

Supplemental Tables

Supplemental Table S1. Significance testing of *syg-2* by genotype.

ANOVA						
	Df	Sum of Sq	Mean of Sq	F Value	Pr (>F)	Significant?
Genotype	3	4123	1374.5	235.969	1.23×10^{-14}	Yes
Allele	1	3	2.7	0.455	0.508	No
Genotype&Allele	1	11	10.8	1.856	0.19	No
Residuals	18	105	5.8			
Tukey HSD		Padj	Significant?			
Genotype 1	Genotype 2					
<i>wild type</i>	<i>syg-2(lh6)</i>	1.00	No			
	<i>syg-2(ky673)</i>	0.99	No			
	<i>mig-5</i>	0.97	No			
	<i>mig-5;syg-2(lh6)</i>	1.04×10^{-10}	Yes			
	<i>mig-5;syg-2(ky673)</i>	5.21×10^{-9}	Yes			
<i>syg-2(lh6)</i>	<i>syg-2(ky673)</i>	1.00	No			
	<i>mig-5;syg-2(lh6)</i>	2.29×10^{-10}	Yes			
	<i>mig-5;syg-2(ky673)</i>	1.13×10^{-8}	Yes			
<i>syg-2(ky673)</i>	<i>mig-5;syg-2(ky673)</i>	1.87×10^{-9}	Yes			
<i>mig-5</i>	<i>syg-2(lh6)</i>	1.00	No			
	<i>syg-2(ky673)</i>	1.00	No			
	<i>mig-5;syg-2(lh6)</i>	6.48×10^{-10}	Yes			
	<i>mig-5;syg-2(ky673)</i>	3.26×10^{-8}	Yes			
<i>mig-5;syg-2(lh6)</i>	<i>syg-2(ky673)</i>	1.05×10^{-11}	Yes			
	<i>mig-5;syg-2(ky673)</i>	0.98	No			

Supplemental Table S2. Significance testing of *syg-1*, *syg-2*, *mig-5* and *lin-17*.

ANOVA						
	Df	Sum of Sq	Mean of Sq	F Value	Pr (>F)	Significant?
Genotype	8	4.12×10^8	1912.7	291.3	$<2 \times 10^{-16}$	Yes
Residuals	25	164	6.6			
Tukey HSD						
Genotype 1	Genotype 2	Padj	Significant?			
<i>syg-2</i>	<i>syg-1</i>	1.00	No			
	<i>syg-1syg-2</i>	1.00	No			
	<i>mig-5;syg-2</i>	7.64×10^{-13}	Yes			
	<i>mig-5;syg-1</i>	3.49×10^{-11}	Yes			
	<i>lin-17</i>	3.67×10^{-9}	Yes			
	<i>syg-1;lin-17</i>	3.28×10^{-14}	Yes			
<i>syg-1</i>	<i>mig-5;syg-2</i>	1.11×10^{-13}	Yes			
	<i>mig-5;syg-1</i>	6.39×10^{-12}	Yes			
	<i>lin-17</i>	7.16×10^{-10}	Yes			
<i>syg-1syg-2</i>	<i>syg-1</i>	1.00	No			
	<i>mig-5;syg-2</i>	2.01×10^{-13}	Yes			
	<i>mig-5;syg-1</i>	1.40×10^{-11}	Yes			
	<i>lin-17</i>	1.78×10^{-9}	Yes			
	<i>syg-1;lin-17</i>	3.28×10^{-14}	Yes			
<i>mig-5;syg-2</i>	<i>mig-5;syg-1</i>	1.00	No			
	<i>lin-17</i>	4.58×10^{-2}	Yes			
<i>mig-5;syg-1</i>	<i>lin-17</i>	0.24	No			

<i>syg-2;lin-17</i>	<i>syg-2</i>	3.28×10^{-14}	Yes
	<i>syg-1</i>	3.28×10^{-14}	Yes
	<i>syg-1syg-2</i>	3.28×10^{-14}	Yes
	<i>mig-5;syg-2</i>	1.06×10^{-9}	Yes
	<i>mig-5;syg-1</i>	9.21×10^{-9}	Yes
	<i>lin-17</i>	7.70×10^{-11}	Yes
	<i>syg-1;lin-17</i>	4.70×10^{-2}	Yes
<i>syg-1;lin-17</i>	<i>syg-1</i>	3.28×10^{-14}	Yes
	<i>mig-5;syg-2</i>	3.09×10^{-13}	Yes
	<i>mig-5;syg-1</i>	6.21×10^{-12}	Yes
	<i>lin-17</i>	1.49×10^{-13}	Yes
<i>syg-2syg-1;lin17</i>	<i>syg-2</i>	3.28×10^{-14}	Yes
	<i>syg-1</i>	3.28×10^{-14}	Yes
	<i>syg-1syg-2</i>	3.28×10^{-14}	Yes
	<i>mig-5;syg-2</i>	1.73×10^{-12}	Yes
	<i>mig-5;syg-1</i>	3.61×10^{-11}	Yes
	<i>lin-17</i>	5.33×10^{-13}	Yes
	<i>syg-2;lin-17</i>	0.36	No
	<i>syg-1;lin-17</i>	0.96	No

Supplemental Table S3. Significance testing of L1 vs. adult.

ANOVA						
	Df	Sum of Sq	Mean of Sq	F value	Pr (>F)	Significant?
Genotype	21	53843	2564	51.23	2.00×10^{-16}	Yes
Stage	1	1752	1752.1	35.01	2.00×10^{-16}	Yes
Genotype&Stage	18	5139	285.5	26.41	2.00×10^{-16}	Yes
Residuals	108	1168	10.8			
Tukey HSD						
Genotype		Stage	<i>p</i> (adjusted)	Significant?		
<i>wild-type</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>syg-2</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>syg-1</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>syg-1syg-2</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>mig-5</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>mig-5;syg-2</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>mig-5;syg-1</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>lin-17</i>	L1	Adult	6.52×10^{-11}	Yes		
<i>syg-2;lin-17</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>syg-1;lin-17</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>syg-2syg-1;lin-17</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>fmi-1</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>mig-5;fmi-1</i>	L1	Adult	2.63×10^{-12}	Yes		
<i>fmi-1;syg-2</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>fmi-1;mig-5;syg-2</i>	L1	Adult	0.20	No		
<i>fmi-1;syg-1</i>	L1	Adult	1.00	No		
<i>fmi-1;mig-5;syg-1</i>	L1	Adult	2.60×10^{-11}	Yes		
<i>lin-17;fmi-1</i>	L1	Adult	1.15×10^{-14}	Yes		
<i>dsh-1</i>	L1	Adult	1.00	No		