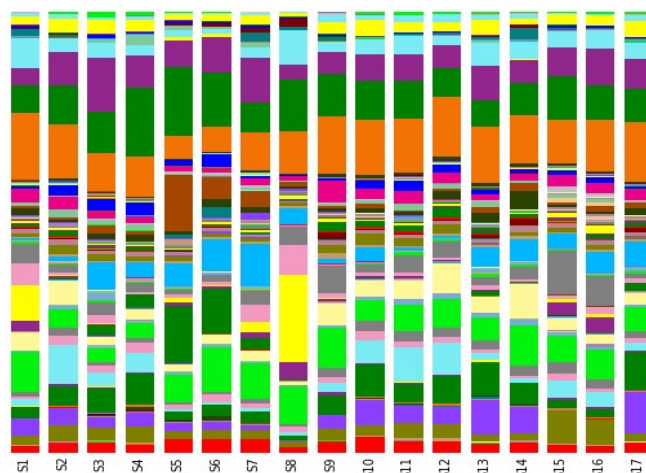


Table S1: Class level diversity for the eight locations analyzed (17 samples). See table 1 for location details.



		Total	S1	S2	S3	S4	S5	S6	S7	S8	S9	S10	S11	S12	S13	S14	S15	S16	S17
Legend	Taxonomy	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%
	k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria	10.90%	15.00%	12.30%	8.60%	9.00%	5.30%	5.70%	8.70%	9.60%	12.90%	12.50%	12.30%	13.70%	12.70%	11.00%	10.00%	11.80%	13.50%
	k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria	9.30%	6.40%	8.90%	9.50%	15.70%	15.50%	12.30%	6.80%	11.60%	9.60%	9.00%	8.40%	6.40%	6.10%	7.10%	9.80%	7.80%	7.70%
	k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Deltaproteobacteria	6.80%	4.00%	7.40%	12.30%	7.40%	6.10%	8.10%	9.90%	3.50%	5.00%	5.80%	6.20%	5.40%	7.60%	5.40%	6.60%	8.20%	6.80%
	k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria	6.50%	9.20%	4.10%	3.00%	3.30%	6.20%	10.20%	8.00%	8.50%	9.10%	4.70%	6.00%	6.50%	5.20%	9.00%	6.10%	6.70%	5.30%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_Solibactes	4.40%	2.60%	4.50%	5.40%	7.00%	1.90%	2.70%	2.70%	0.90%	4.40%	7.40%	4.10%	6.30%	7.50%	4.90%	2.10%	1.90%	8.80%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_Anaerolineae	3.90%	0.50%	1.10%	6.20%	3.40%	5.20%	7.20%	9.60%	3.80%	1.10%	3.10%	0.60%	0.60%	4.50%	4.90%	3.40%	4.70%	5.70%
	k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_[Saprospirae]	3.50%	4.30%	1.90%	2.70%	2.30%	1.20%	1.70%	3.20%	4.20%	6.00%	1.90%	3.80%	3.80%	1.80%	2.70%	9.90%	6.90%	1.20%
	k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria	3.50%	6.60%	3.10%	3.20%	2.30%	1.70%	1.00%	2.50%	7.70%	2.20%	3.50%	4.10%	1.90%	5.20%	3.80%	3.40%	4.10%	3.60%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_Acidobacteria	3.40%	3.90%	3.70%	2.20%	3.20%	1.90%	1.90%	1.00%	0.20%	3.10%	5.60%	3.70%	4.00%	7.80%	6.00%	0.10%	0.10%	9.40%
	k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Thermoleophila	3.40%	4.20%	5.40%	1.60%	2.40%	1.60%	2.00%	2.20%	0.90%	4.80%	3.60%	4.20%	6.70%	3.50%	7.70%	2.60%	2.10%	2.60%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_[Chloracidobacteria]	3.20%	1.60%	8.70%	3.30%	4.40%	0.40%	0.40%	0.80%	0.90%	2.10%	5.20%	7.70%	7.30%	1.40%	1.00%	3.90%	3.40%	1.70%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_Acidobacteria-6	2.90%	2.00%	3.70%	3.10%	3.60%	1.80%	2.10%	1.90%	1.20%	2.70%	2.40%	3.50%	3.10%	1.50%	1.70%	7.50%	5.70%	1.70%
	Unassigned-Other-Other	2.40%	1.60%	2.10%	2.40%	2.00%	3.00%	3.00%	3.20%	1.30%	2.70%	3.50%	2.70%	2.60%	2.10%	2.40%	1.90%	1.60%	2.30%
	k_Bacteria.p_Verrucomicrobi.c_[Pedosphaerae]	2.40%	1.90%	3.20%	3.20%	2.80%	1.50%	1.70%	2.10%	0.60%	2.80%	3.50%	2.30%	1.90%	3.50%	1.20%	2.30%	2.30%	3.80%
	k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia	2.10%	0.00%	0.00%	2.30%	2.90%	13.10%	10.30%	2.70%	0.40%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.90%	0.30%	0.00%	0.10%	1.70%
	k_Bacteria.p_Gemmatimonadetes.c_Gemmatimonadetes	2.10%	3.00%	2.90%	1.50%	1.80%	1.10%	1.10%	1.50%	0.90%	4.90%	2.30%	2.90%	2.00%	1.30%	1.60%	2.40%	2.30%	2.40%
	k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Flavobacteria	2.00%	8.10%	0.10%	0.20%	0.00%	1.10%	0.40%	2.40%	19.80%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.80%	0.70%	0.00%
	k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia	2.00%	0.40%	0.40%	1.80%	0.80%	12.80%	4.90%	3.70%	0.90%	0.50%	0.90%	0.20%	0.50%	1.20%	1.60%	0.60%	1.20%	1.30%
	k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Sphingobacteria	1.70%	5.00%	0.50%	1.70%	0.40%	0.70%	0.70%	3.90%	6.80%	1.20%	0.80%	0.80%	0.70%	1.20%	0.60%	0.90%	1.70%	0.90%
	k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Acidimicrobia	1.60%	1.10%	1.80%	0.90%	1.10%	0.60%	0.60%	1.10%	0.60%	2.10%	2.30%	2.30%	2.10%	1.90%	2.50%	2.60%	2.10%	1.60%
	k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli	1.40%	1.70%	0.70%	1.40%	1.60%	0.90%	2.00%	1.20%	0.50%	0.70%	1.10%	0.90%	1.80%	2.20%	4.20%	0.50%	0.60%	1.40%
	k_Bacteria.p_Nitrospirae.c_Nitrospira	1.40%	0.50%	2.40%	2.60%	2.80%	1.30%	2.80%	0.60%	0.20%	0.60%	1.60%	2.20%	1.60%	1.00%	0.80%	0.90%	1.20%	0.50%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_iii-8	1.30%	0.40%	2.20%	1.50%	2.30%	1.00%	1.70%	0.90%	1.20%	1.30%	2.00%	1.40%	1.20%	0.90%	0.50%	1.50%	0.80%	1.20%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_Chloroflexi	1.20%	0.70%	2.20%	1.30%	1.20%	1.00%	0.80%	0.80%	0.70%	1.80%	2.70%	1.90%	2.10%	0.30%	0.70%	0.90%	1.10%	0.60%
	k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Cytophaga	1.00%	2.40%	0.70%	0.30%	0.10%	0.70%	0.40%	1.30%	3.80%	0.60%	0.20%	0.50%	0.10%	0.20%	0.10%	2.90%	3.40%	0.10%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_Ellin6529	0.80%	0.90%	1.20%	0.80%	0.80%	0.60%	0.90%	0.70%	0.40%	1.20%	0.70%	0.70%	0.70%	0.70%	1.40%	1.10%	1.10%	0.60%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_TK10	0.80%	0.60%	1.00%	0.50%	0.60%	0.30%	0.30%	0.20%	0.10%	2.10%	1.20%	1.30%	2.30%	0.70%	0.60%	0.50%	0.70%	0.80%
	k_Bacteria.p_Gemmatimonadetes.c_Gemm-1	0.80%	0.60%	1.70%	1.20%	1.40%	0.40%	0.30%	0.60%	0.30%	0.50%	0.90%	1.50%	1.20%	1.20%	0.50%	0.80%	1.00%	0.30%
	k_Bacteria.p_Verrucomicrobi.c_[Spartobacteria]	0.80%	0.90%	1.00%	0.50%	0.70%	0.10%	0.10%	0.50%	0.30%	1.60%	1.20%	1.50%	1.90%	1.00%	1.00%	0.20%	0.20%	1.20%
	k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_MB-A2-108	0.70%	0.20%	1.00%	0.30%	0.50%	0.60%	0.50%	0.40%	0.10%	0.70%	0.80%	1.40%	1.40%	0.90%	1.40%	0.90%	0.60%	0.50%
	k_Bacteria.p_TM7.c_TM7-1	0.70%	1.70%	0.70%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	2.10%	0.60%	0.70%	0.30%	0.20%	0.60%	0.50%	2.70%	0.40%	0.30%	0.30%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_C0119	0.50%	0.50%	0.50%	0.40%	0.30%	0.50%	0.60%	0.40%	0.50%	1.30%	0.50%	0.30%	0.50%	0.50%	0.80%	0.40%	0.50%	0.50%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_Thermomicrobia	0.50%	0.70%	0.60%	0.20%	0.30%	0.20%	0.30%	0.60%	0.90%	0.70%	0.20%	0.40%	0.70%	0.10%	0.20%	1.20%	1.90%	0.10%
	k_Bacteria.p_Plancimycetes.c_Plancimycetia	0.50%	0.40%	0.60%	0.30%	0.30%	0.30%	0.40%	0.40%	0.20%	0.70%	0.70%	0.60%	0.90%	0.70%	0.70%	0.40%	0.60%	0.60%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_Kleidonobacteria	0.40%	0.30%	0.30%	0.00%	0.10%	0.30%	0.30%	0.00%	0.00%	1.70%	0.30%	0.10%	0.30%	0.80%	1.60%	0.00%	0.00%	1.10%
	k_Bacteria.p_Elusimicrobi.c_Elusimicrobia	0.40%	0.30%	0.60%	0.30%	0.20%	0.10%	0.10%	0.50%	0.10%	0.20%	0.60%	0.70%	0.40%	0.50%	0.10%	0.50%	0.40%	0.70%
	k_Bacteria.p_WS3.c_PRR-12	0.40%	0.00%	0.40%	1.10%	0.80%	0.30%	0.30%	0.10%	0.00%	0.00%	0.60%	0.60%	0.40%	0.40%	0.20%	0.30%	0.50%	0.30%
	k_Bacteria.p_Chlamydiae.c_Chlamydia	0.30%	0.40%	0.40%	0.50%	0.30%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.30%	0.80%	0.40%	0.70%	0.60%	0.10%	0.30%	0.30%
	k_Bacteria.p_Chlorobi.c_BSV26	0.30%	0.00%	0.00%	1.60%	0.30%	0.20%	0.30%	0.20%	0.00%	0.00%	0.20%	0.10%	0.00%	0.80%	0.40%	0.00%	0.00%	0.30%
	k_Bacteria.p_Cyanobacteria.c_Chloroplast	0.30%	0.20%	0.10%	0.10%	0.00%	0.40%	0.50%	0.90%	0.80%	0.60%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%	0.20%	0.60%	0.20%
	k_Bacteria.p_Gemmatimonadetes.c_Gemm-5	0.30%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.40%	0.60%	0.40%	0.10%	0.20%	0.10%	0.00%	0.10%	0.20%	0.10%	1.50%	0.90%	0.20%
	k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes	0.30%	0.00%	0.00%	0.60%	2.30%	0.90%	0.50%	0.80%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.40%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%
	k_Bacteria.p_TM7.c_TM7-3	0.30%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.50%	0.70%	1.10%	1.90%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.70%	0.00%	0.00%	0.10%
	k_Bacteria.p_Verrucomicrobi.c_Opitatae	0.30%	0.40%	0.10%	0.80%	0.20%	0.40%	0.30%	0.60%	0.20%	0.30%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.00%	0.50%	0.40%	0.20%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_Acidobacteria-5	0.20%	0.10%	0.40%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.40%	0.60%	0.10%	0.10%	0.20%	0.20%	0.10%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_BPC102	0.20%	0.00%	0.00%	0.40%	0.30%	0.20%	0.30%	0.30%	0.10%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.20%	0.20%	0.00%	0.10%	0.30%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_Holophagae	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.80%	0.40%	0.80%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_S035	0.20%	0.00%	0.30%	0.30%	0.40%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.30%	0.30%	0.40%	0.10%	0.10%	0.10%	0.30%	0.00%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_Sva0725	0.20%	0.10%	0.30%	0.40%	0.30%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.60%	0.20%	0.20%	0.20%	0.10%	0.10%	0.40%	0.40%	0.20%
	k_Bacteria.p_Chlorobi.c_	0.20%	0.30%	0.20%	0.10%	0.20%	0.00%	0.00%	0.30%	0.10%	0.20%	0.10%	0.20%	0.20%	0.20%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_S085	0.20%	0.20%	0.30%	0.20%	0.20%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.40%	0.40%	0.30%	0.20%	0.30%	0.40%	0.10%
	k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_TK17	0.20%	0.10%	0.20%	0.30%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%	0.20%	0.20%	0.30%	0.30%	0.20%	0.30%	0.20%	0.20%
	k_Bacteria.p_Fibrobacteres.c_Fibrobacteria	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.20%	0.00%	1.70%	0.70%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
	k_Bacteria.p_Fibrobacteres.c_TG3	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.60%	2.40%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%
	k_Bacteria.p_OD1.c_SM2F11	0.20%	0.40%	0.20%	0.10%	0.10%	0.00%	0.10%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.30%	0.10%	0.20%	0.50%	0.20%	0.10%
	k_Bacteria.p_Plancimycetes.c_Phycisphaerae	0.20%	0.10%	0.10%	0.20%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.20%	0.20%	0.10%	0.30%	0.20%	0.30%	0.30%	0.30%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_DA052	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.20%	0.60%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%
	k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_TM1	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.30%	0.10%	0.50%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%
	k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_OPB41	0.10%	0.00%	0.00%	0.50%	0.20%	0.20%	0.30%	0.20%	0.10%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.30%	0.00%	0.10%	0.10%

k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Rubrobacteria	0.10%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.40%	0.60%	0.00%
k_Bacteria.p_Armalimonadetes.c_0319-BE2	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%
k_Bacteria.p_Armalimonadetes.c_Chthonomonadetes	0.10%	0.00%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.20%	0.20%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%
k_Bacteria.p_Armalimonadetes.c_Fimbrimonadia	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%
k_Bacteria.p_Chlorobici_Lignibacteria	0.10%	0.00%	0.00%	0.50%	0.20%	0.10%	0.10%	0.30%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.30%
k_Bacteria.p_Chlorobici_OPB56	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%
k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_Dehaloкокocoidetes	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.30%	0.50%	0.30%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.30%	0.20%	0.00%	0.10%	0.40%
k_Bacteria.p_Chloroflexi.c_Gltt-GS-136	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%
k_Bacteria.p_Cyanobacteria.c_4Cdd-2	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%
k_Bacteria.p_Cyanobacteria.c_ML63J-21	0.10%	0.20%	0.20%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.20%
k_Bacteria.p_Cyanobacteria.c_Synechococcophycideae	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.00%	0.10%	0.20%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.80%	0.00%	
k_Bacteria.p_Elusimicrobia.c_Endomicrobia	0.10%	0.00%	0.00%	0.20%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_FCPU426.c	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.40%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_Fibrobacteres.c	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	1.40%	0.20%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Gemmatimonadetes.c	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.90%	0.60%	0.00%
k_Bacteria.p_OD1.c	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OD1.c_ABY1	0.10%	0.10%	0.00%	0.20%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OD1.c_ZB2	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.40%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP3.c_kofl11	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.20%	0.10%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.70%	0.60%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_TM6.c_SJA-4	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.20%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_TM7.c_SC3	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.20%	0.00%	0.20%	0.10%	0.00%	0.20%	0.10%	0.20%	0.30%	0.10%	0.20%
k_Bacteria.p_Verrucomicrobia.c_Verrucomicrobiae	0.10%	0.20%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%	0.40%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.20%	0.00%
k_Bacteria.p_WPS-2.c	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.40%	0.10%	0.10%	0.10%	0.20%	0.30%	0.00%	0.00%	0.40%
k_Archaea.p_Crenarchaeota.c_MBGA	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_Crenarchaeota.c_MCG	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_Crenarchaeota.c_Thaumarchaeota	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_Euryarchaeota.c_DSEG	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_Euryarchaeota.c_Methanobacteria	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_Euryarchaeota.c_Methanomicrobia	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_Euryarchaeota.c_Thermoplasmata	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_[Parvarchaeota].c_[Micrarchaea]	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Archaea.p_[Parvarchaeota].c_[Parvarchaea]	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.Other.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_c	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_AC1.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_AC1.c_HDBW-WB69	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_AC1.c_SHA-114	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_AD3.c	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_AD3.c_ABS-6	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_AD3.c_JG37-AG-4	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_Acidobacteria.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Acidobacteria.c	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.20%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_AT-s54	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_EC1113	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_OS-K	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_PAUC37f	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Acidobacteria.c_RB25	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%
k_Bacteria.p_Actinobacteria.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_KIST-JY010	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Nitilriuptoria	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Armalimonadetes.c_Armalimonadia	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Armalimonadetes.c_OPB50	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Armalimonadetes.c_SHA-37	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Armalimonadetes.c_SJA-176	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_BH180-139.c	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_BRC1.c	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_BRC1.c_NPL-UPA2	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_BRC1.c_PRR-11	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_A120OctB3	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_BME43	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_SM1A07	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_VC2_1_Bac22	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_[Rhodotherm]	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%
k_Bacteria.p_Chlorobici_Chlorobia	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Chlorobici_SJA-28	0.00%	0.00																

k_Bacteria.p_Fusobacteriaceae_Fusobacteri	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GAL15.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN02.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN02.c_SBR-5F	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN02.c_BB34	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN02.c_BD1-5	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN02.c_KGS2-174	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN02.c_GN07	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN02.c_IBB17	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN04.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN04.c_GN15	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GN04.c_MSR-5A5	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_GOUTA4.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_Gemmatimonadetes_c_Gemm-2	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.20%	0.00%
k_Bacteria.p_Gemmatimonadetes_c_Gemm-3	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.30%	0.10%	0.00%
k_Bacteria.p_Gemmatimonadetes_c_IL-ETNP-Z39	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Kazan-38-2B.c_	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_LD1.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Lentisphaerae_c_[Lentisphaeria]	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_MVP-21.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_MVS-104.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_NC10.c_12-24	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_NKB19.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_NKB19.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_NKB19.c_TSBW08	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OD1.c_Mb-NB09	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP11.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP11.c_OP11-1	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP11.c_OP11-2	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP11.c_OP11-3	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP11.c_OP11-4	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP11.c_WCHB1-64	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP3.c_BD4-9	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP3.c_PBS-25	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP8.c_OP8_1	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_OP8.c_OP8_2	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_Q28H05-P-BN-P5	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_BD7-11	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_C6	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_ODP123	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_OM190	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_Pla3	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_Pla4	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Planctomycetes.c_vadinHA49	0.00%	0.10%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Proteobacteria.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_TA18	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Zetaproteobacteria	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_SBR1093.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_SBR1093.c_VHS-B5-50	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_SC4.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%
k_Bacteria.p_SR1.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_GN05	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_MVP-15	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_[Brevinematae]	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_[Leptospirae]	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_TM6.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_TM6.c_SBRH58	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_TM7.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_TM7.c_	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.20%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_TM7.c_MJK10	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Teneritutes.c_Mollicutes	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.10%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Verrucomicrobia.Other	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%
k_Bacteria.p_Verrucomicrobia.c_	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%	0.00%									