

Supplementary Materials: Expression Analyses of Genes Related to Multixenobiotic Resistance in *Mytilus galloprovincialis* after Exposure to Okadaic Acid-Producing *Dinophysis acuminata*

Roi Martínez-Escauriaza, Vanessa Lozano, M. Luz Pérez-Parallé, Juan Blanco, José L. Sánchez and Antonio J. Pazos

Table S1. Rank of candidate reference genes in quantitative real-time reverse transcription–polymerase chain reaction (RT–qPCR), calculated by geNorm, NormFinder, and BestKeeper analysis.

| Digestive gland (DG) | | | | | | | | | |
|----------------------|----------------------------|-----------|---------------------------|-----------|---------------------------|------|---------------------------|------|--------------|
| Rank | GeNorm | average M | Normfinder | Stability | BestKeeper | r | BestKeeper | SD | Overall |
| 1 | <i>gapdh</i> / <i>rps4</i> | 0.56 | <i>gapdh</i> | 0.088 | <i>gapdh</i> | 0.78 | <i>gapdh</i> | 0.76 | <i>gapdh</i> |
| 2 | <i>gapdh</i> / <i>rps4</i> | 0.56 | <i>rps4</i> | 0.105 | <i>rps4</i> | 0.77 | <i>cox1</i> | 0.84 | <i>rps4</i> |
| 3 | <i>cox1</i> | 0.9 | <i>cox1</i> | 0.150 | <i>tif5a</i> | 0.71 | <i>rps4</i> | 0.88 | <i>cox1</i> |
| 4 | <i>act</i> | 1.07 | <i>tif5a</i> | 0.180 | <i>act</i> | 0.67 | <i>18S</i> | 1.06 | <i>tif5a</i> |
| 5 | <i>tif5a</i> | 1.17 | <i>rps27</i> / <i>act</i> | 0.188 | <i>rps27</i> / <i>nd4</i> | 0.58 | <i>rps27</i> | 1.11 | <i>act</i> |
| 6 | <i>rps27</i> | 1.26 | <i>rps27</i> / <i>act</i> | 0.188 | <i>rps27</i> / <i>nd4</i> | 0.58 | <i>act</i> | 1.12 | <i>rps27</i> |
| 7 | <i>18S</i> | 1.41 | <i>18S</i> | 0.200 | <i>cox1</i> | 0.52 | <i>tif5a</i> | 1.19 | <i>18s</i> |
| 8 | <i>nd4</i> | 1.69 | <i>nd4</i> | 0.318 | <i>18S</i> | 0.38 | <i>nd4</i> | 2.15 | <i>nd4</i> |
| Gill (GI) | | | | | | | | | |
| Rank | GeNorm | average M | Normfinder | Stability | BestKeeper | r | BestKeeper | SD | Overall |
| 1 | <i>gapdh</i> / <i>rps4</i> | 0.63 | <i>cox1</i> | 0.088 | <i>cox1</i> / <i>rps4</i> | 0.87 | <i>cox1</i> | 0.56 | <i>rps4</i> |
| 2 | <i>gapdh</i> / <i>rps4</i> | 0.63 | <i>rps4</i> | 0.092 | <i>cox1</i> / <i>rps4</i> | 0.87 | <i>rps4</i> | 0.67 | <i>cox1</i> |
| 3 | <i>cox1</i> | 0.73 | <i>gapdh</i> | 0.093 | <i>rps27</i> | 0.86 | <i>gapdh</i> / <i>18S</i> | 0.78 | <i>gapdh</i> |
| 4 | <i>act</i> | 0.82 | <i>act</i> | 0.106 | <i>gapdh</i> | 0.84 | <i>gapdh</i> / <i>18S</i> | 0.78 | <i>act</i> |
| 5 | <i>rps27</i> | 0.88 | <i>tif5a</i> | 0.136 | <i>act</i> | 0.81 | <i>rps27</i> | 0.87 | <i>rps27</i> |
| 6 | <i>tif5a</i> | 1 | <i>rps27</i> | 0.137 | <i>tif5a</i> | 0.77 | <i>act</i> | 0.90 | <i>tif5a</i> |
| 7 | <i>nd4</i> | 1.08 | <i>nd4</i> | 0.139 | <i>nd4</i> | 0.65 | <i>nd4</i> | 0.92 | <i>nd4</i> |
| 8 | <i>18S</i> | 1.16 | <i>18S</i> | 0.188 | <i>18S</i> | 0.33 | <i>tif5a</i> | 1.08 | <i>18S</i> |
| Mantle (MT) | | | | | | | | | |
| Rank | GeNorm | average M | Normfinder | Stability | BestKeeper | r | BestKeeper | SD | Overall |
| 1 | <i>gapdh</i> / <i>rps4</i> | 0.8 | <i>rps4</i> | 0.094 | <i>rps4</i> | 0.76 | <i>18S</i> | 0.89 | <i>rps4</i> |
| 2 | <i>gapdh</i> / <i>rps4</i> | 0.8 | <i>rps27</i> | 0.114 | <i>tif5a</i> | 0.74 | <i>rps4</i> | 0.97 | <i>gapdh</i> |
| 3 | <i>rps27</i> | 1.06 | <i>gapdh</i> | 0.117 | <i>rps27</i> | 0.70 | <i>gapdh</i> | 1.15 | <i>rps27</i> |
| 4 | <i>act</i> | 1.2 | <i>18S</i> | 0.118 | <i>gapdh</i> | 0.69 | <i>rps27</i> | 1.18 | <i>tif5a</i> |
| 5 | <i>tif5a</i> | 1.34 | <i>cox1</i> | 0.126 | <i>act</i> / <i>18S</i> | 0.68 | <i>tif5a</i> | 1.25 | <i>18S</i> |
| 6 | <i>18S</i> | 1.43 | <i>act</i> | 0.149 | <i>act</i> / <i>18S</i> | 0.68 | <i>cox1</i> | 1.32 | <i>act</i> |
| 7 | <i>cox1</i> | 1.55 | <i>tif5a</i> | 0.172 | <i>cox1</i> | 0.65 | <i>act</i> | 1.42 | <i>cox1</i> |
| 8 | <i>nd4</i> | 1.89 | <i>nd4</i> | 0.339 | <i>nd4</i> | 0.49 | <i>nd4</i> | 2.37 | <i>nd4</i> |