

Table S2. Length of genes with introns in the cp genomes of *D. heterophyllum*, *D. moldavica*, *D. tanguticum* and *D. taliense*.

D. h.: *D. heterophyllum*; *D. m.*: *D. moldavica*; *D. tan.*: *D. tanguticum*; *D. tal.*: *D. taliense*

Gene	Exon 1				Exon 2				Exon 3				Intron 1				Intron 2			
	Species																			
	<i>D. h</i>	<i>D. m</i>	<i>D. tan</i>	<i>D. tal</i>	<i>D. h</i>	<i>D. m</i>	<i>D. tan</i>	<i>D. tal</i>	<i>D. h</i>	<i>D. m</i>	<i>D. tan</i>	<i>D. tal</i>	<i>D. h</i>	<i>D. m</i>	<i>D. tan</i>	<i>D. tal</i>	<i>D. h</i>	<i>D. m</i>	<i>D. tan</i>	<i>D. tal</i>
<i>atpF</i>	387	411	385	408	150	144	152	144					713	700	708	695				
<i>clpP</i>	230	228	228	228	292	292	292	292	69	71	71	71	647	627	648	637	721	694	693	693
<i>ndhA</i>	539	539	539	539	553	553	553	556					1007	998	1006	1002				
<i>ndhB</i>	756	756	756	756	777	777	777	777					679	679	679	679				
<i>petB</i>	6	6	6	6	642	642	642	642					732	740	726	728				
<i>petD</i>	8	8	8	8	475	475	475	475					709	709	710	710				
<i>rpl16</i>	399	399	399	399	9	9	9	9					882	885	876	874				
<i>rpl2</i>	434	434	434	470	391	391	391	394					663	663	663	624				
<i>rpoC1</i>	1622	1626	1620	1620	433	456	456	456					768	763	768	768				
<i>rps12</i>	114	114	114	114	232	232	232	232	26	26	26	26	528	528	538	538				
<i>rps16</i>	225	225	225	225	42	42	42	42					874	872	871	871				
<i>trnA-UGC</i>	38	38	38	38	35	35	35	35					803	803	803	803				
<i>trnG-UCC</i>	23	23	23	23	47	47	47	48					691	686	684	685				
<i>trnI-GAU</i>	37	37	37	37	35	35	35	35					944	949	949	949				
<i>trnK-UUU</i>	35	35	35	35	37	37	37	37					2535	2510	2546	2550				
<i>trnL-UAA</i>	38	38	38	37	49	49	49	50					495	487	500	497				
<i>trnV-UAC</i>	37	37	37	37	36	36	36	36					580	578	577	577				
<i>ycf3</i>	155	153	153	150	229	228	228	235	129	129	129	134	734	729	748	732	721	705	707	701