg/mL



Supplementary Figure S3. Validation of plasmid transfection with GFP



Supplementary Figure S4.

Western Blotting images

